

ИЗБОРНОМ ВЕЋУ УНИВЕРЗИТЕТА У БЕОГРАДУ-БИОЛОШКОГ ФАКУЛТЕТА

На Х редовној седници Изборног већа Универзитета у Београду - Биолошког факултета, одржаној 12. септембра 2025. године, одређени смо у Комисију за припрему извештаја о пријављеним кандидатима на конкурс за избор једног ванредног професора за ужу научну област Генетика и еволуција на Катедри за Генетику и еволуцију Института за зоологију Биолошког факултета Универзитета у Београду.

На конкурс објављен 24. септембра 2025. године, број 1163-1164, у листу "Послови", као једини кандидат пријавио се др Михаило Јелић, ванредни професор на Катедри за генетику и еволуцију Института за зоологију Биолошког факултета. На основу прегледа приложене документације подносимо Изборном већу Универзитета у Београду – Биолошког факултета следећи

ИЗВЕШТАЈ

1. БИОГРАФСКИ ПОДАЦИ

Др Михаило Јелић је рођен у Београду 1982. године, где ја завршио основну школу и гимназију. Дипломирао је на Универзитету у Београду – Биолошком факултету на студијској групи Молекуларна биологија и физиологија, и изборном усмерењу Примењена генетика са просечном оценом 9,51. У току основних студија је био стипендиста Министарства просвете и спорта (2022-2023), као и Републичке фондације за развој научног и уметничког подмлатка (2003-2006). Докторске академске студије на програму Биологија и модулу Генетика на Биолошком факултету је уписао школске 2007/2008 године где је докторирао 2012. године са просечном оценом 10, и докторском дисертацијом под називом: „Хромозомска, микросателитска и митохондријална ДНК варијабилност популација *Drosophila subobscura* у клисурама и кањонима Србије“.

Др Михаило Јелић ради на Биолошком факултету, при Катедри за генетику и еволуцију у истоименој научној области, од 2007. године, најпре као сарадник у настави (2007-2008), затим асистент (2008-2013), доцент (2013-2021) и ванредни професор (2021-2025). У звање научног сарадника у области природно-математичких наука - биологија, изабран је 2016. године, а реизабран 2021. године. Од 2001. године је шеф Катедре за генетику и еволуцију, и руководиоца модула *Примењена генетика* на мастер академским студијама. Био је члан Савета биолошког факултета (2012-2015). Активно сарађује са колегама са универзитета и научних институција у земљи и иностранству кроз научне пројекте и чланства у комисијама за завршне радове и изборе у звања. Члан је Друштва генетичара Србије, Европског друштва за еволуциону биологију, Ентомолошког друштва Србије и Српског биолошког друштва. Активно говори енглески језик, а служи се и мађарским и руским језиком.

2. НАСТАВНО-ПЕДАГОШКЕ АКТИВНОСТИ

Др Михаило Јелић учествује у извођењу наставе на основним, мастер, специјалистичким и докторским академским студијама у оквиру курсева којима координише Катедра за генетику и еволуцију. Коаутор је једног универзитетског уџбеника, док је рецензирао три универзитетска уџбеника. Био је ментор или члан комисије за одбрану већег броја завршних радова на свим нивоима студија. Руководилац је модула *Примењена генетика* на мастер академским студијама. Према анкетама студената, његов рад је високо вреднован (4,76 у претходном изборном периоду).

а) Основне наставне активности

Универзитетски уџбеник (као део укупне библиографије означен је редним бројем 1, а остале библиографске јединице се настављају од редног броја 2 у научном делу)

	ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (2013-2021)
1.	Катарина Зељић, Марија Савић Веселиновић, Михаило Јелић (2021) Генетика. Биолошки факултет, Универзитета у Београду. ISBN-978-86-7078-163-4, COBISS.SR-ID, 43959305.

Менторство

Бр.	Одбрањена докторска дисертација – ментор НАКОН ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (ПОСЛЕ 2021)
1.	Павле Ерић (2024): Адаптивни значај унутарпопулационе варијабилности митохондријског генома <i>Drosophila subobscura</i> i <i>D. obscura</i> , Ментор: проф. др Михаило Јелић Комисија: проф. др Марија Савић Веселиновић, др Александра Патенковић, др Ивана Будински

Бр.	Одбрањена докторска дисертација – коментор и члан Комисије за преглед, оцену и одбрану ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНИ ПРОФЕСОР (2013-2021)
1.	Катарина К. Јовановић (2016): Молекуларни механизми антипролиферативног дејства рутенијум(II)-аренског комплекса са изохинолин-3-карбоксилном киселином као лигандом у условима <i>in vitro</i> , Комисија: др Невенка Глигоријевић (ментор), доц. др Михаило Јелић (ментор) , проф. др Сања Гргурић-Шипка (члан комисије)
2.	Тијана Б. Бањанац (2016): Физиолошки и молекуларно-генетички показатељи међуврсне хибридизације у оквиру рода <i>Centaureum Hill</i> (Gentianaceae), Комисија: др Бранислав Шилер (ментор), доц. др Михаило Јелић (ментор) , др Данијела Мишић (члан комисије), проф. др Анета Сабољевић (члан комисије), др Маријана Скорић (члан комисије)

БР.	Одбрањен специјалистички рад – <u>коментор</u> и члан Комисије за преглед, оцену и одбрану НАКОН ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (ПОСЛЕ 2021)
1.	Теодора Секулић (2023): Клинички значај и учесталост хромозомских аберација у мултиплом мијелому, Комисија: др Марија Денчић Фекете (ментор), проф. др Михаило Јелић (ментор) , проф. др Драгана Цветковић (члан)

Бр.	Одбрањен специјалистички рад – коментор и члан Комисије за преглед, оцену и одбрану ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНИ ПРОФЕСОР (2013-2021)
1.	Ива Милачић (2014): Оптимизација SNaPshot методе за детекцију мутација у <i>CYP21A2</i> гену код пацијената са конгениталном адреналном хиперплазијом, Комисија: др Маја Стојиљковић (ментор), доц. др Михаило Јелић (ментор) , др Милена Угрин (члан комисије)

БР.	Одбрањен мастер рад – самостални ментор или <u>коментор</u> и члан Комисије за преглед, оцену и одбрану НАКОН ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (ПОСЛЕ 2021)
1.	Мина Миловановић (2021): Генерисање трансгене репортерске линије <i>Tg(ankrd1b:mScarlet)</i> зебрице (<i>Danio rerio</i>), Комисија: др Снежана Којић (ментор), проф. др Михаило Јелић (ментор) , др Милан Којић (члан)
2.	Бојан Илић (2022): Утицај хуманог алфа-1 антитрипсина на процес регенерације репног пераја зебрице, Комисија: др Александра Дивац Ранков (ментор), проф. др Михаило Јелић (ментор) , др Мила Љујић (члан)
3.	Вера Павић (2023): Генерисање <i>knockout</i> -а гена ZFP161 у хуманим U937 моноцитима коришћењем CRISPR методе, Комисија: др Марија Станковић (ментор), проф. др Михаило Јелић (ментор) , Леа Влајнић (члан)
4.	Нађа Тркља (2024): Варијабилност секвенце пластидног <i>trnL-trnF</i> региона популација <i>Blackstonia perfoliata</i> централног дела Балканског полуострва, Комисија: др Биљана Филиповић (ментор), проф. др Михаило Јелић (ментор) , др Тијана Бањанац (члан)

5.	Далила Салиховић (2024): Молекуларно генетичка детекција вируса из подфамилије Orthoparamyxovirinae и вируса рода <i>Orthobornavirus</i> код текунице (<i>Spermophilus citellus</i>), Комисија: доц. др Урош Главинић (ментор), проф. др Михаило Јелић (ментор) , др Горана Стаменковић (члан)
----	--

Бр.	Одбрањен мастер рад – самостални ментор или коментор и члан Комисије за преглед, оцену и одбрану ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНИ ПРОФЕСОР (2013-2021)
1.	Марија Тодоровић (2014): Варијабилност величине и облика крила у условима вишегенерацијског инбридинга <i>Drosophila subobscura</i> , Комисија: др Зорана Курбалија Новичић (ментор), доц. др Михаило Јелић (ментор)
2.	Михајло Јовановић (2015): Број копија митохондријске ДНК различитих величина код линија <i>Drosophila subobscura</i> , Комисија: доц. др Михаило Јелић (ментор) , доц. др Марија Савић Веселиновић (члан комисије)
3.	Кристина Ристић (2016): Полиморфизам Arg399Gln <i>XRCC1</i> гена као прогностички маркер карцинома дојке, Комисија: доц. др Михаило Јелић (ментор) , др Ана Кривокућа (ментор)
4.	Павле Ерић (2016): Варијабилност нуклеотидне секвенце митохондријске ДНК <i>Drosophila subobscura</i> са Старе планине, Комисија: доц. др Михаило Јелић (ментор) , проф. др Марина Стаменковић-Радак (члан комисије)
5.	Ивана Србљак (2018): Испитивање утицаја варијанти с.454-397Т>С и с.454-351А>G у гену за естрогени рецептор алфа на појаву инфаркта миокарда и стенозе каротида, Комисија: др Александра Несторовић (ментор), доц. др Михаило Јелић (ментор) , др Љиљана Ракићевић (члан комисије)
6.	Јелена Каличанин (2019): Варијабилност нуклеотидне секвенце <i>Cyt b</i> гена <i>Drosophila obscura</i> са планине Гоч, Комисија: доц. др Михаило Јелић (ментор) , проф. др Марина Стаменковић Радак (члан комисије)
7.	Ана Сарић (2020): Анализа нивоа метилације ДНК применом метода различите специфичности и осетљивости на моделу ћелија фибробласта ембриона миша, Комисија: др Мелита Видаковић (ментор), др Михаило Јелић (ментор) , др Јелена Арамбасић Јовановић (члан комисије)
8.	Мила Кукобат (2020): Разноврсност нуклеотидне секвенце <i>Cyt b</i> гена белоглавог супа (<i>Gyps fulvus</i>) са територије Републике Србије, Комисија: др Слободан Давидовић (ментор), доц. др Михаило Јелић (ментор)
9.	Тамара Лукић (2020): Допринос анализе варијабилности хлоропластног trnL-trnF региона у проучавању хибридизације одабраних врста рода <i>Centaureum</i> Hill, Комисија: др Бранислав Шилер (члан комисије), др Тијана Бањанац (ментор), доц. др Михаило Јелић (ментор)

Бр.	Одбрањен дипломски рад – самостални ментор или коментор ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНИ ПРОФЕСОР (2013-2021)
1.	Миона Терзић (2014): Значај SUMOilације E2A/DBP протеина у току продуктивне инфекције хуманим аденовирусом типа 5, Комисија: доц. др Михаило Јелић (ментор) , Љупка Филиповић (члан комисије)
2.	Марија Стојановић (2014) Утицај генотипа и еколошких услова на принос семена различитих група хибрида сунцокрета (<i>Helianthus annuus</i> L.), Комисија: доц. др Михаило Јелић (ментор) , Марија Танасковић (члан комисије)
3.	Неда Анђелић (2014): Типови молекуларних маркера и употреба микросателита у генетичким истраживањима, Комисија: доц. др Михаило Јелић (ментор) , доц. др Марија Савић Веселиновић (члан комисије)
4.	Ана Танасковић (2016): Генетичка основа ендометријалних карцинома, Комисија: доц. др Михаило Јелић (ментор) , доц. др Катарина Зељић (члан комисије)
5.	Марио Беламерић (2016): Потрага за микросателитским молекуларним маркерима биоинформатичком обрадом секвенцираног транскрипта <i>Centaureum erythraea</i> Rafn, Комисија: доц. др Михаило Јелић (ментор) , др Бранислав Шилер (ментор), др Маријана Скорић (члан комисије)
6.	Ратка Мандић (2016): Генетичка основа отпорности на маларију, Комисија: доц. др Михаило Јелић (ментор) , доц. др Катарина Зељић (члан комисије)

7.	Маја Зекавица (2016): Генетичка основа резистенције на вирус хумане имунодефицијенције и утицај на прогнозу тока болести, Комисија: доц. др Михаило Јелић (ментор) , др Марија Савић Веселиновић (члан комисије)
----	--

Учешће у комисијама

Бр.	Учешће у комисији за одбрану докторске дисертације НАКОН ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНИ ПРОФЕСОР (НАКОН 2021)
1.	Мирјана Берибака (2022): Утицај повишене концентрације олова на промјене у саставу микробиоте и особине животне историје код <i>Drosophila melanogaster</i> и <i>Drosophila subobscura</i> , Ментор: проф. др Марина Стаменковић-Радак, Комисија: проф. др Михаило Јелић , др Марија Танасковић, др Александра Патенковић, проф. др Славиша Станковић
2.	Мина Тољић (2024): Ниво ванћелијских miR-17, miR-29a, miR-181a, проинфламаторних цитокина и параметара оксидативног оштећења у крви пацијенткиња са гестацијским дијабетесом и гестацијском артеријском хипертензијом, Ментори: др Ивана Јоксић, проф. др Марија Савић Веселиновић, Комисија: проф. др Јелена Милашин, др Нађа Николић, доц. др Наташа Караџов Орлић, проф. др Катарина Зељић, проф. др Михаило Јелић
3.	Милица Михајловић Срејић (2025): Популационо-специфични маркери који дефинишу рељеф хаплогрупе I код Срба са територије Балкана, Ментор: проф. др Душан Кецкаревић, Комисија: доц др. Милица Кецкаревић Марковић, проф. др Михаило Јелић , др Слободан Давидовић
4.	Леа Влајнић (2025): Еволуција мито-једарних интеракција: "материнска клетва" и "техника тројанских женки" у регулисању бројности популација пасуљевог жишка (<i>Acanthoscelides obtectus</i> , Say) Ментор: проф. др Биљана Стојковић, др Мирко Ђорђевић Комисија: проф. др Михаило Јелић , др Урош Савковић, др Павле Ерић
5.	Катарина Ерић (2025): Термална адаптација и отпорност на стрес у популацијама <i>Drosophila subobscura</i> са различитих надморских висина Ментори: др Марија Танасковић, проф. др Марија Савић Веселиновић Комисија: проф. др Михаило Јелић, др Марија Рајичић, др Павле Ерић

Бр.	Учешће у комисији за одбрану докторске дисертације ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНИ ПРОФЕСОР (2013-2021)
1.	Ива Д. Милачић (2017): Молекуларно-генетичка основа конгениталне адреналне хиперплазије у Србији: карактеризација мутација у <i>CYP21A2</i> гену, Комисија: др Соња Павловић (ментор), др Милена Угрин (ментор), доц. др Михаило Јелић (члан комисије)
2.	Марија Рајичић (2019): Молекуларна структура, порекло и функција Б хромозома код жутогрлог шумског миша, <i>Apodemus flavicollis</i> (Mammalia, Rodentia), Комисија: др Јелена Благојевић (ментор), др Тања Аднађевић (ментор), др Михаило Јелић (члан комисије)
3.	Јована Комазец (2020): Варијанте кодирајућих и не кодирајућих региона гена узрочника дијабетеса адултног типа код младих као модулатори фенотипа и регулатори генске експресије, Комисија: др Милена Угрин (ментор), др Соња Павловић (ментор), проф. др Светлана Радовић (члан комисије), доц. др Михаило Јелић (члан комисије) , доц. др Вера Здравковић (члан комисије)

Бр.	Учешће у комисији за одбрану докторске дисертације изван Биолошког факултета ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНИ ПРОФЕСОР (2013-2021)
1.	Миломир Стефановић (2020): Молекуларни диверзитет и генетички сигнали локалних адаптација врсте <i>Lepus europaeus</i> Pallas, 1778 у хетерогеним условима средине, Комисија: доц. др Дејан Беуковић (члан комисије), доц. др Михаило Јелић (члан комисије) , проф. др Михајла Ђан (ментор), dr Franz Suchentrunk (ментор)

Бр.	Учешће у комисији за одбрану специјалистичког рада ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНИ ПРОФЕСОР (2013-2021)
1.	Боривоје Савић (2016): Молекуларна дијагностика и генетичка анализа цирковируса типа 2 (PCV2) у популацијама домаћих свиња у Србији, Комисија: проф. др Марина Стаменковић-Радак (ментор), доц. др Божидар Савић (ментор), доц. др Михаило Јелић (члан комисије)
2.	Драгана Вуковић (2017): Учесталост хромозомских аберација у спонтаним и хабитуалним побачајима у групи испитаница из Србије, Комисија: доц. др. Катарина Зељић (ментор), доц. др Марија Савић Веселиновић (члан комисије), доц. др Михаило Јелић (члан комисије)
3.	Сања Стојановић (2019): Образац експресије најчешће коришћених референтних гена у узорцима хуманог масног ткива и липома, Комисија: проф. др Александра Кораћ (ментор), проф. др Стево Најман (ментор), доц. др Михаило Јелић (члан комисије)
4.	Александра Милетић (2020): Дијагностички значај методе вишеструког умножавања проба зависног од лигације у детекцији микроделеционих / микродупликационих синдрома, Комисија: доц. др Горан Чутурило (ментор), проф. др Катарина Зељић (ментор), доц. др Михаило Јелић (члан комисије)

Бр.	Учешће у комисији за одбрану мастер рада ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНИ ПРОФЕСОР (2013-2025)
1.	Стојанка Павловић (2014): Примена концепт мапа у реализацији филогенетских програмских садржаја биологије за четврти разред гимназије, Комисија: проф. др Јелена Станисављевић (ментор), доц. др Михаило Јелић (члан комисије)

Бр.	Учешће у комисији за одбрану мастер рада ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНИ ПРОФЕСОР (пре 2013)
1.	Бранка Новаковић (2012): Улога амплификације c-erbB-2 и c-myc онкогена у патогенези плеоморфних аденома плувачних жлезда. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), др Михаило Јелић (члан комисије)

Бр.	Учешће у комисији за одбрану дипломског рада ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНИ ПРОФЕСОР (2013-2025)
1.	Сања Тодоровић (2014): Геномски импринтинг – механизми, функције и поремећаји, Комисија: доц. др Марија Савић Веселиновић (ментор), доц. др Михаило Јелић (члан комисије)
2.	Ивана Вагић (2016): Молекуларно-генетичка анализа CYP2D6 гена у узорку популације Србије, Комисија: проф. др Биљана Стојковић (ментор), проф. др Оливер Стојковић (ментор), доц. др Михаило Јелић (члан комисије)
3.	Тијана Томић (2016): Повезаност полиморфизма -159C/T CD14 гена са ризиком за настанак оралног планоцелуларног карцинома, Комисија: доц. др Катарина Зељић (ментор), доц. др Гордана Шупић (ментор), доц. др Михаило Јелић (члан комисије)

Бр.	Учешће у комисији за одбрану дипломског рада ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНИ ПРОФЕСОР (пре 2013)
1.	Јелена Златковић (2007): Анализа полиморфизма гена за ендотелну азот оксид синтазу код болесника на хемодијализи. Комисија: проф. др Марина Стаменковић-Радак (ментор), мр. сци. Татјана Дамњановић (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
2.	Тања Новковић (2007): A1298C и MTHFR гени код деце са акутном лимфоидном леукемијом. Комисија: проф. др Марина Стаменковић-Радак (ментор), проф. др Јелена Милашин (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
3.	Тања Петричевић (2007): Мутације K-ras гена у карциному јајника. Комисија: проф. др Марина Стаменковић-Радак (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
4.	Марија Мучибабић (2007): Изолација VP2 гена из Парвовируса. Комисија: проф. др Марина Стаменковић-Радак (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
5.	Миљана Танић (2008): Анализа асоцијације полиморфизма хуманог меланокортин – 1 рецептор и витамин Д рецептор гена са малигним меланомом. Комисија: проф. др Марина Стаменковић-Радак (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)

6.	Јована Јовановић (2007): Одређивање учесталости и значаја полиморфизма у MTHFR гену код пацијената оболелих од сквамозног оралног канцера. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), проф. др Звонко Магић (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
7.	Сандра Травица (2007): Детекција хиперметилације промотора p16 ^{INK4a} тумор супресор гена код пацијената оболелих од сквамозног оралног канцера. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), проф. др Звонко Магић (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
8.	Оља Мијановић (2007): Испитивање учесталости делеције GSTM1 гена као потенцијалног предиспонирајућег фактора у оралном карциному. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), проф. др Јелена Милашин (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
9.	Драгана Ландуп (2007): Детекција мутација у p53 гену и присусво хуманог папилома вируса код болесника са оралним туморима. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), проф. др Звонко Магић (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
10.	Ана Бацковић (2007): Полиморфизам гена за MTHFR као потенцијални предиспонирајући фактор малигних обољења. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), проф. др Јелена Милашин (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
11.	Јелена Цветковић (2007): Полиморфизам CYP2E1 гена као потенцијални предиспонирајући фактор за развој планоцелуларног карцинома усне регије. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), проф. др Звонко Магић (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
12.	Јелена Милошевић (2008): Анализа полиморфности гена за глутатион S-трансферазу (GSTT1, GSTM1 i GSTP1) код пацијената оболелих од базоцелуларног карцинома коже. Комисија: проф. др Марина Стаменковић-Радак, (ментор) проф. др Звонко Магић (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
13.	Маја Божовић (2008): Испитивање антигенотоксичног ефекта линцуре (<i>Gentianella austriaca</i>) употребом теста мозаичности крила. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), Александра Патенковић (члан комисије), Михаило Јелић (члан комисије)
14.	Јелена Ђенић (2008): Испитивање 4a/4b полиморфизма гена за ендотелну азот оксид синтазу (e NOS) код болесника на хемодијализи. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), мр сци. Татјана Дамњановић (члан комисије), Михаило Јелић (члан комисије)
15.	Катарина Зељић (2008): Анализа полиморфизма CD14 gena (C-159T) код болесника са сепсом и/или траумом. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), др Бојана Цикота (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
16.	Бранка Нешић (2008): Детекција микроорганизама у узорцима оболелих од апексног парадонтитиса. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), проф. др Јелена Милашин (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
17.	Јована Чуповић (2009): Полиморфизам -819C>T гена за IL-10 код пацијената са реуматоидним артритисом. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
18.	Ана Кривокућа (2009): Учесталост мутације 5382insC у гену BRCA1 у узорку жена са карциномом дојке у Србији. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), др Мирјана Бранковић Магић (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
19.	Милица Недељковић (2009): Полиморфизам IL-10 T3575A код болесника од оралног lichen planus-a. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
20.	Маја Милановић (2009): Учесталост и значај полиморфизма TNF-α, IL-1Ra и IL-10 гена код болесника са оралним lichen planusom. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
21.	Слађана Загорац (2010): Повезаност HaeIII полиморфизма ADH1C гена са оралним сквамозелуларним карциномом. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), др Гордана Шупић (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
22.	Дијана Шпалета (2010): Радиоактивна контаминација животне средине и њен утицај на живе системе. Комисија: академик Марко Анђелковић (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
23.	Жаклина Богосављевић (2010): Примена биотехнологије и молекуларних маркера у оплећењавању биљака. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
24.	Драгана Антонић (2010): Генетичка основа биполарног афективног поремећаја. Комисија: доц. др Софија Павковић-Лучић (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
25.	Ивана Аћимовић (2010): Експресија p53 гена у хуманим карциномима желуца и дебелог црева. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)

26.	Јасмина Василијевић (2010): Анализа Таq полиморфизма VDR гена код болесника са оралним сквамозелуларним карциномом (OSCC). Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), др Гордана Шупић (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
27.	Марија Којић (2011): Полиморфност гена за антагонист интерлеукин-1 рецептора (IL-1 га) код пацијената са периимплантитисом. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
28.	Јована Голубовић (2011): Успешност у парењу јединки <i>Drosophila subobscura</i> са еколошки различитих станишта укрштаних у сродству током више генерација. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), др Татјана Савић (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
29.	Ивана Ђукановић (2011): Варијабилност митохондријалне ДНК у две природне популације <i>Drosophila subobscura</i> са два еколошки различита станишта. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), Марија Танасковић (члан комисије), Михаило Јелић (члан комисије)
30.	Данијела Јонтуловић (2012): Детекција мутација B-RAF онкогена у узорцима тумора плућа SSCP методом и директним секвенцирањем. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
31.	Тања Живковић (2012): Полиморфизам промоторске секвенце интерлеукина-10 код пацијената са базозелуларним карциномом коже. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)
32.	Јована Васиљевић (2012): Повезаност Asp299Gly(rs4986790) и Thr399Ile(rs4986791) полиморфизма TLR4 гена са појавом сепсе. Комисија: проф. др. Марина Стаменковић-Радак (ментор), др Бојана Цикота Алексић (ментор), Михаило Јелић (члан комисије)

Бр.	Учесће у комисији за одбрану завршног рада изван Биолошког факултета ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНИ ПРОФЕСОР (пре 2013)
1.	Драгомир Миловановић (2011): (завршни рад на Хемијском факултету): Варијабилност молекула митохондријалне ДНК у природној популацији врсте <i>Drosophila subobscura</i> . Комисија: проф. др Весна Никетић (ментор), др Зорана Курбалија Новичић (члан комисије), Михаило Јелић (члан комисије)

Држање наставе на курсу

Бодовани су само трогодишњи периоди

НАКОН ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (НАКОН 2021)		
Курс са преузетим наставним програмом	Ниво студија (статус предмета)	Школска година
Генетика	ОАС (обавезни)	2021/2022 2022/2023 2023/2024 2024/2025
Генетика развића	ОАС (изборни)	2021/2022 2022/2023 2023/2024 2024/2025
Популациона генетика	ДАС (обавезни)	2021/2022 2022/2023 2023/2024 2024/2025
Генетички и еволуциони аспекти конзервационе биологије #	ДАС (изборни) нова акредитација	2021/2022 2022/2023 2023/2024
Виши курс генетике *	САС (обавезни)	2021/2022 2022/2023 2023/2024 2024/2025
Хумана популациона генетика	САС (изборни)	2023/2024
Увод у форензичку генетику	МАС (изборни)	2023/2024 2024/2025

сходно доприносу кандидата настави курс бодован са 1 поеном уместо 2

*на курсу предавања држи више од 5 предавача, по позиву. Бодовано је 1 уместо 2.

НАКОН ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (НАКОН 2021)		
Курс за који је кандидат у потпуности припремио наставни програм	Ниво студија (статус предмета)	Школска година
Стручно истраживачки пројекат *	ОАС (изборни)	2022/2023 2024/2025
Биоинформатичка анализа генетичких података/ Статистичка и биоинформатичка анализа генетичких података	ДАС (изборни)	2021/2022 2022/2023 2023/2024 2024/2025

* курс Стручно истраживачки пројекат је бодован 1 поеном по години

ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (2013-2021)		
Курс са преузетим наставним програмом	Ниво студија (статус предмета)	Школска година
Генетика	ОАС (обавезни)	2013/14; 2014/15 2015/16; 2016/17 2017/18; 2018/19 2019/20; 2020/21
Генетика развића	ОАС (изборни)	2018/19; 2019/20
Популациона генетика	ДАС (обавезни)	2012/13; 2013/14 2014/15; 2015/16 2016/17; 2017/18; 2018/19 2019/20; 2020/21
Виши курс молекуларне генетике Еукариота	ДАС (изборни)	2014/15; 2015/16 2017/18; 2018/19 2019/20;
Конзервациона генетика	ДАС (изборни)	2014/15; 2015/16 2016/17; 2017/18; 2018/19 2019/20;
Генетички и еволуциони аспекти конзервационе биологије	ДАС (изборни)	2020/21
Виши курс генетике*	САС (обавезни)	2017/18; 2018/19 2019/20; 2020/21

*на курсу предавања држи више од 5 предавача, по позиву. Бодовано је 1 уместо 2.

ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (2013-2021)		
Курс за који је кандидат у потпуности припремио наставни програм	Ниво студија (статус предмета)	Школска година
Стручно истраживачки пројекат*	ОАС (изборни)	2020/21
Биоинформатичка анализа генетичких података	ДАС (изборни)	2020/21

* курс Стручно истраживачки пројекат је бодован 1 поеном по години

Учешће у реализацији практичне наставе на курсу по школској години

НАКОН ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (након 2021)		
Курс	Ниво студија (статус предмета)	Школска година
Генетика	ОАС (обавезни)	2021/2022 2022/2023 2023/2024 2024/2025

ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (2013-2021)		
Курс	Ниво студија (статус предмета)	Школска година
Генетика	ОАС (обавезни)	2013/14; 2014/15 2015/16; 2016/17 2017/18; 2018/19 2019/20; 2020/21

ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (пре 2013)		
Курс	Ниво студија (статус предмета)	Школска година
Генетика/Принципи генетике	ОАС (обавезни)	2007/08; 2008/09 2009/10; 2011/12 2012/13
Квантитативна генетика и оплемењивање организама	ОАС (изборни)	2009/2010

Оцене на анкети студената

НАКОН ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (након 2021)						
Курс	Ниво студија (статус предмета)	Школска година				Просечна оцена
		(бр. анкетираних студената)				
		2021/2022	2022/2023	2023/2024	2024/2025	
Генетика (ОА-О8)	ОАС (обавезни)	4,78 (31)	/	/	/	4,78
Генетика (ОАС-О7)	ОАС (обавезни)	4,64 (215)	/	/	/	4,64
Генетика развића (ОАС-ИБ5Б-3)	ОАС (изборни)	5,00 (36)	4,87 (26)	4,95 (22)	/	4,94
Статистичка и биоинформатичка анализа генетичких података (ДБМ07)	ДС (изборни)	/	5,00 (8)	5,00 (6)	/	5,00
Увод у форензичку генетику (ММС9И1)	МАС (избори)	/	/	/	4,42 (14)	4,42

/Недостају подаци

Просек оцена по курсу 4,76

ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (2013-2021)										
Курс	Ниво студија (статус предмета)	Школска година								Просечна оцена
		(бр. анкетираних студената/укупан бр., студ. група)								
		2013/14	2014/15	2015/16	2016/17	2017/18	2018/19	2019/20	2020/21	
Генетика ОА-08-	ОАС (обавезни)	4,06 (138/192 МБФ, Б, Е)	/	4,56 (61/210 МБФ+Б+Е)*	4,44 (52/381)	4,58 (173/399)	/	4,60 (34/135)	/	4,44
Генетика ОАС-07-	ОАС (обавезни)	/	/	/	/	/	/	4,78 (82/138)	/	4,78

Генетика развића (ОАС-ИБ5Б-3)	ОАС (изборни)	/	/	/	/	/	4,92 (21/27)	4,95 (18/18)	4,82 (48/48)	4,90
Виши курс молекуларне генетике еукариота (ДН-ГЕН-И1)	ДС (изборни)	/	/	/	/	/	5,00 (5/5)	/	5,00 (6/6)	5,00

Просечна оцена 4,78

/ недостају подаци

**Просечна вредност за оцене у датој школској години по студијским групама: 4,78 (52/210 МБФ), 4,70 (39/210 Б), 4,19 (25/210)

б) Остале наставне активности

Рецензија уџбеника категорије М90

НАКОН ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (након 2021)
др Јасмина Лудошки (2023): Методе у квантификавању фенотипског и генетичког диверзитета. Природно-математички факултет Универзитета у Новом Саду. ИСБН 978-86-7031-630-0, COBISS.SR-ID 85882377. Рецензенти: проф. др Весна Миланков, проф. др Ана Ивановић, проф. др Михаило Јелић , др Љубинка Француски Марчетић.
Др Саша Марић, др Јелена Јовић, др Симона Сушник Бајец, др Иво Тошевић, др Давид Станковић (2021): Молекуларна систематика – одабране области. Универзитет у Београду – Биолошки факултет. ISBN - 978-86-7078-175-7, COBISS.SR-ID – 110354953 Рецензенти: проф. др Љиљана Томовић, проф. др Михаило Јелић , др Ирена Новаковић, доц. др Жељко Радловић.

ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (2013-2021)
Шупић Г, Зељић К, Магић З. (2016) Хумана генетика - приручник за практичну наставу, Министарство одбране, Универзитет одбране-Медицински факултет ВМА, Издавач: Медија центар „Одбрана“, ISBN: 978-86-335-0497-3. Рецензенти: проф. др Марина Стаменковић-Радак, доц. др Михаило Јелић

Чланство у организационим одборима међународних / националних / стручних скупова

ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (2013-2021)
Члан организационог одбора међународног конгреса:
V Congress of the Serbian Genetic Society (28/09/2014 – 02/10/2014) Kladovo, Serbia.
3 rd International Conference on Plant Biology (22nd SPPS Meeting), 2018, Belgrade, Serbia.

Учесће у педагошком раду са ученицима основних и средњих школа

ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (2013-2021)
Стручни сарадник на четири семинара биологије и експерименталне биологије и хемије за ученике основних и средњих школа у истраживачкој станици Петница, у периоду 2014-2017 године, и три семинара у периоду 2018-2020.

ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (пре 2013)
Стручни сарадник на 11 семинара биологије и експерименталне биологије и хемије за ученике основних и средњих школа у истраживачкој станици Петница, у периоду 2007-2013 године <i>Бодовано по броју година - свака година по 1 поен (без обзира на број семинара по години)</i>

Држање наставе за стручно усавршавање наставника основних и средњих школа

ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (пре 2013)

Предавач у програму „Принципи генетике“ акредитованом од стране Биолошког факултета за стручно усавршавање наставника основних и средњих школа

Збирни преглед квантитативних показатеља наставно-педагошког рада

Назив	Врста резултата	Пре избора у звање ванредни професор	После избора у звање ванредни професор
(А) Основне наставне активности			
Уџбеници, скрипта и практикуми	Објављен уџбеник (20)	1*20=20	/
Менторство	Одбрањена докторска дисертација (12/6)	2*6=12	1*12=12
	Одбрањен специјалистички рад (6/3)	1*3=3	1*3=3
	Одбрањен мастер рад (4/2)	3*4=12 6*2=12	5*2=10
	Одбрањен дипломски рад (4/2)	6*4=24 1*2=2	/
Учешће у комисијама	За одбрану докторске дисертације (4)	4*4=16	5*4=20
	За одбрану специјалистичког рада (2)	4*2=8	/
	За одбрану мастер рада (1)	2*1=2	/
	За одбрану дипломског рада (1)	36*1=36	
Држање наставе на курсу	За који је кандидат у потпуности припремио наставни програм (6)	1*1=1	1*6=6 2*1=2
	Са преузетим наставним програмом (2)	8*2=16 1*1=1	3*2=6 2*1=2
Учешће у реализацији практичне наставе на курсу по школској години (1)		14*1=14	4*1=4
Укупно (А)		179	65
		244	
(Б) Остале наставне активности			
Држање наставе за стручно усавршавање наставника основних и средњих школа (1)		1*1=1	/
Учешће у педагошком раду са ученицима основних и средњих школа (1)		12*1=12	/
Рецензија уџбеника категорије М90 (3)		1*3=3	2*3=6
Чланство у организационим одборима међународних/националних/ стручних скупова (2/1/0,5)		2*2=4	/
Укупно (Б)		20	6
		26	
Укупно А+Б		199	71
		270	

Рекапитулација: У оквиру наставних активности др Михаило Јелић је остварио укупно 270 бода, од тога 71 у последњих 5 година (за избор у звање ванредног професора неопходно је 42 бода). За избор у звање ванредног професора неопходан је уџбеник, монографија, практикум

или збирка задатака. Др Михаило Јелић је објавио уџбеник. За избор у звање ванредног професора неопходно је руковођење израдом најмање једне докторске дисертације. Др Михаило Јелић је био ментор или коментор три одбрањене докторске дисертације, од које самостални ментор једне у претходном изборном периоду.

3. НАУЧНЕ АКТИВНОСТИ

Научни рад др Михаила Јелића се одвија у области популационе, еволуционе и конзервационе генетике. Увид у научноистраживачки рад др Михаила Јелића могућ је на веб страници: <https://orcid.org/0000-0002-1637-0933>. Према бази *Scopus* Његов *H* индекс износи 11, и има укупно 319 цитата без аутоцитата, од чега 302 у часописима са СЦИ листе.

Укупно је објавио 91 библиографску јединицу, од тога 24 у последњем изборном периоду. Објавио је 33 рада у међународним часописима категорије М20 (9 у претходном изборном периоду). На 5 радова М20 категорије је први аутор, док је на 3 рада у претходном изборном периоду последњи аутор. Објавио је 44 саопштења на међународним научним скуповима категорија М32, М33 и М34 (14 у претходном изборном периоду), 9 саопштења на националним научним скуповима категорија М62 и М64 (1 у претходном изборном периоду), једно поглавље у монографији међународног значаја категорије М14, један рад у тематском зборнику националног значаја категорије М45 и један рад у часопису националног значаја категорије М51. Био је члан 5 националних пројеката (1 у претходном изборном периоду), једног билатералног пројекта (у претходном изборном периоду) и једног међународног пројекта. Рецензирао је 13 радова М20 категорије (8 у претходном изборном периоду).

а) Основне научне активности

Монографије, монографске студије, тематски зборници, лексикографске и картографске публикације међународног значаја (М10)

Бр.	Публикација ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (2013-2021)	М
2.	Jelić, M., Patenković, A., Kurbalija Novičić, Z. (2014): Genetic Variability of <i>Populus nigra</i> L. in the Danube Basin. In: Variability of European Black Poplar (<i>Populus nigra</i> L.) in the Danube Basin, Editors: Tomović, Z., Vasić, I., JP Vojvodinašume, Petrovaradin.	M14

Радови објављени у научним часописима међународног значаја (М20)

Бр.	Публикације НАКОН ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (након 2021)	М#	ИФ#
3.	Nunez, J. C., Coronado-Zamora, M., Gautier, M., Kapun, M., Steindl, S., Ometto, L. ... Jelic, M. ... Flatt, T., Bergland, A.O. Gonzalez, J. (2025). Footprints of Worldwide Adaptation in Structured Populations of <i>Drosophila melanogaster</i> Through the Expanded DEST 2.0 Genomic Resource. <i>Molecular Biology and Evolution</i> , 42(8) msaf132. (<i>IF</i> ₂₀₂₃ =11,0 <i>Genetics & Heredity</i> 8/191, <i>Biochemistry & Molecular Biology</i> 16/313, <i>Evolutionary Biology</i> 4/54)	M21a+	11,0
4.	Erić, P., Veselinović, M. S., Patenković, A., Tanasković, M., Kenig, B., Erić, K., Indić, B., Stanović, S., Jelić, M. (2025). Mechanisms Maintaining Mitochondrial DNA Polymorphisms: The Role of Mito-Nuclear Interactions, Sex-Specific Selection, and Genotype-by-Environment Interactions in <i>Drosophila subobscura</i> . <i>Insects</i> , 16(4), 415. (<i>IF</i> ₂₀₂₄ =2,9 <i>Entomology</i> 15/110)	M21a	2,9

5.	Durmaz Mitchell, E., Kerdaffrec, E., Harney, E., Paulo, T. F., Veselinovic, M. S., Tanaskovic, M., ... Jelić, M. , ... & Flatt, T. (2025). Continent-wide differentiation of fitness traits and patterns of climate adaptation among European populations of <i>Drosophila melanogaster</i> . <i>Evolution Letters</i> , qraf014. (<i>IF</i> ₂₀₂₃ =3,8 <i>Evolutionary Biology</i> 11/54)	M21	3,8
6.	Erić, P., Stamenković-Radak, M., Dragičević, M., Kankare, M., Wallace, M. A., Savić Veselinović, M., Jelić, M. (2022). Mitochondrial DNA variation of <i>Drosophila obscura</i> (Diptera: Drosophilidae) across Europe. <i>European Journal of Entomology</i> , 119, 99-110. (<i>IF</i> ₂₀₂₂ =1,3 <i>Entomology</i> 52/108)	M22	1,3
7.	Erić, P., Patenković, A., Erić, K., Tanasković, M., Davidović, S., Rakić, M., Savić Veselinović, M., Stamenković-Radak, M., Jelić, M. (2022). Temperature-Specific and Sex-Specific Fitness Effects of Sympatric Mitochondrial and Mito-Nuclear Variation in <i>Drosophila obscura</i> . <i>Insects</i> 13(2): 139. (<i>IF</i> ₂₀₂₂ =3,0 <i>Entomology</i> 15/108)	M21a	3,0
8.	Kim, B. Y., Wang, J. R., Miller, D. E., Barmina, O., Delaney, E., Thompson, A.,... Stamenković-Radak, M., Jelić, M. , Savić Veselinović, M., Tanasković, M., Erić, P., ... & Petrov, D. A. (2021). Highly contiguous assemblies of 101 drosophilid genomes. <i>Elife</i> , 10, e66405. (<i>IF</i> ₂₀₂₁ =8,713 <i>Biology</i> 8/94)	M21a	8,713
9.	Kapun, M., Nunez, J. C., Bogaerts-Márquez, M., Murga-Moreno, J., Paris, M., Outten, J., ... Savić Veselinović, M., Stamenković-Radak, M., Jelić, M. , ... Gonzalez, J., Flatt, T., Bergland, A. O. (2021). <i>Drosophila</i> evolution over space and time (DEST): a new population genomics resource. <i>Molecular biology and evolution</i> 38(12): 5782-5805. (<i>IF</i> ₂₀₂₀ =16,240 <i>Genetics & Heredity</i> 5/176, <i>Biochemistry & Molecular Biology</i> 9/295, <i>Evolutionary Biology</i> 2/50)	M21a+	16,240
10.	Wallace, M. A., Coffman, K. A., Gilbert, C., Ravindran, S., Albery, G. F., Abbott, J. ... Jelić, M. ... Flatt, T., Gonzalez, J., Staubach, F., Obbard, J.D. (2021). The discovery, distribution, and diversity of DNA viruses associated with <i>Drosophila melanogaster</i> in Europe. <i>Virus Evolution</i> , 7(1), veab031. (<i>IF</i> ₂₀₂₀ =7,989 <i>Virology</i> 4/37)	M21a	7,989
11.	Beribaka, M., Jelić, M. , Tanasković, M., Lazić, C., Stamenković-Radak, M. (2021). Life history traits in two <i>Drosophila</i> species differently affected by microbiota diversity under lead exposure. <i>Insects</i> , 12(12), 1122. (<i>IF</i> ₂₀₂₁ =3,141 <i>Entomology</i> 17/100)	M21	3,141

Бр.	Публикације ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (2013-2021)	М [#]	ИФ [#]
12.	Beribaka, M., Dimkić, I., Jelić, M., Stanković, S., Pržulj, N., Anđelković, M., Stamenković-Radak, M. (2021). Altered diversity of bacterial communities in two <i>Drosophila</i> species under laboratory conditions and lead exposure. <i>Arch Biol Sci.</i> 73 (1): 17-29. https://doi.org/10.2298/ABS200911054B . (<i>IF</i> ₂₀₂₀ =0,956 <i>Biology</i> 77/93)	M23	0,956
13.	Davidović S., Jelić M. , Marinković, S., Mihajlović, M., Tanasić, V. Hribšek I, Sušić G., Dragičević, M., Stamenković-Radak, M. (2020). Genetic diversity of the Griffon vulture population in Serbia and its importance for conservation efforts in the Balkans. <i>Scientific Reports</i> 20:20394. (<i>IF</i> ₂₀₁₉ =3,998 <i>Multidisciplinary Sciences</i> 17/71)	M21	3,998
14.	Kurbalija Novičić, Z., Sayadi, A., Jelić, M. , Arnqvist, G. (2020). Negative frequency dependent selection contributes to the maintenance of a global polymorphism in mitochondrial DNA. <i>BMC evolutionary biology</i> 20(1):20. (<i>IF</i> ₂₀₁₉ =3,058 <i>Evolutionary biology</i> 20/51, <i>Genetics & Heredity</i> 81/177)	M22	3,058
15.	Kurbalija Novičić, Z., Bodén, R., Kozarski, K., Jelić, M. , Jovanović, M. V., Cunningham, L. J. (2021). Lithium influences whole-organism metabolic rate in <i>Drosophila subobscura</i> . <i>Journal of Neuroscience Research</i> . 99:407-418.	M21	4,699

	(IF ₂₀₁₉ =4,699 <i>Neurosciences</i> 58/272)		
16.	Erić, P., Jelić, M. , Savić Veselinović, M., Kenig, B., Anđelković, M., Stamenković-Radak, M. (2019). Nucleotide diversity of <i>Cyt b</i> gene in <i>Drosophila subobscura</i> Collin. <i>Genetika</i> , 51(1):213-226. (IF ₂₀₁₈ =0,459 <i>Agronomy</i> 78/89, <i>Genetics & Heredity</i> 169/172)	M23	0,459
17.	Stamenković-Radak, M., Kenig, B., Đurakić, M. Jelić, M. , Erić, K., Anđelković, M. (2019). Associations between environmental variability and inversion polymorphism of <i>Drosophila subobscura</i> : meta-analysis of populations from the Central Balkans. <i>Climate Research</i> , 77(3):205-217. (IF ₂₀₁₉ =2,023 <i>Environmental Sciences</i> 158/264, <i>Meteorology & Atmospheric Sciences</i> 59/93)	M22	2,023
18.	Banjanac, T., Đurović, S., Jelić, M. , Dragičević, M., Mišić, D., Skorić, M., Nestorović Živković, J., Šiler, B. (2019). Phenotypic and Genetic Variation of an Interspecific Centaurea Hybrid (Gentianaceae) and Its Parental Species. <i>Plants</i> 2019, 8(7), 224. (IF ₂₀₁₉ =2,762 <i>Plant Sciences</i> 59/234)	M21	2,762
19.	Savić Veselinović, M., Kurbalija Novičić, Z., Kenig, B., Jelić, M. , Patenković, A., Tanasković, M., Pertoldi, C., Stamenković-Radak M., Anđelković, M. (2019). Local adaptation at fine spatial scale through chromosomal inversions and mito-nuclear epistasis: Findings in <i>Drosophila subobscura</i> (Diptera: Drosophilidae). <i>European Journal of Entomology</i> , 116(1), 492-503. (IF ₂₀₁₉ =1,051 <i>Entomology</i> 58/101)	M22	1,051
20.	Banjanac, T., Skorić, M., Belamarić, M., Nestorović Živković, J., Mišić, D., Jelić, M. , Dmitrović, S., Šiler, B. (2018). Pursuit for EST microsatellites in a tetraploid model from <i>de novo</i> transcriptome sequencing. <i>Genetika</i> , 50(2): 687-703. (IF ₂₀₁₈ =0,459 <i>Agronomy</i> 78/89, <i>Genetics & Heredity</i> 169/172)	M23	0,459
21.	Savić Veselinović, M., Pavković-Lučić, S., Kurbalija Novičić, Z., Jelić, M. , Stamenković-Radak, M., Anđelković, M. (2017). Mating behavior as an indicator of quality of <i>Drosophila subobscura</i> males. <i>Insect Science</i> , 24(1):122-132. (IF ₂₀₁₅ =2,551 <i>Entomology</i> 9/94)	M21a	2,551
22.	Jelić, M. , Patenković, A., Skorić, M., Mišić, D., Kurbalija Novičić, Z., Bordács, S., Várhidi, F., Vasić, I., Benke, A., Frank, G., Šiler, B. (2015). Indigenous forests of European black poplar along the Danube River: genetic structure and reliable detection of introgression. <i>Tree Genetics & Genomes</i> , 11: 89. (IF ₂₀₁₄ =2,451 <i>Forestry</i> 6/65, <i>Genetics & Heredity</i> 87/167, <i>Horticulture</i> 2/33)	M21a	2,451
23.	Kurbalija Novičić, Z., Immonen, E., Jelić, M. , Anđelković, M., Stamenković-Radak, M., Arqvist, G. (2015). Within-population genetic effects of mtDNA on metabolic rate in <i>Drosophila subobscura</i> . <i>Journal of Evolutionary Biology</i> , 28(2): 338-346. (IF ₂₀₁₃ =3,483 <i>Ecology</i> 33/141, <i>Evolutionary Biology</i> 16/46, <i>Genetics & Heredity</i> 55/164)	M21	3,483
24.	Jelić, M. , Arnqvist, G., Kurbalija Novičić, Z., Kenig, B., Tanasković, M., Anđelković, M., Stamenković-Radak, M. (2015). Sex-specific effects of sympatric mitonuclear variation on fitness in <i>Drosophila subobscura</i> . <i>BMC Evolutionary Biology</i> , 15:135. (IF ₂₀₁₅ =3,406 <i>Evolutionary Biology</i> 15/46, <i>Genetics & Heredity</i> 52/166)	M21	3,406
25.	Aleksić, M.J., Banović, B., Miljuš-Đukić, J., Jovanović, Ž., Mikić, A., Čupina, B., Zlatković, B., Anđelković, S., Spanu, I., Jelić, M. , Maksimović, V. (2015). A rapid and cost-effective procedure for delineation and utilization of genomic microsatellites for paralleled genotyping in <i>Vicia faba</i> . <i>Czech Journal of Genetics and Plant Breeding</i> , 51(1): 36-39.	M23	0,486

	(<i>IF</i> ₂₀₁₃ =0,486 <i>Agronomy</i> 61/79, <i>Plant Sciences</i> , 162/198)		
26.	Savić Veselinović, M., Pavković-Lučić, S., Kurbalija-Novičić, Z., Jelić, M. , Anđelković, M. (2013). Sexual selection can reduce mutational load in <i>Drosophila subobscura</i> . <i>Genetika</i> , 45(2): 537-552. (<i>IF</i> ₂₀₁₃ = 0,492 <i>Agronomy</i> 60/79, <i>Genetics & Heredity</i> 156/165)	M23	0,492

Бр.	Публикације ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ДОЦЕНТА (пре 2013)	М [#]	ИФ [#]
27.	Kurbalija Novicic, Z., Jelic, M. , Savic, T., Savic Veselinovic, M., Dimitrijevic, D., Jovanovic, M., Kenig, B., Stamenkovic-Radak, M., Andjelkovic, M. (2013). Effective population size in <i>Drosophila subobscura</i> : ecological and molecular approaches. <i>Journal of Biological Research-Thessaloniki</i> , 19: 65-74. (<i>IF</i> ₂₀₁₃ =0,714 <i>Biology</i> 64/85)	M23	0,714
28.	Jelić, M. , Castro, J.A., Kurbalija Novičić, Z., Kenig, B., Dimitrijević, D., Savić Veselinović, M., Jovanović, M., Milovanović, D., Stamenković-Radak, M., Andjelković, M. (2012). Absence of linkage disequilibria between chromosomal arrangements and mtDNA haplotypes in natural populations of <i>Drosophila subobscura</i> from the Balkan Peninsula. <i>Genome</i> , 55(3):214-221. (<i>IF</i> ₂₀₁₀ =1,662 <i>Biotechnology & Applied Microbiology</i> 93/158, <i>Genetics & Heredity</i> 113/154)	M22	1,662
29.	Stamenkovic-Radak, M., Jelic, M. , Kurbalija Novicic, Z., Kenig, B., Tanaskovic, M., Andjelkovic, M. (2012). Balkan glacial history and modern <i>Drosophila subobscura</i> population genetics. <i>Evolutionary Ecology Research</i> , 14(7):839-858. (<i>IF</i> ₂₀₁₀ =1,507 <i>Ecology</i> 76/130, <i>Evolutionary Biology</i> 36/45, <i>Genetics & Heredity</i> 119/154)	M22	1,507
30.	Jelić, M. , Kenig, B., Tanasković, M., Stamenković-Radak, M., Anđelković, M. (2012). Relationship between chromosomal and mitochondrial DNA variability of <i>Drosophila subobscura</i> population from the Lazar's River Canyon. <i>Genetika</i> , 44(2): 409-417. (<i>IF</i> ₂₀₁₁ =0,440 <i>Agronomy</i> 61/80, <i>Genetics & Heredity</i> 149/156)	M23	0,440
31.	Kurbalija Novicic, Z., Stamenkovic-Radak, M., Pertoldi, C., Jelic M. , Savic Veselinovic, M., Andjelkovic, M. (2011). Heterozygosity maintains developmental stability of sternopleural bristles in <i>Drosophila subobscura</i> interpopulation hybrids. <i>Journal of Insect Science</i> , 11: 1-21. (<i>IF</i> ₂₀₀₉ =1,069 <i>Entomology</i> 32/74)	M22	1,069
32.	Kurbalija Novicic, Z., Jelic, M. , Jovanovic, M., Dimitrijevic, D., Savic Veselinovic, M., Stamenkovic-Radak, M., Adjelkovic, M. (2011). Microsatellite variability of <i>Drosophila subobscura</i> populations from the central Balkans. <i>Evolutionary Ecology Research</i> , 13(5): 479-494. (<i>IF</i> ₂₀₀₉ =1,692 <i>Ecology</i> 63/129, <i>Evolutionary Biology</i> 34/45, <i>Genetics & Heredity</i> 106/144)	M22	1,692
33.	Rogic, B., Tomic, L., Vazic, B., Jelic, M. , Jovanovic, S., Savic, M. (2011). Assessment of genetic diversity of Buša cattle from Bosnia and Herzegovina using microsatellite DNA markers. <i>Archives of Biological Sciences (Belgrade)</i> , 63 (4): 1077-1085. (<i>IF</i> ₂₀₁₁ =0,360 <i>Biology</i> 76/85)	M23	0,360
34.	Kenig, B., Jelić, M. , Kurbalija, Z., Stamenković-Radak, M., Anđelković, M. (2010). Inversion polymorphism in populations of <i>Drosophila subobscura</i> from urban and non-urban environments. <i>Archives of Biological Sciences (Belgrade)</i> , 62(3): 565-574. (<i>IF</i> ₂₀₁₀ =0,356 77/85 <i>Biology</i>)	M23	0,356
35.	Jelić, M. , Kenig, B., Kurbalija, Z., Stamenković-Radak, M., Anđelković, M. (2009). Intra-species differentiation among <i>Drosophila subobscura</i> from different habitats in Serbia. <i>Archives of Biological Sciences (Belgrade)</i> , 61(3): 513-521. M23 (<i>IF</i> ₂₀₀₉ =0,238 73/76 <i>Biology</i>)	M23	0,238

Зборници међународних научних скупова (М30)

Бр.	Предавања по позиву са међународног скупа штампано у изводу (М32), саопштења са међународног скупа штампано у целини (М33) и изводу (М34) НАКОН ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (након 2021)	М#
36.	Erić, P., Jelić, M. (2025). <i>Drosophila obscura</i> Group Species as a Model Organism for Measuring the Adaptive Significance of Sympatric Mitochondrial and Mitonuclear Variation: Insights from the DrosBEG Group. EMBO/FEBS Lecture Course: The evolving role of mitochondria in metabolism, Belgrade, Serbia, Book of Abstracts, p39	M34
37.	Rakić, M., Patenković, A., Erić, P., Tanasković, M., Jelić, M., Savić Veselinović, M. (2025). Identifying the most stable endogenous controls for RT-qPCR analysis of genes of interest in larvae and adult male and female fruit flies (<i>Drosophila melanogaster</i>) exposed to different concentrations of cadmium chloride using available statistical tools. Congress of the European Society for Evolutionary Biology - ESEB 2025, Barcelona, Spain, Book of Abstracts, p1586.	M34
38.	Banjanac, T., Lukić, T., Matekalo, D., Jelić, M. , Mišić, D., Šiler, B. (2024). DNA barcoding and population genetics of non-model plant species: approaches, problems and possible solutions. 7 th Congress of the Serbian Genetic Society, October 2-5, Zlatibor, Serbia, invited lecture 01-03, pp 28.	M32
39.	Lukić, T., Šiler, B., Jelić, M. , Mišić, D., Banjanac, T., (2024). Effectiveness of molecular barcodes in plant identification: a case study on the genus <i>Centaureum</i> Hill. 7 th Congress of the Serbian Genetic Society, October 2-5, Zlatibor, Serbia, poster 01-22, pp 47.	M34
40.	Rakić, M., Patenković, A., Erić, P., Jovanović, B., Jelić, M. , Tanasković, M., Savić Veselinović, M. (2024). The role of miRNAs and their candidate genes in the response to cadmium exposure in <i>Drosophila melanogaster</i> . 7 th Congress of the Serbian Genetic Society, October 2-5, Zlatibor, Serbia. Poster 01-21, pp46.	M34
41.	Erić, K., Patenković, A., Erić, P., Jelić, M. , Davidović, S., Rakić, M., Savić Veselinović, M., Tanasković, M. (2024). Differential expression of HSP70 protein in response to cold shock in <i>Drosophila subobscura</i> from two different altitudes. 7 th Congress of the Serbian Genetic Society. October 2-5, Zlatibor, Serbia, poster 01-15, pp40.	M34
42.	Erić, P., Patenković, A., Erić, K., Tanasković, M., Davidović, S., Rakić, M., Kenig, B., Stanovčić, S., Indić, B., Savić Veselinović, M., Jelić, M. (2024). Testing the effects of mothers curse hypothesis on two <i>Drosophila</i> species. 7 th Congress of the Serbian Genetic Society, October 2-5, Zlatibor, Serbia, poster 01-19, pp44.	M34
43.	Trklja, N., Banjanac, T., Šiler, B., Jelić, M. , Lukić, T., Mišić, D., Filipović, B. (2024). Genetic variability of <i>Blackstonia perfoliata</i> (L.) Huds. within the Central Balkans based on the plastid trnL-trnF sequence. 5th International Conference on Plant Biology (24th SPPS Meeting), Srebrno jezero, Serbia, Poster PP5-12, page 180.	M34
44.	Beribaka, M., Jelić, M. , Lazić, C., Stamenković-Radak, M. (2021). Microbiota Composition Affects Life History Traits in <i>Drosophila</i> Species. Proceedings of the 1st International Electronic Conference on Entomology, 1–15 July.	M34
45.	Erić, P., Patenković, A., Erić, K., Tanasković, M., Davidović, S., Rakić, M., Savić Veselinović, M., Stamenković-Radak, M., Jelić, M. (2021). Unraveling the adaptive significance of mitochondrial genome variability of <i>Drosophila obscura</i> . Proceedings of the 1st International Electronic Conference on Entomology, 1–15 July.	M33
46.	Rakić, M., Jelić, M. , Stamenković-Radak, M., Patenković, A., Tanasković, M., Erić, K., Davidović, S., Erić, P., Savić Veselinović, M. (2021). Metallothionein Gene Expression in <i>Drosophila subobscura</i> Indicates Their Different Function in Response to Heavy Metal Exposures. Proceedings of the 1st International Electronic Conference on Entomology, 1–15 July	M34
47.	Erić, K., Savić Veselinović, M., Patenković, M., Erić, P., Jelić, M. , Stamenković-Radak, M., Tanasković, M. (2022). Temperature shapes chromosome inversion polymorphism of <i>Drosophila subobscura</i> through generations, Congress of the European Society for Evolutionary Biology - ESEB 2022, Prague, Czech Republic, Book of Abstracts, p759.	M34
48.	Rakić, M., Patenković, A., Stamenković-Radak, M., Tanasković, M., Jelić, M. , Lapčević, S., Savić Veselinović, M. (2022). Lead induces sex and development related differential Mtn gene expression in two <i>Drosophila</i> species. Congress of the European Society for Evolutionary Biology - ESEB 2022, Prague, Czech Republic. Book of Abstracts, p471.	M34
49.	Lukić, T., Banjanac, T., Jelić, M. , Brkušanin, M., Gašić, U., Nestorović Živković, J., Dmitrović, S.,	M34

	Aničić, N., Milutinović, M., Skorić, M., Božunović, J., Petrović, L., Filipović, B., Matekalo, D., Todorović, M., Mišić, D., Šiler, B. (2022). Chloroplast <i>trnL-trnF</i> region variation in the genus <i>Centaureum</i> Hill as a molecular indicator of natural interspecific hybridization. 4th International Conference on Plant Biology (23rd SPPS Meeting), Belgrade, Poster PP4-10, page 148.	
--	---	--

Бр.	Предавања по позиву са међународног скупа штампано у изводу (M32) и саопштења са међународног скупа штампано у изводу (M34) ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (2013-2021)	M#
50.	Jelić, M., (2014): Is variation in mtDNA neutral? Findings in <i>Drosophila subobscura</i> . V congress of the Serbian Genetic Society. 28 September-2 October 2014 Kladovo, Serbia, Abstract PL-10, p21.	M32
51.	Banjanac, T., Dragičević, M., Bohanec B., Filipović, B., Jelić, M. Skorić, M., Nestorović Živković, J., Mišić, D., Šiler, B. (2018). Verification of interspecies hybridization within the genus <i>Centaureum</i> Hill using EST-SSR molecular markers. 3 rd International Conference on Plant Biology (22 nd SPPS Meeting), Belgrade, Serbia, Book of Abstracts, 84. Talk	M34
52.	Erić, P., Jelić, M., Arnqvist G., Savić Veselinović M., Tanasković, M., Kenig, B., Erić K., Anđelković, M., Stamenković-Radak, M. (2019) The role of selection in maintaining sympatric mito-nuclear variation in <i>Drosophila subobscura</i> . 2019 Congress of the European Society for Evolutionary Biology, Turku, Finland, 19-24 August 2019. S16P1	M34
53.	Jelić, M., Erić, P., Kankare M., Anđelković M., Stamenković-Radak, M. (2019) Southern and northern populations of <i>Drosophila obscura</i> show similar pattern of mtDNA variation. 2019 Congress of the European Society for Evolutionary Biology, Turku, Finland, 19-24 August 2019. S36b.P2	M34
54.	Erić P., Jelić M., Savić Veselinović M., Stamenković–Radak M., Anđelković M.(2019) Does sex-specific selection on sympatric mito-nuclear variation act on adult <i>Drosophila subobscura</i> in regard to desiccation resistance? VI Congress of the Serbian Genetic Society, Serbia, Vrnjačka Banja 13-17 October 2019, 04 – 03 Oral	M34
55.	Erić K., Tanasković M., Erić P., Jelić M., Savić Veselinović M., Stamenković – Radak M., Anđelković M. (2019) Altitudinal variation in chromosome inversion frequency of <i>D. subobscura</i> populations from Stara planina in Serbia. VI Congress of the Serbian Genetic Society, Serbia, Vrnjačka Banja 13-17 October 2019, 04 – 05 Poster	M34
56.	Tanasković M., Savić Veselinović M., Kenig B., Jelić M., Erić K., Erić P., Stamenković-Radak M., Anđelković M. (2019) Adaptation to lead pollution in <i>Drosophila subobscura</i> is not without a cost. VI Congress of the Serbian Genetic Society, Serbia, Vrnjačka Banja 13-17 October 2019, 04 – 06 Poster	M34
57.	Savić Veselinović M., Rakić M., Patenković A., Jelić M., Tanasković M., Stamenković-Radak M., Anđelković M. (2019) Expression of metallothionein genes in <i>Drosophila subobscura</i> larvae exposed to heavy metals. VI Congress of the Serbian Genetic Society, Serbia, Vrnjačka Banja 13-17 October 2019, 04 – 09 Poster	M34
58.	Beribaka, M., Stamenković-Radak, M., Jelić, M., Anđelković, M. (2019) Change in microbiota diversity in two <i>Drosophila</i> species under experimental conditions on lead. VI Congress of the Serbian Genetic Society, Serbia, Vrnjačka Banja 13-17 October 2019, 04 – 02 Oral	M34
59.	Erić K., Lečić S, Jelić M, Savić Veselinović M, Tanasković M, Kenig B, Stamenković-Radak M, Anđelković M. (2017) Altitudinal pattern of chromosomal inversion variability in <i>Drosophila subobscura</i> populations. 16th Congress of the European Society for Evolutionary Biology, Groningen, Netherlands, 20-25 August 2017, S18 - P3.	M34
60.	Kurbalija Novicic, Z., Savic Veselinovic, M., Kenig, B., Patenkovic, A., Jelic, M., Stamenkovic-Radak, M., Andejlkovic, M. (2015): Genetic variability in the wild is influenced by microhabitat characteristics in <i>Drosophila subobscura</i> . Congress of the European Society for Evolutionary	M34

	Biology, 10-14 August 2015, Lausanne, Switzerland. Abstract B-MAX414, p627.	
61.	Banjanac, T., Belamarić, M., Skorić, M., Mišić, D., Malkov, S., Jelić, M. , Šiler, B. (2015): Pursuit for transcriptome microsatellites towards estimation of genetic variation, species discrimination and detection of interspecific hybrids within the genus <i>Centaureum</i> . 2 nd International Conference on Plant Biology, 21 st Symposium of the Serbian Plant Physiology Society, COST ACTION FA1106 QUALITYFRUIT Workshop 17-20 June 2015, Petnica, Serbia, Abstract PP5-2, p119.	M34
62.	Jelić, M. , Kurbalija Novičić, Z., Skorić, M., Patenković, A., Mišić, D., Bordács, S., Várhidi, F., Šiler, B. (2015): Assessment of genetic integrity and diversity of <i>Populus nigra</i> in protected areas along the Danube River. 2 nd International Conference on Plant Biology, 21 st Symposium of the Serbian Plant Physiology Society, COST ACTION FA1106 QUALITYFRUIT Workshop, 17-20 June 2015, Petnica, Serbia, Abstract OP5-2, p117.	M34
63.	Banović, B., Miljuš-Đukić, J., Jovanović, Z., Mikić, A., Čupina, B., Zlatković, B., Anđelković, S., Jelić, M. , Maksimović, V., Aleksić, J. (2014): Faba bean, a grain crop legume of the future. V congress of the Serbian Genetic Society. 28 September - 2 October 2014, Kladovo, Serbia, Abstract RT-02 O, p376.	M34
64.	Šiler, B., Patenković, A., Skorić, M., Jelić, M. , Mišić, D., Kurbalija Novičić, Z. (2014): Microsatellite variability in European black poplar (<i>Populus nigra</i> L): genetic structure of populations along the Danube River. V congress of the Serbian Genetic Society, 28 September - 2 October 2014, Kladovo, Serbia, Abstract V-15 P, p204.	M34
65.	Kenig, B., Kurbalija Novičić, Z., Jelić, M. , Savić Veselinović, M., Patenković, A., Stamenković-Radak, M., Anđelković, M. (2014): Detecting adaptive genetic variation in the wild based on the inversion polymorphism of <i>Drosophila subobscura</i> . V congress of the Serbian Genetic Society, 28 September - 2 October 2014, Kladovo, Serbia, Abstract IV-04 P, p168.	M34
66.	Savić Veselinović, M., Kurbalija Novičić, Z., Jelić, M. , Kenig, B., Patenković, A., Anđelković, M., Stamenković-Radak, M. (2014): Microhabitat influence on genetic variability in <i>Drosophila subobscura</i> . V congress of the Serbian Genetic Society, 28 September - 2 October 2014, Kladovo, Serbia, Abstract IV-02 O, p164.	M34
67.	Kurbalija Novičić, Z., Jelić, M. , Immonen, E., Anđelković, M., Stamenković-Radak, M., Arnqvist, G. (2014): MtDNA haplotype variation is functional in <i>Drosophila subobscura</i> . V congress of the Serbian Genetic Society, 28 September - 2 October 2014, Kladovo, Serbia, Abstract IV-01 O, p163.	M34
68.	Savić Veselinović, M., Pavković-Lučić, S., Kurbalija Novičić, Z., Jelić, M. , Tanasković, M., Anđelković, M., (2013): Can mutational load be reduced through selection on males? XIV Congress of The European Society for Evolutionary Biology, 19-24 August 2013, Lisbon, Portugal, Abstract D21SY25PS1033, p990.	M34
69.	Jelić, M. , Kenig, B., Kurbalija Novičić, Z., Tanasković, M., Filipović, Lj., Stamenković-Radak, M., Anđelković, M. (2013): Evidence of cyto-nuclear epistasis in <i>Drosophila subobscura</i> . XIV Congress of The European Society for Evolutionary Biology, 19-24 August 2013, Lisbon, Portugal, Abstract D23SY02PS0573, p94.	M34
70.	Kalajdžić, P., Jelić, M. , Anđelković, M., Ladoukakis, E.D. (2013): Differences in mtDNA copy number between individuals with long and short haplotypes from a natural population of <i>Drosophila subobscura</i> . XIV Congress of The European Society for Evolutionary Biology, 19-24 August 2013, Lisbon, Portugal, Abstract D23SY02PS0530, p91.	M34
71.	Jelić, M. Possibilities and Challenges that Young Scientists Face in the Republic of Serbia. 1st Regional Conference: Young Scientists and Science in the Region. 17-18 October 2013. Podgorica-Montenegro, Abstract p3. Izdavač: Montenegrin Academy of Sciences and Arts.	M34

Бр.	Саопштења са међународног скупа штампано у изводу (М34) ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ДОЦЕНТА (пре 2013)	М#
72.	Kurbalija Novičić, Z., Jelić, M. , Savić Veselinović, M., Stamenković-Radak, M., Andjelković M. (2012): Consequences of inter-population hybridization in <i>Drosophila subobscura</i> . The Second Symposium of Population and Evolutionary Genetics, 9-12 May 2012, Belgrade, Serbia, Abstract III-04 Talk, p56.	M34
73.	Rogić, B., Stamenković-Radak, M., Savić, M., Jelić, M. , Važić, B. (2012): Assesment of genetic diversity and differentiation of Gatačko goveče and Buša breeds from Bosnia and Herzegovina using microsatellite DNA markers. The Second Symposium of Population and Evolutionary Genetics, 9-12 May 2012, Belgrade, Serbia, Abstract II-11 Poster, p39.	M34
74.	Savić Veselinović, M., Kurbalija Novičić, Z., Jelić, M. , Tanasković, M., Kenig, B., Nedeljković, I., Stamenković-Radak, M., Andjelković, M. (2012): The role of sexual selection in reducing mutational load in <i>Drosophila subobscura</i> . The Second Symposium of Population and Evolutionary Genetics, 9-12 May 2012, Belgrade, Serbia, Abstract I-08 Poster, p20.	M34
75.	Jelić, M. , Tanasković, M., Kenig, B., Kurbalija Novičić, Z., Stamenković-Radak, M., Andjelković, M. (2012): Fitness effects of mitochondrial haplotype with a large insertion: is there cytonuclear coadaptation for this type of polymorphism in <i>Drosophila subobscura</i> ? The Second Symposium of Population and Evolutionary Genetics, 9-12 May 2012, Belgrade, Serbia, Abstract I-05 Talk, p17.	M34
76.	Kurbalija Novicic, Z., Jelic, M. , Jovanovic, M., Dimitrijevic, D., Savic Veselinovic, M., Stamenkovic-Radak, M., Andjelkovic, M. (2011): Ecological significance of microsatellite variation in Central Balkan populations of <i>Drosophila subobscura</i> . 13th Congress of the European Society for Evolutionary Biology, 21-24 August 2011, Tübingen, Germanu, Abstract E-Sy21-i016-E, p540.	M34
77.	Jelic, M. , Castro, J.A., Kurbalija Novicic, Z., Kenig, B., Dimitrijevic, D., Savic Veselinovic, M., Jovanovic, M., Milovanovic, D., Stamenkovic-Radak, M., Andjelkovic, M. (2011): Lack of linkage disequilibria between chromosomal arrangements and mtDNA haplotypes in <i>Drosophila subobscura</i> population from the Sicevo Gorge (Serbia). 13th Congress of the European Society for Evolutionary Biology, 21-24 August 2011, Tübingen, Germanu, Abstract E-Sy21-i014-E, p529.	M34
78.	Jelic, M. , Kurbalija, Z., Savic Veselinovic, M., Stamenkovic-Radak, M., Andjelkovic, M. (2010): The variability of mtDNA in <i>Drosophila subobscura</i> from the Derventa River Gorge (Tara National Park, Serbia). IXth European Congress of Entomology, 22-27 August 2010, Budapest, Hungary, Abstract TU95, p150.	M34
79.	Jelic, M. , Kenig, B., Kurbalija, Z., Stamenkovic-Radak, M., Andjelkovic, M. (2008): Among-population differentiation of <i>Drosophila subobscura</i> . XX International Congress of Genetics, 12-17 July 2008, Berlin, Germany, Abstract P603/40/A, p192.	M34

Националне монографије, тематски зборници, лексикографске и картографске публикације националног значаја; научни преводи и критичка издања грађе, библиографске публикације

Бр.	Поглавље у монографији националног значаја или рад у тематском зборнику националног значаја ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (2013-2021)	М#
80.	Jelić, M. , (2015): Održavanje unutarpopulacione varijabilnosti mitohondrijske DNK kod vrste <i>Drosophila subobscura</i> . U: Raznovrsnost u nastanku i trajanju, Editori: Stamenković-Radak, M., Milošević-Brockett M., Biološki fakultet, Beograd.	M45

Часописи националног значаја

Бр.	Рад у водећем часопису националног значаја ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ДОЦЕНТА (пре 2013)	М#
81.	Pavković-Lučić, S., Savić, T., Jelić, M. , Kenig, B., Tanasković, M., Stamenković-Radak, M., Andjelković, M. (2012): Note on the fauna of <i>Drosophila</i> (Diptera: Drosophilidae) and the first record of <i>Opomyza florum</i> (Diptera: Opomyzidae) from Mountain Goč, Serbia. Acta Entomologica Serbica, 17(1/2):45-51.	M51

Зборници са скупова националног значаја (М60)

Бр.	Предавање по позиву са скупа националног значаја штампано у изводу (М62) НАКОН ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (након 2021)	М#
82.	Savić Veselinović, M., Rakić, M., Patenković, A., Tanasković, M., Jelić, M. , Stamenković-Radak, M. (2022). Odgovor na stres indukovani metalima kod insekata – evolucija i uloga gena za metalotioneine. Treći kongres biologa Srbije, Zlatibor, Srbija. Knjiga astrakata, pp 88.	M62

Бр.	Саопштења са скупа националног значаја штампано у изводу (М64) ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (2013-2021)	М#
83.	Šiler, B., Banjanac, T., Filipović, B., Jelić, M. , Skorić, M., Nestorović Živković, J., Mišić D. (2018). Međuvrsna hibridizacija kod biljaka – promene u genomu, ekofiziološke posledice i primena. Drugi kongres biologa Srbije, Kladovo, Srbija, Knjiga sažetaka, 45.	M64
84.	Đurović, S., Jelić, M. , Dragičević, M., Mišić, D., Skorić, M., Nestorović Živković, J., Lakušić, D., Šiler, B., Banjanac, T. (2019) Morphological variability of interspecific Centaurea hybrid (Gentianaceae) and its parental species. 13th Symposium on the Flora of Southeastern Serbia and Neighboring regions, Stara planina Mt. 2019 20-23 June 2019.	M64
85.	Beribaka, M., Stamenković-Radak, M., Jelić, M. , Dimkic, I., Anđelković, M. (2017): Mikrobiota kod dvije vrste <i>Drosophila</i> u prirodnim i laboratorijskim uslovima. P100-101. XI Simpozijum entomologa Srbije sa međunarodnim učešćem – XI Symposium of entomologists of Serbia with international participation, 17-21 Septembar, Goč, Serbia.	M64
86.	Erić, P., Jelić, M. , Savić Veselinović, M., Kenig, B., Stamenković-Radak, M., Anđelković, M. (2017): Varijabilnost nukleotidne sekvence mitohondrijske DNK u dve prirodne populacije <i>Drosophila subobscura</i> iz okoline Kalne (Stara planina). P101-102. XI Simpozijum entomologa Srbije sa međunarodnim učešćem – XI Symposium of entomologists of Serbia with international participation, 17-21 Septembar, Goč, Serbia.	M64

Бр.	Саопштења са скупа националног значаја штампано у изводу (М64) ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ДОЦЕНТА (пре 2013)	М#
87.	Kurbalija Novičić, Z., Jelić, M. , Savić, T., Savić Veselinović, M., Dimitrijević, D., Jovanović, M., Kenig, B., Stamenković-Radak, M., Anđelković, M. (2011): Efektivna veličina populacija <i>Drosophila subobscura</i> : ekološki i molekularni pristup. Simpozijum entomologa Srbije, 21-25 septembar 2011, Donji Milanovac, Srbija, Apstakt 66.	M64
88.	Tanasković, M., Kenig, B., Jelić, M. , Stamenković-Radak, M., Anđelković, M. (2011): Učestalosti mtDNK haplotipova u populaciji <i>Drosophila subobscura</i> iz botaničke bašte Jevremovac u Beogradu Simpozijum entomologa Srbije, 21-25 septembar 2011, Donji Milanovac, Srbija, Apstrakt 65.	M64
89.	Jelić, M. , Kurbalija Novičić, Z., Tanasković, M., Stamenković-Radak, M., Anđelković, M. (2011): Ispitivanje prisustva <i>Wolbachia</i> u populacijama vrste <i>Drosophila subobscura</i> sa teritorije Srbije. Simpozijum entomologa Srbije, 21-25 septembar 2011, Donji Milanovac, Srbija, Apstrakt 64.	M64
90.	Jelić, M. , Kurbalija, Z., Kenig, B., Stamenković-Radak, M., Anđelković M., (2009): Chromosomal inversion polymorphism in <i>Drosophila subobscura</i> population from the gorge of the	M64

	Derventa River (Tara Mountain). IV Congress of The Serbian Genetic Society, 1-5 June 2009, Tara, Serbia, Abstract I-Pos-9, p28.	
--	---	--

Одбрањена докторска дисертација (M71)

Бр.	Одбрањена докторска дисертација ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ДОЦЕНТА (пре 2013)	M#
91.	Јелић, М, Хромозомска, микросателитска и митохондријална ДНК варијабилност популација <i>Drosophila subobscura</i> у клисурама и кањонима Србије, 2012	M71

б) Остале научне активности

Учесће у пројектима билатералне сарадње

НАКОН ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (након 2021)
SUZINV: Genomic and cytogenetic characterization of chromosome inversions in the invasive pest <i>Drosophila suzukii</i> Финансијер: Министарство науке, технолошког развоја и иновација Bilateralni projekat Srbija-Francuska: ИНРА, Монпеље Руководилац: проф. др Марија Савић Веселиновић Учесници са БФ: проф. др Михаило Јелић, Мина Ракић

Учесће у националном пројекту

НАКОН ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (након 2021)
Назив: Промјене у микробиоти и адаптације терестричне модел врсте под климатским и антропогеним стресом Финансијер: МИНИСТАРСТВО ЗА НАУЧНОТЕХНОЛОШКИ РАЗВОЈ И ВИСОКО ОБРАЗОВАЊЕ РЕПУБЛИКЕ СРПСКЕ Трајање: 2024-2025 Руководилац/координатор: доц. др Мирјана Шиповац Учесници са БФ: проф. др Михаило Јелић, Мина Ракић

ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (2013-2021)
Пројекат: „Динамика генофонда, генетичка и фенотипска варијабилност популација у променљивим условима средине“. Финансијер и трајање: МПНТРС 2010-. Руководилац: академик Марко Анђелковић
Пројекат: „Еколошка и генетичка истраживања популација <i>Drosophila</i> централног Балкана“. Финансијер и трајање: Српска академија наука и уметности, 2016-2020. Руководилац: академик Марко Анђелковић
Пројекат: „Утицај повишене концентрације тешких метала у животној средини на генетичку структуру и адаптивне процесе природних популација организама (ТЕМЕГЕНС)“. Финансијер и трајање: Српска академија наука и уметности, 2019-2022. Руководилац: академик Марко Анђелковић

ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ДОЦЕНТА (пре 2013)
Пројекат: Адаптивни значај генетичког полиморфизма у популацијама <i>Drosophila</i> . Финансијер и трајање: МПНТРС 2006-2010. Руководилац: академик Марко Анђелковић

Учесће у међународном пројекту

ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (2013-2021)
Пројекат: „EUROPEAN DROSOPHILA POPULATION GENOMICS“ Финансијер и трајање: ESEB – Special Topics Network (STN); 2016-2022. Руководилац пројекта: The European Drosophila Population Genomics Consortium (http://droseu.net/)

Рецензија публикације категорије M20/M50 или M60

НАКОН ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (након 2021)	
Environmental Science and Pollution Research 2021	M21
Environmental Science and Pollution Research 2023	M24+
Environmental Science and Pollution Research 2025	M24+
PlosOne 2021	M22
PlosOne 2022	M21
Contemporary Agriculture 2024	M51
Genetika 2023	M24
Nucleus 2025	M22

ПРЕ ИЗБОРА У ЗВАЊЕ ВАНРЕДНОГ ПРОФЕСОРА (2013-2021)	
International Journal Silvae Genetica, 2019	M22
Genetika, 2017	M23
Entomological Science, 2018	M22
Genetika, 2020	M23
Plos One, 2019	M22

Анализа научних радова

Према прегледу библиографских јединица може се закључити да се научни рад др Михаила Јелића одигравао у неколико тематских праваца у оквиру уже научне области. У оквиру еволуционе биологије и еволуционе генетике (1) кандидат проучава адаптивни значај варијабилности мтДНК и механизме њеног одржавања у природним популацијама, користећи као модел врсте *Drosophila* (радови под бројем 4, 7, 14, 15, 23, 24, 28 и 30). Изучава динамику генетичке варијабилности инверзионог полиморфизма у зависности од климатских параметара (рад 17), као и локалне адаптације сагледавајући их кроз интеракцију једарног и митохондријског генома (рад 19). Такође је коаутор радова који изучавају улогу сексуалне селекције у уклањању генетичких оптерећења на истом моделу (радови 21 и 26). Учествоје у молекуларно-генетичкој карактеризацији биљних врста, рода *Centaureum*, ради анализе улоге међуврсне хибридизације у настанку нових таксона (радови 18 и 20). У области популационе генетике (2) изучава генетичку структуру природних популација *Drosophila Obscura* групе врста применом различитих маркера, углавном у филогеографском контексту (радови 6, 16, 27, 29, 32, 34 и 35). Под окриљем конзорцијума који се бавио популационом геномиком, анализом особина животне историје и вирусима *D. melanogaster* објавио је неколико радова (радови 3, 5, 8, 9 и 10). У области конзервационе генетике (3) изучава угрожене врсте и популације: европске црне тополе, белоглавог супа, као и аутохтоне расе говеда и сорте биљака (радови 2, 13, 22, 25 и 33). Такође користи врсте *Drosophila* као модел у изучавању ефеката аутбридинга као геномског стреса (рад 31). Проучава и ефекат третмана тешким металом оловом на промене диверзитета бактеријских заједница *Drosophila* у лабораторијским условима (радови 11 и 12).

У претходном изборном периоду, као најзначајнији резултати кандидата истичу се радови у којима је анализирана варијабилност мтДНК *Drosophila* као и адаптивни значај унутарпопулационе варијабилности (радови 4, 6 и 7). Ови резултати су значајни због недостатка експерименталних радова који анализирају адаптивни значај симпатричке варијабилности мтДНК. Теоријске поставке одржања овог вида варијабилности су такође веома рестриктивни. Кандидат је дао кључни допринос концептуализацији и спровођењу ових истраживања на којима је и последњи аутор. У раду под редни бројем 4 као модел је коришћена *Drosophila subobscura*, врста чија је варијабилност мтДНК добро изучена, и где постоје два хаплотипа у приближно једнаким учесталостима у свим природним популацијама. Стога је она добар модел за изучавање различитих видова балансне селекције. Из природних

популација су узорковане јединке за успостављање мито-нуклеусних експерименталних линија контролисаног мтДНК хаплотипа и једарне позадине, које су затим подвргнуте анализи особина животне историје у различитим температурним срединама. Утврђено је да селекција у различитим срединама може бити одговорна за одржавање две главне хаплогрупе, али да поред овог вида селекције, полно специфична селекција такође може одржавати симпатричку варијабилност мтДНК. У раду под редним бројем 6 анализирана је варијабилност мтДНК врсте *D. obscura* широм Европе. Циљ је био сагледавање ове врсте као новог модела у анализи адаптивног значаја мтДНК варијабилности. Поред тога што је сагледана варијабилност мтДНК ове врсте у филогеографском контексту, уочени обрасци варијабилности и линије проистекле из овог рада омогућиле су њихову примену у раду под редним бројем 7. Конструисане су мито-нуклеусне линије *D. obscura* које су садржале комбинације симпатричких мтДНК и једарних позадина и анализирани су особине животне историје. На овом моделу је утврђено да је температурно специфична селекција генотипова важнија у одржавању варијабилности, него полно специфична селекција. Генерално, резултати ових радова дају експерименталну потврду адаптивног значаја симпатричке мтДНК варијабилности, те деловања различитих видова балансне селекције у њеном одржавању. Такође показују да је основна јединица деловања природне селекције у овом контексту мито-једарни генотип, пре него сама мтДНК.

Радови под редним бројем 3, 5, 8, 9 и 10 реализовани су кроз сарадњу у оквиру Европског конзорцијума за популациону геномику *Drosophila* (DrosEU). У раду под редним бројем 8 је применом секвенцирања дугих фрагмената ДНК, конкретно *Oxford Nanopore* секвенцирања склопљен 101 геном *Drosophila* високог квалитета и тачности. Обухваћено је 93 различите врсте. Дати су детаљни протоколи и биоинформатички токови рада, те је рад значајан као ресурс за даља истраживања. О овоме сведочи досадашња висока цитираност рада (106 цитата без аутоцитата). Између осталог, др Михаило Јелић је водио тим београдске групе у обезбеђивању и припреми линија *Obscura* групе врста: *D. subobscura*, *D. obscura*, *D. ambigua* и *D. tristis*. Значај овог рада се огледа у томе што секвенциране линије имају потенцијал да постану модели за истраживања у различитим областима еволуције, генетике, екологије и биологије уопште. Линије које је обезбедио др Јелић се чувају у лабораторији и представљају ресурс за међународну сарадњу.

У раду под редним бројем 10 спроведена је метагеномска анализа више хиљада збирно секвенцираних јединки *D. melanogaster* са 47 локација широм Европе сакупљених у периоду од 2014-2016. године, ради детекције присуства ДНК вируса у популацијама. Детектовано је 14 различитих вируса, и дискутована је њихова заступљеност у узорцима. Резултати указују да су ДНК вируси мање заступљени него РНК вируси код ове врсте. У раду под редним бројем 9 развијен је специфични биоинформатички ток обраде података (DEST, *Drosophila* Evolution over Space and Time) збирно секвенцираних популација *D. melanogaster* (и симбиотских организама). Анализиран је 271 узорак који обухватају више од 100 локација у преко 20 земаља узоркованих током низа година у различитим сезонама. Подаци су надопуњени метаподацима узорковања и срединских варијабли. Овим аналитичким током је конструисан опсежни репозиторијум геномских података ове модел врсте. Дата су упутства за коришћење доступних података у циљу извођења демографских закључака. Резултати су од великог значаја јер представљају значајну полазну основу за даља истраживања динамике генетичке варијабилности ове врсте и имају велику могућност примене у сродним дисциплинама. Управо је у раду под редним бројем 3 ова платформа допуњена те је добила глобални значај. Она сада обухвата 6 континената и покрива временски период преко 10 година узорковања. Овако проширени сет метаподатака омогућио је дубљи увид у динамику демографије врсте. Утврђена је стабилност генетичке структуре популација током времена. Такође је утврђено да случајни процеси доводе до диференцијације популација. Утврђено је да су се популације различитих континената независно адаптирале на пестициде. Такође је утврђен сезонски аспект адаптације

на патогене. У овом раду у односу на претходни је унапређен и аналитички ток обраде података. У раду под редним бројем 5 на нивоу конзорцијума одабрано је 9 европских популација, те је на линијама описан фенотип 16 компоненти адаптивне вредности. Готово све компоненте су анализирани више пута у различитим лабораторијама, а репродукцибилност је била висока. Показан је клинални образац варијабилност различитих особина и присуство локалних адаптација вођених климатским условима.

У раду под редним бројем 11 анализиран је утицај олова као загађивача на динамику микробиоте врста *D. subobscura* и *D. melanogaster* и особине животне историје. Сprovedено је секвенцирање следеће генерације V3-V4 варијабилног региона 16S рПНК. Утврђено је да поменута динамика зависи од порекла популације, пола и врсте. Показано је да чланови микробиоте, попут *Komagataeibacter* помажу јединкама да превазиђу стрес изазван оловом.

Цитираност. Сваки цитирани рад представљен је табелом у којој су испод њега наведени резултати који су га цитирали. Радови који нису на СЦИ листи су обележени звездицом.

Kim, B. Y., Wang, J. R., Miller, D. E., Barmina, O., Delaney, E., Thompson, A., ... & Petrov, D. A. (2021). Highly contiguous assemblies of 101 drosophilid genomes. <i>Elife</i>, 10, e66405.
1. Scarpa, A., Pianezza, R., Gellert, H. R., Haider, A., Kim, B. Y., Lai, E. C., ... & Signor, S. (2025). Double trouble: two retrotransposons triggered a cascade of invasions in <i>Drosophila</i> species within the last 50 years. <i>Nature communications</i>, 16(1), 516. 2. Luo, Y., Takau, A., Li, J., Fan, T., Hopkins, B. R., Le, Y., ... & Kopp, A. (2025). Regulatory changes in the fatty acid elongase eloF underlie the evolution of sex-specific pheromone profiles in <i>Drosophila prolongata</i>. <i>BMC biology</i>, 23(1), 117. 3. Gebert, D., Hay, A. D., Hoang, J. P., Gibbon, A. E., Henderson, I. R., & Teixeira, F. K. (2025). Analysis of 30 chromosome-level <i>Drosophila</i> genome assemblies reveals dynamic evolution of centromeric satellite repeats. <i>Genome Biology</i>, 26(1), 63. 4. Tian, Y., Yue, X., Jiao, R., Hanson, M. A., & Lemaitre, B. (2025). Functional characterization of Paillotin: an immune peptide regulated by the Immune deficiency (Imd) pathway with pathogen-specific roles in <i>Drosophila</i> immunity. <i>Proceedings B</i>, 292(2054), 20251835. 5. Matsunaga, T., Reisenman, C. E., Goldman-Huertas, B., Rajshekar, S., Suzuki, H. C., Tadres, D., ... & Whiteman, N. K. (2025). Odorant receptors mediating avoidance of toxic mustard oils in <i>Drosophila melanogaster</i> are expanded in herbivorous relatives. <i>Molecular Biology and Evolution</i>, 42(9), msaf164. 6. El-Sabrou, A. M., Moreno, C., Temperville, M., Ferreira, E. A., Ogereau, D., Hassani, I. M., ... & Yassin, A. (2025). Divergence and parallelism in two tropical drosophilids simultaneously invading a desert environment. <i>Genome Biology and Evolution</i>, 17(8), evaf146. 7. Comeault, A. A., Orta, A. H., Fidler, D. B., Nunn, T., Ellison, A. R., Anspach, T. A., & Matute, D. R. (2025). Phylogenetic and functional diversity among <i>Drosophila</i>-associated metagenome-assembled genomes. <i>mSystems</i>, e00027-25. 8. Bush, Z. D., Naftaly, A. F., Dinwiddie, D., Albers, C., Hillers, K. J., & Libuda, D. E. (2025). Transposable elements and heterochromatic regions are enriched for structural variation and sequence divergence in the genome of wild-type <i>Caenorhabditis elegans</i>. <i>G3: Genes, Genomes, Genetics</i>, jkaf092. 9. Pianezza, R., Scarpa, A., Haider, A., Signor, S., & Kofler, R. (2025). Spatio-temporal tracking of three novel transposable element invasions in <i>Drosophila melanogaster</i> over the last 30 years. <i>Molecular Biology and Evolution</i>, msaf143. 10. Mérel, V., Tricou, T., Burlet, N., & Haudry, A. (2025). Relaxed purifying selection is associated with an accumulation of transposable elements in flies. <i>Molecular biology and evolution</i>, 42(6), msaf111. 11. Imrie, R. M., Wallace, M. A., & Longdon, B. (2025). Positive correlations in susceptibility to a diverse panel of viruses across <i>Drosophilidae</i> host species. <i>Evolution letters</i>, 9(3), 335-345. 12. Gupta, A., Mirarab, S., & Turakhia, Y. (2025). Accurate, scalable, and fully automated inference of species trees from raw genome assemblies using ROADIES. <i>Proceedings of the National Academy of Sciences</i>, 122(19), e2500553122. 13. Rader, J. A., & Matute, D. R. (2025). Temperature affects conspecific and heterospecific mating rates in <i>Drosophila</i>. <i>Animal Behaviour</i>, 123168. 14. Gompert, Z., Feder, J. L., Parchman, T. L., Planidin, N. P., Whiting, F. J., & Nosil, P. (2025). Adaptation repeatedly uses complex structural genomic variation. <i>Science</i>, 388(6744), eadp3745. 15. Blumenstiel, J. P., Kingan, S. B., Garrigan, D., Hill, T., & Vedanayagam, J. (2025). Nested likelihood-ratio testing of the nonsynonymous: synonymous ratio suggests greater adaptation in the piRNA machinery of <i>Drosophila melanogaster</i> compared with <i>Drosophila ananassae</i> and <i>Drosophila willistoni</i>, two species with higher repeat content. <i>G3: Genes, Genomes, Genetics</i>, 15(4), jkaf017.

16. Huang, Y., Gao, Z. Y., Ly, K., Lin, L., Lambooi, J. P., King, E. G., ... & Lee, Y. C. G. (2025). Polymorphic transposable elements contribute to variation in recombination landscapes. *Proceedings of the National Academy of Sciences*, 122(12), e2427312122.
17. Tarnopol, R. L., Tamsil, J. A., Cinege, G., Ha, J. H., Verster, K. I., Abraham, E., ... & Whiteman, N. K. (2025). Experimental horizontal transfer of phage-derived genes to *Drosophila* confers innate immunity to parasitoids. *Current Biology*, 35(3), 514-529.
18. Li, F., Wang, X., & Zhou, X. (2025). The genomics revolution drives a new era in entomology. *Annual Review of Entomology*, 70(1), 379-400.
19. Ryu, H., Han, H., Kim, C., & Kim, J. (2025). GDBr: genomic signature interpretation tool for DNA double-strand break repair mechanisms. *Nucleic Acids Research*, 53(2), gkae1295.
20. Zakerzade, R., Chang, C. H., Chatla, K., Krishnapura, A., Appiah, S. P., Zhang, J., ... & Wei, K. H. (2025). Diversification and recurrent adaptation of the synaptonemal complex in *Drosophila*. *PLoS Genetics*, 21(1), e1011549.
21. Vedanayagam, J. (2025). Small RNA-mediated suppression of sex chromosome meiotic conflicts during *Drosophila* male gametogenesis. *Biochemical Society Transactions*, 53(01), 281-291.
22. Nicolini, F., Nuzhdin, S. V., Ghiselli, F., Luchetti, A., & Milani, L. (2025). Comparative Genomics of Sex-Determination-Related Genes Reveals Shared Evolutionary Patterns Between Bivalves and Mammals, but Not Fruit Flies. *Molecular Ecology*, e70103.
23. Li, H., Gabuin, N. D., Guo, F., Vigan, C. K., Wu, K., & Xiao, Y. (2025). Insect environmental adaptation: a genomic approach from genotype to phenotype. *Entomologia Generalis*.
24. Shukla, H. G., Chakraborty, M., & Emerson, J. J. (2025). Genetic variation in recalcitrant repetitive regions of the *Drosophila melanogaster* genome. *Genome Research*, 35(9), 2023-2040.
25. Stott, H. L., & Yakoby, N. (2025). Diversity of *Drosophila* egg patterning: The missing tools to explore embryonic axis formation. *Frontiers in Cell and Developmental Biology*, 13, 1569318.
26. Magyar, L. B., Ábrahám, E., Lipinszki, Z., Tarnopol, R. L., Whiteman, N. K., Varga, V., ... & Cinege, G. (2025). Pore-forming toxin-like proteins in the anti-parasitoid immune response of *Drosophila*. *Journal of Innate Immunity*, 17(1), 10-28.
27. Prediger, C., Ferreira, E. A., Zorzato, S. V., Hua-Van, A., Klasson, L., Miller, W. J., ... & Madi-Ravazzi, L. (2024). Saltational episodes of reticulate evolution in the *Drosophila saltans* species group. *Molecular biology and evolution*, 41(12), msae250.
28. Wang, L., Yu, H., Luo, B., Yan, R., Zhou, J., Liu, H., ... & Sun, W. (2024). Chromosome-level genome assembly of *Phortica okadaei*, a vector of *Thelazia callipaeda*. *Scientific Data*, 11(1), 1370.
29. Katoh, T. K., Chen, J. M., Yang, J. H., Zhang, G., Wang, L., Suwito, A., ... & Gao, J. J. (2024). Molecular phylogeny and species diversity of the genus *Dichaetophora* Duda and related taxa (Diptera: Drosophilidae). *Molecular Phylogenetics and Evolution*, 201, 108194.
30. Maslan, A., Altemose, N., Marcus, J., Mishra, R., Brennan, L. D., Sundararajan, K., ... & Streets, A. (2024). Mapping protein–DNA interactions with DiMeLo-seq. *Nature protocols*, 19(12), 3697-3720.
31. Monier, M., Nuez, I., Borne, F., & Courtier-Orgogozo, V. (2024). Higher evolutionary dynamics of gene copy number for *Drosophila* glue genes located near short repeat sequences. *BMC Ecology and Evolution*, 24(1), 18.
32. Hafezi, Y., Omurzakov, A., Carlisle, J. A., Caldas, I. V., Wolfner, M. F., & Clark, A. G. (2024). The *Drosophila melanogaster* Y-linked gene, WDY, is required for sperm to swim in the female reproductive tract. *Communications Biology*, 7(1), 90.
33. Courret, C., Hemmer, L. W., Wei, X., Patel, P. D., Chabot, B. J., Fuda, N. J., ... & Larracuente, A. M. (2024). Turnover of retroelements and satellite DNA drives centromere reorganization over short evolutionary timescales in *Drosophila*. *PLoS biology*, 22(11), e3002911.
34. Luecke, D., Luo, Y., Krzystek, H., Jones, C., & Kopp, A. (2024). Highly contiguous genome assembly of *Drosophila prolongata*—a model for evolution of sexual dimorphism and male-specific innovations. *G3: Genes, Genomes, Genetics*, 14(10), jkae155.
35. Frei, Y., Immarigeon, C., Revel, M., Karch, F., & Maeda, R. K. (2024). Upstream open reading frames repress the translation from the iab-8 RNA. *Plos Genetics*, 20(9), e1011214.
36. Benowitz, K. M., Allan, C. W., Jaworski, C. C., Sanderson, M. J., Diaz, F., Chen, X., & Matzkin, L. M. (2024). Fundamental patterns of structural evolution revealed by chromosome-length genomes of cactophilic *Drosophila*. *Genome Biology and Evolution*, 16(9), evae191.
37. Lin, L., Huang, Y., McIntyre, J., Chang, C. H., Colmenares, S., & Lee, Y. C. G. (2024). Prevalent fast evolution of genes involved in heterochromatin functions. *Molecular Biology and Evolution*, 41(9), msae181.
38. Trapotsi, M. A., van Lopik, J., Hannon, G. J., Czech Nicholson, B., & Bornelöv, S. (2024). FlaHMM: unistrand flamenco-like piRNA cluster prediction in *Drosophila* species using hidden Markov models. *NAR Genomics and Bioinformatics*, 6(3), lqae119.
39. Hjelman, C. E. (2024). Genome size and chromosome number are critical metrics for accurate genome assembly assessment in Eukaryota. *Genetics*, 227(4), iyae099.
40. Huang, Y. H., Sun, Y. F., Li, H., Li, H. S., & Pang, H. (2024). PhyloAln: a convenient reference-based

- tool to align sequences and high-throughput reads for phylogeny and evolution in the omic era. *Molecular Biology and Evolution*, 41(7), msae150.
41. Whittle, C. A., & Extavour, C. G. (2024). Gene protein sequence evolution can predict the rapid divergence of ovariole numbers in the *Drosophila melanogaster* subgroup. *Genome Biology and Evolution*, 16(7), evae118.
 42. Kim, B. Y., Gellert, H. R., Church, S. H., Suvorov, A., Anderson, S. S., Barmina, O., ... & Petrov, D. A. (2024). Single-fly genome assemblies fill major phylogenomic gaps across the Drosophilidae Tree of Life. *PLoS Biology*, 22(7), e3002697.
 43. Yano, J., Nave, C., Larratt, K., Honey, P., Roberts, M., Jingco, C., ... & Donlea, J. M. (2024). Elevated sleep quota in a stress-resilient *Drosophila* species. *Current Biology*, 34(11), 2487-2501.
 44. Brand, C. L., Oliver, G. T., Farkas, I. Z., Buszczak, M., & Levine, M. T. (2024). Recurrent duplication and diversification of a vital DNA repair gene family across *Drosophila*. *Molecular biology and evolution*, 41(6), msae113.
 45. Scarpa, A., Pianezza, R., Wierzbicki, F., & Kofler, R. (2024). Genomes of historical specimens reveal multiple invasions of LTR retrotransposons in *Drosophila melanogaster* during the 19th century. *Proceedings of the National Academy of Sciences*, 121(15), e2313866121.
 46. Singleton, M. D., & Eisen, M. B. (2024). Evolutionary analyses of intrinsically disordered regions reveal widespread signals of conservation. *PLOS Computational Biology*, 20(4), e1012028.
 47. Aguilar, J. M., Gloss, A. D., Suzuki, H. C., Verster, K. I., Singhal, M., Hoff, J., ... & Whiteman, N. K. (2024). Insights into the evolution of herbivory from a leaf-mining fly. *Ecosphere*, 15(4), e4764.
 48. Pianezza, R., Scarpa, A., Narayanan, P., Signor, S., & Kofler, R. (2024). Spink, a LTR retrotransposon, invaded *D. melanogaster* populations in the 1990s. *PLoS Genetics*, 20(3), e1011201.
 49. Bastide, H., Legout, H., Dogbo, N., Ogereau, D., Prediger, C., Carcaud, J., ... & Yassin, A. (2024). The genome of the blind bee louse fly reveals deep convergences with its social host and illuminates *Drosophila* origins. *Current Biology*, 34(5), 1122-1132.
 50. Carpinteyro-Ponce, J., & Machado, C. A. (2024). The complex landscape of structural divergence between the *Drosophila pseudoobscura* and *D. persimilis* genomes. *Genome Biology and Evolution*, 16(3), evae047.
 51. Seto, Y., Iwasaki, Y., Ogawa, Y., Tamura, K., & Toda, M. J. (2024). Skeleton phylogeny reconstructed with transcriptomes for the tribe Drosophilini (Diptera: Drosophilidae). *Molecular Phylogenetics and Evolution*, 191, 107978.
 52. Selvaraju, D., Wierzbicki, F., & Kofler, R. (2024). Experimentally evolving *Drosophila erecta* populations may fail to establish an effective piRNA-based host defense against invading P-elements. *Genome Research*, 34(3), 410-425.
 53. Flynn, J. M., Ahmed-Braimah, Y. H., Long, M., Wing, R. A., & Clark, A. G. (2024). High-Quality Genome Assemblies Reveal Evolutionary Dynamics of Repetitive DNA and Structural Rearrangements in the *Drosophila virilis* Subgroup. *Genome biology and evolution*, 16(1), evad238.
 54. Erlenbach, T., Haynes, L., Fish, O., Beveridge, J., Giambrone, S. A., Reed, L. K., ... & Scott Chialvo, C. H. (2023). Investigating the phylogenetic history of toxin tolerance in mushroom-feeding *Drosophila*. *Ecology and Evolution*, 13(12), e10736.
 55. Singleton, M., & Eisen, M. (2023). Leveraging genomic redundancy to improve inference and alignment of orthologous proteins. *G3: Genes, Genomes, Genetics*, 13(12), jkad222.
 56. Courret, C., & Larracunte, A. M. (2023). High levels of intra-strain structural variation in *Drosophila simulans* X pericentric heterochromatin. *Genetics*, 225(4), iyad176.
 57. van Lopik, J., Alizada, A., Trapotsi, M. A., Hannon, G. J., Bornelöv, S., & Czech Nicholson, B. (2023). Unistrand piRNA clusters are an evolutionarily conserved mechanism to suppress endogenous retroviruses across the *Drosophila* genus. *Nature communications*, 14(1), 7337.
 58. Leung, W., Torosin, N., Cao, W., Reed, L. K., Arrigo, C., Elgin, S. C., & Ellison, C. E. (2023). Long-read genome assemblies for the study of chromosome expansion: *Drosophila kikkawai*, *Drosophila takahashii*, *Drosophila bipectinata*, and *Drosophila ananassae*. *G3: Genes, Genomes, Genetics*, 13(10), jkad191.
 59. Manoli, G., Zandawala, M., Yoshii, T., & Helfrich-Förster, C. (2023). Characterization of clock-related proteins and neuropeptides in *Drosophila littoralis* and their putative role in diapause. *Journal of Comparative Neurology*, 531(15), 1525-1549.
 60. Peláez, J. N., Gloss, A. D., Goldman-Huertas, B., Kim, B., Lapoint, R. T., Pimentel-Solorio, G., ... & Whiteman, N. K. (2023). Evolution of chemosensory and detoxification gene families across herbivorous Drosophilidae. *G3: Genes, Genomes, Genetics*, 13(8), jkad133.
 61. O'donnell, S., Yue, J. X., Saada, O. A., Agier, N., Caradec, C., Cokelaer, T., ... & Fischer, G. (2023). Telomere-to-telomere assemblies of 142 strains characterize the genome structural landscape in *Saccharomyces cerevisiae*. *Nature Genetics*, 55(8), 1390-1399.
 62. Antonioli, H. R., Deprá, M., & Valente, V. L. (2023). Patterns of genome size evolution versus fraction of repetitive elements in *statu nascendi* species: the case of the willistoni subgroup of *Drosophila* (Diptera, Drosophilidae). *Genome*, 66(7), 193-201.

63. Wade, E. E., Kyriazis, C. C., Cavassim, M. I. A., & Lohmueller, K. E. (2023). Quantifying the fraction of new mutations that are recessive lethal. *Evolution*, 77(7), 1539-1549.
64. Birch, S., & Plachetzki, D. (2023). Multisensory integration by polymodal sensory neurons dictates larval settlement in a brainless cnidarian larva. *Molecular Ecology*, 32(14), 3892-3907.
65. Zhang, G., Gao, J. J., Takano, K. T., Yafuso, M., Suwito, A., Meleng, P. A., & Toda, M. J. (2023). Phylogenetic classification and palm-inflorescence anthophily of the *Colocasiomyia zeylanica* species group (Diptera: Drosophilidae), with descriptions of five new species. *Zootaxa*, 5278(2), 201-238.
66. Carvalho, T. L., Cordeiro, J., Vizentin-Bugoni, J., Fonseca, P. M., Loreto, E. L., & Robe, L. J. (2023). Horizontal transposon transfer and their ecological drivers: The case of flower-breeding *Drosophila*. *Genome Biology and Evolution*, 15(5), evad068.
67. Imrie, R. M., Walsh, S. K., Roberts, K. E., Lello, J., & Longdon, B. (2023). Investigating the outcomes of virus coinfection within and across host species. *PLoS Pathogens*, 19(5), e1011044.
68. Walczak, K., Pape, T., Ekanem, M., Szpila, K., & Grzywacz, A. (2023). Insights into the systematics of *Alluaudinella* and allied *Aethiopomyia* and *Ochromusca* (Muscidae, Diptera). *Zoologica Scripta*, 52(3), 279-297.
69. Payne, Z. L., Penny, G. M., Turner, T. N., & Dutcher, S. K. (2023). A gap-free genome assembly of *Chlamydomonas reinhardtii* and detection of translocations induced by CRISPR-mediated mutagenesis. *Plant Communications*, 4(2).
70. Richardson, K. M., Ross, P. A., Cooper, B. S., Conner, W. R., Schmidt, T. L., & Hoffmann, A. A. (2023). A male-killing *Wolbachia* endosymbiont is concealed by another endosymbiont and a nuclear suppressor. *PLoS Biology*, 21(3), e3001879.
71. Negi, A., Liao, B. Y., & Yeh, S. D. (2023). Long-read-based genome assembly of *Drosophila gunungcola* reveals fewer chemosensory genes in flower-breeding species. *Genome Biology and Evolution*, 15(3), evad048.
72. Mak, Q. C., Wick, R. R., Holt, J. M., & Wang, J. R. (2023). Polishing de novo nanopore assemblies of bacteria and eukaryotes with FMLRC2. *Molecular Biology and Evolution*, 40(3), msad048.
73. Faulk, C. (2023). De novo sequencing, diploid assembly, and annotation of the black carpenter ant, *Camponotus pennsylvanicus*, and its symbionts by one person for \$1000, using nanopore sequencing. *Nucleic acids research*, 51(1), 17-28.
74. Rader, J. A., Pivovarnik, M. A., Vantilburg, M. E., & Whitehouse, L. S. (2023). PhyloMatcher: a tool for resolving conflicts in taxonomic nomenclature. *Bioinformatics Advances*, 3(1), vbad144.
75. Wang, Z., Pu, J., Richards, C., Giannetti, E., Cong, H., Lin, Z., & Chung, H. (2023). Evolution of a fatty acyl-CoA elongase underlies desert adaptation in *Drosophila*. *Science Advances*, 9(35), eadg0328.
76. Moreyra, N. N., Almeida, F. C., Allan, C., Frankel, N., Matzkin, L. M., & Hasson, E. (2023). Phylogenomics provides insights into the evolution of cactophily and host plant shifts in *Drosophila*. *Molecular phylogenetics and evolution*, 178, 107653.
77. Bologa, A. M., Stoica, I., Ratiu, A. C., Constantin, N. D., & Ecovoiu, A. A. (2022). ONT-Based Alternative Assemblies Impact on the Annotations of Unique versus Repetitive Features in the Genome of a Romanian Strain of *Drosophila melanogaster*. *International Journal of Molecular Sciences*, 23(23), 14892.
78. Tong, X., Han, M. J., Lu, K., Tai, S., Liang, S., Liu, Y., ... & Dai, F. (2022). High-resolution silkworm pan-genome provides genetic insights into artificial selection and ecological adaptation. *Nature communications*, 13(1), 5619.
79. Tanaka, K., Barmina, O., Thompson, A., Massey, J. H., Kim, B. Y., Suvorov, A., & Kopp, A. (2022). Evolution and development of male-specific leg brushes in *Drosophilidae*. *Development genes and evolution*, 232(5), 89-102.
80. Yuan, J., Zhang, X., Kou, Q., Sun, Y., Liu, C., Li, S., ... & Li, F. (2022). Genome of a giant isopod, *Bathynomus jamesi*, provides insights into body size evolution and adaptation to deep-sea environment. *BMC biology*, 20(1), 113.
81. Peláez, J. N., Gloss, A. D., Ray, J. F., Chaturvedi, S., Haji, D., Charboneau, J. L., ... & Whiteman, N. K. (2022). Evolution and genomic basis of the plant-penetrating ovipositor: a key morphological trait in herbivorous *Drosophilidae*. *Proceedings of the Royal Society B*, 289(1986), 20221938.
82. Ketchum, R. N., Davidson, P. L., Smith, E. G., Wray, G. A., Burt, J. A., Ryan, J. F., & Reitzel, A. M. (2022). A chromosome-level genome assembly of the highly heterozygous sea urchin *Echinometra* sp. EZ reveals adaptation in the regulatory regions of stress response genes. *Genome biology and evolution*, 14(10), evac144.
83. Gao, J. J., Barmina, O., Thompson, A., Kim, B. Y., Suvorov, A., Tanaka, K., ... & Kopp, A. (2022). Secondary reversion to sexual monomorphism associated with tissue-specific loss of doublesex expression. *Evolution*, 76(9), 2089-2104.
84. Powell, A. F., Zhang, J., Hauser, D., Vilela, J. A., Hu, A., Gates, D. J., ... & Smith, S. D. (2022). Genome sequence for the blue-flowered Andean shrub *Ichroma cyaneum* reveals extensive discordance across the berry clade of Solanaceae. *The Plant Genome*, 15(3), e20223.
85. Rondón, J. J., Moreyra, N. N., Pisarenco, V. A., Rozas, J., Hurtado, J., & Hasson, E. (2022). Evolution of the odorant-binding protein gene family in *Drosophila*. *Frontiers in Ecology and Evolution*, 10, 957247.
86. Myers, E. A., Strickland, J. L., Rautsaw, R. M., Mason, A. J., Schramer, T. D., Nystrom, G. S., ... &

- Parkinson, C. L. (2022). De novo genome assembly highlights the role of lineage-specific gene duplications in the evolution of venom in Fea's viper (*Azemiops feae*). *Genome Biology and Evolution*, 14(7), evac082.
87. Chenevert, M., Miller, B., Karkoutli, A., Rusnak, A., Lott, S. E., & Atallah, J. (2022). The early embryonic transcriptome of a Hawaiian *Drosophila* picture-wing fly shows evidence of altered gene expression and novel gene evolution. *Journal of Experimental Zoology Part B: Molecular and Developmental Evolution*, 338(5), 277-291.
88. Hanson, M. A., & Lemaitre, B. (2022). Repeated truncation of a modular antimicrobial peptide gene for neural context. *PLoS Genetics*, 18(6), e1010259.
89. Feron, R., & Waterhouse, R. M. (2022). Exploring new genomic territories with emerging model insects. *Current opinion in insect science*, 51, 100902.
90. Yoshida, Y., Shaikhutdinov, N., Kozlova, O., Itoh, M., Tagami, M., Murata, M., ... & Kikawada, T. (2022). High quality genome assembly of the anhydrobiotic midge provides insights on a single chromosome-based emergence of extreme desiccation tolerance. *NAR Genomics and Bioinformatics*, 4(2), lqac029.
91. de Lima, L. G., & Ruiz-Ruano, F. J. (2022). In-depth satellitome analyses of 37 *Drosophila* species illuminate repetitive DNA evolution in the *Drosophila* genus. *Genome Biology and Evolution*, 14(5), evac064.
92. David, J. R., Ferreira, E. A., Jabaud, L., Ogereau, D., Bastide, H., & Yassin, A. (2022). Evolution of assortative mating following selective introgression of pigmentation genes between two *Drosophila* species. *Ecology and Evolution*, 12(4), e8821.
93. Church, S. H., & Extavour, C. G. (2022). Phylotranscriptomics reveals discordance in the phylogeny of Hawaiian *Drosophila* and *Scaptomyza* (Diptera: Drosophilidae). *Molecular Biology and Evolution*, 39(3), msac012.
94. Matsunaga, T., Reisenman, C. E., Goldman-Huertas, B., Brand, P., Miao, K., Suzuki, H. C., ... & Whiteman, N. K. (2022). Evolution of olfactory receptors tuned to mustard oils in herbivorous Drosophilidae. *Molecular biology and evolution*, 39(2), msab362.
95. Liegeois, S., & Ferrandon, D. (2022). Sensing microbial infections in the *Drosophila melanogaster* genetic model organism. *Immunogenetics*, 74(1), 35-62.
96. DeSalle, R., Oppenheim, S., & O'Grady, P. M. (2022). Whole mitochondrial genome phylogeny of Drosophilidae. *Mitochondrial DNA Part A*, 33(1-8), 1-9.
97. Hultmark, D., & Andó, I. (2022). Hematopoietic plasticity mapped in *Drosophila* and other insects. *Elife*, 11, e78906.
98. Bertocchi, N. Á., Oliveira, T. D. D., Deprá, M., Goñi, B., & Valente, V. L. S. (2022). Interpopulation variation of transposable elements of the hAT superfamily in *Drosophila willistoni* (Diptera: Drosophilidae): in-situ approach. *Genetics and Molecular Biology*, 45, e20210287.
99. Ishikawa, Y., Kimura, M. T., & Toda, M. J. (2022). Biology and ecology of the Oriental flower-breeding *Drosophila elegans* and related species. *Fly*, 16(1), 207-220.
100. Borne, F., Kulathinal, R. J., & Courtier-Orgogozo, V. (2021). Glue genes are subjected to diverse selective forces during *Drosophila* development. *Genome Biology and Evolution*, 13(12), evab248.
101. Ricchio, J., Uno, F., & Carvalho, A. B. (2021). New genes in the *Drosophila* Y chromosome: lessons from *D. willistoni*. *Genes*, 12(11), 1815.
102. Koch, L. (2021). Long-read sequencing of new *Drosophila* genomes. *Nature Reviews Genetics*, 22(10), 625-625.
103. Finet, C., Kassner, V. A., Carvalho, A. B., Chung, H., Day, J. P., Day, S., ... & Marlétaz, F. (2021). DrosOPhyla: resources for drosophilid phylogeny and systematics. *Genome biology and evolution*, 13(8), evab179.
104. Feldmeyer, B., Bornberg-Bauer, E., Dohmen, E., Fouks, B., Heckenhauer, J., Huylmans, A. K., ... & Harrison, M. C. (2024). Comparative evolutionary genomics in insects. In *Comparative genomics: Methods and protocols* (pp. 473-514). New York, NY: Springer US. *
105. Thiébaud, A., Altenhoff, A. M., Campi, G., Glover, N., Dessimoz, C., & Waterhouse, R. M. (2024). DrosOMA: the *Drosophila* Orthologous Matrix browser. *F1000Research*, 12, 936. *
106. Gautier, M. (2023). Efficient k-mer based curation of raw sequence data: application in *Drosophila suzukii*. *Peer Community Journal*, 3. *

* без ИФ

Kapun, M., Nunez, J. C., Bogaerts-Márquez, M., Murga-Moreno, J., Paris, M., Outten, J., ... & Bergland, A. O. (2021). *Drosophila* evolution over space and time (DEST): a new population genomics resource. *Molecular biology and evolution*, 38(12), 5782-5805.

1. Wierzbicki, F., Pianezza, R., Selvaraju, D., Eller, M. M., & Kofler, R. (2025). On the origin of the P-element invasion in *Drosophila simulans*. *Mobile DNA*, 16(1), 1-10.
2. Beaumont, M., Selvaraju, D., Pianezza, R., & Kofler, R. (2025). Rapid emergence of non-autonomous elements may stop P-element invasions in the absence of a piRNA-based host defence. *PLoS genetics*, 21(8), e1011649.

3. Berardi, S., Rhodes, J. A., Berner, M. C., Greenblum, S. I., Bitter, M. C., Behrman, E. L., ... & Schmidt, P. (2025). *Drosophila melanogaster* pigmentation demonstrates adaptive phenotypic parallelism over multiple spatiotemporal scales. *Evolution Letters*, qraf008.
4. Pianezza, R., Scarpa, A., Haider, A., Signor, S., & Kofler, R. (2025). Spatio-temporal tracking of three novel transposable element invasions in *Drosophila melanogaster* over the last 30 years. *Molecular Biology and Evolution*, msaf143.
5. Sandrock, C., Generalovic, T. N., Paul, K., Petersen, G. E. L., Sellem, E., Smith, M. B., ... & Obšteter, J. (2025). BugBook: Genetics of insects as food and feed. *Journal of Insects as Food and Feed*, 1(aop), 1-59.
6. Glaser-Schmitt, A., Lebherz, M., Saydam, E., Bornberg-Bauer, E., & Parsch, J. (2025). Expression of De Novo Open Reading Frames in Natural Populations of *Drosophila melanogaster*. *Journal of Experimental Zoology Part B: Molecular and Developmental Evolution*.
7. Jackson, D. J., Cerveau, N., & Posnien, N. (2024). De novo assembly of transcriptomes and differential gene expression analysis using short-read data from emerging model organisms—a brief guide. *Frontiers in Zoology*, 21(1), 17.
8. Bahrndorff, S. (2024). The disciplinary matrix of holobiont biology Uniting life's seen and unseen realms guides a conceptual advance in research. *Science*, 386(6723), 731-732.
9. Ghedir, A., Oueslati, N., Gasmi, L., Khorramnejad, A., Said, K., & Ometto, L. (2024). Genetic diversity in the tomato leafminer *Tuta absoluta* (Meyrick) in Tunisia. *Phytoparasitica*, 52(5), 88.
10. Escuer, P., Guirao-Rico, S., Arnedo, M. A., Sánchez-Gracia, A., & Rozas, J. (2024). Population genomics of adaptive radiations: Exceptionally high levels of genetic diversity and recombination in an endemic spider from the Canary Islands. *Molecular Ecology*, 33(22), e17547.
11. Moore, L. D., Chris Amuwa, T., Shaw, S. R., & Ballinger, M. J. (2024). *Drosophila* are hosts to the first described parasitoid wasp of adult flies. *Nature*, 633(8031), 840-847.
12. Mikucki, E. E., O'Leary, T. S., & Lockwood, B. L. (2024). Heat tolerance, oxidative stress response tuning and robust gene activation in early-stage *Drosophila melanogaster* embryos. *Proceedings B*, 291(2029), 20240973.
13. Gutiérrez-Guerrero, Y. T., Phifer-Rixey, M., & Nachman, M. W. (2024). Across two continents: The genomic basis of environmental adaptation in house mice (*Mus musculus domesticus*) from the Americas. *PLoS genetics*, 20(7), e1011036.
14. Glaser-Schmitt, A., Ramnarine, T. J., & Parsch, J. (2024). Rapid evolutionary change, constraints and the maintenance of polymorphism in natural populations of *Drosophila melanogaster*. *Molecular Ecology*, 33(10), e17024.
15. Vellnow, N., Gossmann, T. I., & Waxman, D. (2024). The pseudoentropy of allele frequency trajectories, the persistence of variation, and the effective population size. *BioSystems*, 238, 105176.
16. Cavigliasso, F., Savitsky, M., Koval, A., Erkosar, B., Savary, L., Gallart-Ayala, H., ... & Kawecki, T. J. (2024). Cis-regulatory polymorphism at *fiz* ecdysone oxidase contributes to polygenic evolutionary response to malnutrition in *Drosophila*. *PLoS genetics*, 20(3), e1011204.
17. Lafuente, E., Duneau, D., & Beldade, P. (2024). Genetic basis of variation in thermal developmental plasticity for *Drosophila melanogaster* body pigmentation. *Molecular Ecology*, 33(6), e17294.
18. Nunez, J. C., Lenhart, B. A., Bangerter, A., Murray, C. S., Mazzeo, G. R., Yu, Y., ... & Bergland, A. O. (2024). A cosmopolitan inversion facilitates seasonal adaptation in overwintering *Drosophila*. *Genetics*, 226(2), iyad207.
19. Grandchamp, A., Czuppon, P., & Bornberg-Bauer, E. (2024). Quantification and modeling of turnover dynamics of de novo transcripts in *Drosophila melanogaster*. *Nucleic Acids Research*, 52(1), 274-287.
20. Chen, J., Liu, C., Li, W., Zhang, W., Wang, Y., Clark, A. G., & Lu, J. (2024). From sub-Saharan Africa to China: Evolutionary history and adaptation of *Drosophila melanogaster* revealed by population genomics. *Science Advances*, 10(16), eadh3425.
21. Mpamhanga, C. D., & Kounatidis, I. (2024). The utility of *Drosophila melanogaster* as a fungal infection model. *Frontiers in Immunology*, 15, 1349027.
22. Desbiez-Piat, A., Ressayre, A., Marchadier, E., Noly, A., Remoué, C., Vitte, C., ... & Dillmann, C. (2023). Pervasive G×E interactions shape adaptive trajectories and the exploration of the phenotypic space in artificial selection experiments. *Genetics*, 225(4), iyad186.
23. Giesen, A., Blanckenhorn, W. U., Schäfer, M. A., Shimizu, K. K., Shimizu-Inatsugi, R., Misof, B., ... & Kapun, M. (2023). Geographic variation in genomic signals of admixture between two closely related European sepsid fly species. *Evolutionary Biology*, 50(4), 395-412.
24. Ye, Z., Wei, W., Pfrender, M. E., & Lynch, M. (2023). Evolutionary insights from a large-scale survey of population-genomic variation. *Molecular biology and evolution*, 40(11), msad233.
25. Shpak, M., Ghanavi, H. R., Lange, J. D., Pool, J. E., & Stensmyr, M. C. (2023). Genomes from historical *Drosophila melanogaster* specimens illuminate adaptive and demographic changes across more than 200 years of evolution. *PLoS Biology*, 21(10), e3002333.
26. Whitehouse, L. S., & Schrider, D. R. (2023). Timesweeper: accurately identifying selective sweeps using population genomic time series. *Genetics*, 224(3), iyad084.

27. Grandchamp, A., Köhl, L., Leberherz, M., Brüggemann, K., Parsch, J., & Bornberg-Bauer, E. (2023). Population genomics reveals mechanisms and dynamics of de novo expressed open reading frame emergence in *Drosophila melanogaster*. *Genome Research*, 33(6), 872-890.
28. Kapun, M., Mitchell, E. D., Kawecki, T. J., Schmidt, P., & Flatt, T. (2023). An ancestral balanced inversion polymorphism confers global adaptation. *Molecular biology and evolution*, 40(6), msad118.
29. Barria, A., Peñaloza, C., Papadopoulou, A., Mahmuddin, M., Doeschl-Wilson, A., Benzie, J. A., ... & Wiener, P. (2023). Genetic differentiation following recent domestication events: A study of farmed Nile tilapia (*Oreochromis niloticus*) populations. *Evolutionary Applications*, 16(6), 1220-1235.
30. Coronado-Zamora, M., Salces-Ortiz, J., & González, J. (2023). DrosOmics: a browser to explore-omics variation across high-quality reference genomes from natural populations of *Drosophila melanogaster*. *Molecular Biology and Evolution*, 40(4), msad075.
31. Hoedjes, K. M., Kostic, H., Flatt, T., & Keller, L. (2023). A single nucleotide variant in the PPAR γ -homolog Eip75B affects fecundity in *Drosophila*. *Molecular biology and evolution*, 40(2), msad018.
32. Hoedjes, K. M., Kostic, H., Keller, L., & Flatt, T. (2022). Natural alleles at the Doa locus underpin evolutionary changes in *Drosophila* lifespan and fecundity. *Proceedings of the Royal Society B*, 289(1986), 20221989.
33. Coughlan, J. M., Dagilis, A. J., Serrato-Capuchina, A., Elias, H., Peede, D., Isbell, K., ... & Matute, D. R. (2022). Patterns of population structure and introgression among recently differentiated *Drosophila melanogaster* populations. *Molecular Biology and Evolution*, 39(11), msac223.
34. Gossman, T. I., & Waxman, D. (2022). Correcting Bias in Allele Frequency Estimates Due to an Observation Threshold: A Markov Chain Analysis. *Genome Biology and Evolution*, 14(4), evac047.
35. Hague, M. T., Shropshire, J. D., Caldwell, C. N., Statz, J. P., Stanek, K. A., Conner, W. R., & Cooper, B. S. (2022). Temperature effects on cellular host-microbe interactions explain continent-wide endosymbiont prevalence. *Current Biology*, 32(4), 878-888.
36. Lange, J. D., Bastide, H., Lack, J. B., & Pool, J. E. (2022). A population genomic assessment of three decades of evolution in a natural *Drosophila* population. *Molecular Biology and Evolution*, 39(2), msab368.
37. Ramos-Onsins, S. E., Guirao-Rico, S., Hafez, A., & Ferretti, L. (2025). npstat: An Efficient Tool to Explore the Population Genome Variability and Divergence Using Pool Sequencing Data. In *Insect Genomics: Methods and Protocols* (pp. 51-66). New York, NY: Springer US. *
38. Kapun, M. (2025). The influence of chromosomal inversions on genetic variation and clinal patterns in genomic data of *Drosophila melanogaster*. In *Insect Genomics: Methods and Protocols* (pp. 141-177). New York, NY: Springer US. *
39. Sharma, J., Jetschny, S., Kapun, M., & Belaid, M. B. (2024, December). Deep Learning-Enhanced Gap Filling in *Drosophila Melanogaster* Genomic Data. In *2024 International Conference on Machine Learning and Applications (ICMLA)* (pp. 1447-1453). IEEE. *
40. Gautier, M. (2023). Efficient k-mer based curation of raw sequence data: application in *Drosophila suzukii*. *Peer Community Journal*, 3. *

*без ИФ

Kurbalija Novičić, Z., Immonen, E., Jelić, M., AnĐelković, M., Stamenković-Radak, M., & Arnqvist, G. (2015). Within-population genetic effects of mtDNA on metabolic rate in *Drosophila subobscura*. *Journal of Evolutionary Biology*, 28(2), 338-346

1. Montenegro, D., Cortés-Cortés, G., Balbuena-Alonso, M. G., Warner, C., & Camps, M. (2024). Wolbachia-based emerging strategies for control of vector-transmitted disease. *Acta tropica*, 260, 107410.
2. Wu, N. C., Alton, L., Bovo, R. P., Carey, N., Currie, S. E., Lighton, J. R., ... & Levesque, D. L. (2024). Reporting guidelines for terrestrial respirometry: Building openness, transparency of metabolic rate and evaporative water loss data. *Comparative Biochemistry and Physiology Part A: Molecular & Integrative Physiology*, 296, 111688.
3. Brand, J. A., Garcia-Gonzalez, F., Dowling, D. K., & Wong, B. B. (2024). Mitochondrial genetic variation as a potential mediator of intraspecific behavioural diversity. *Trends in ecology & evolution*, 39(2), 199-212.
4. Edmands, S. (2024). Mother's Curse effects on lifespan and aging. *Frontiers in Aging*, 5, 1361396.
5. Arnqvist, G., & Rowe, L. (2023). Ecology, the pace-of-life, epistatic selection and the maintenance of genetic variation in life-history genes. *Molecular Ecology*, 32(17), 4713-4724.
6. Healy, T. M., Hargadon, A. C., & Burton, R. S. (2023). Developmental rate displays effects of inheritance but not of sex in interpopulation hybrids of *Tigriopus californicus*. *Journal of Experimental Zoology Part A: Ecological and Integrative Physiology*, 339(7), 671-683.
7. Dowling, D. K., & Wolff, J. N. (2023). Evolutionary genetics of the mitochondrial genome: insights from *Drosophila*. *Genetics*, 224(3), iyad036.
8. Metcalfe, N. B., Bellman, J., Bize, P., Blier, P. U., Crespel, A., Dawson, N. J., ... & Monaghan, P.

- (2023). Solving the conundrum of intra-specific variation in metabolic rate: A multidisciplinary conceptual and methodological toolkit: New technical developments are opening the door to an understanding of why metabolic rate varies among individual animals of a species. *BioEssays*, 45(6), 2300026.
9. Nagatani, V. H., Ramalho, M. O., Alves, J. M., Souza, R. F., Kayano, D. Y., Silva, N. S., ... & Morini, M. S. (2023). Impact of native vegetation cover near crops on the occurrence and molecular diversity of fire ants. *Agricultural and Forest Entomology*, 25(2), 217-227.
 10. Han, J., Kim, J. G., Kwon, O. N., & Choi, Y. U. (2023). New Record of Geoduck Clam Collected from the East Coast of South Korea and Its Reproductive Characteristics. *Journal of Marine Science and Engineering*, 11(4), 776.
 11. Garlovsky, M. D., Holman, L., Brooks, A. L., Novicic, Z. K., & Snook, R. R. (2022). Experimental sexual selection affects the evolution of physiological and life-history traits. *Journal of Evolutionary Biology*, 35(5), 742-751.
 12. Ueno, T., & Takahashi, Y. (2021). Mitochondrial polymorphism shapes intrapopulation behavioural variation in wild *Drosophila*. *Biology Letters*, 17(7), 20210194.
 13. Dong, Z., Wang, Y., Li, C., Li, L., & Men, X. (2021). Mitochondrial DNA as a molecular marker in insect ecology: current status and future prospects. *Annals of the Entomological Society of America*, 114(4), 470-476.
 14. Okwaro, L. A., Muli, E., Runo, S. M., & Lattorff, H. M. G. (2021). Coexistence of honeybees with distinct mitochondrial haplotypes and hybridised nuclear genomes on the Comoros Islands. *The Science of Nature*, 108(3), 17.
 15. Gonzalez, S. (2021). The role of mitonuclear incompatibility in bipolar disorder susceptibility and resilience against environmental stressors. *Frontiers in Genetics*, 12, 636294.
 16. Gangloff, E. J., Schwartz, T. S., Klabacka, R., Huebschman, N., Liu, A. Y., & Bronikowski, A. M. (2020). Mitochondria as central characters in a complex narrative: Linking genomics, energetics, pace-of-life, and aging in natural populations of garter snakes. *Experimental Gerontology*, 137, 110967.
 17. Salminen, T. S., & Vale, P. F. (2020). *Drosophila* as a model system to investigate the effects of mitochondrial variation on innate immunity. *Frontiers in Immunology*, 11, 521.
 18. Keaney, T. A., Wong, H. W., Dowling, D. K., Jones, T. M., & Holman, L. (2020). Mother's curse and indirect genetic effects: do males matter to mitochondrial genome evolution?. *Journal of Evolutionary Biology*, 33(2), 189-201.
 19. Nagarajan-Radha, V., Aitkenhead, I., Clancy, D. J., Chown, S. L., & Dowling, D. K. (2020). Sex-specific effects of mitochondrial haplotype on metabolic rate in *Drosophila melanogaster* support predictions of the Mother's Curse hypothesis. *Philosophical Transactions of the Royal Society B*, 375(1790), 20190178.
 20. Healy, T. M., Brennan, R. S., Whitehead, A., & Schulte, P. M. (2019). Mitochondria, sex and variation in routine metabolic rate. *Molecular Ecology*, 28(20), 4608-4619.
 21. Matoo, O. B., Julick, C. R., & Montooth, K. L. (2019). Genetic variation for ontogenetic shifts in metabolism underlies physiological homeostasis in *Drosophila*. *Genetics*, 212(2), 537-552.
 22. Karageorgiou, C., Gámez-Visairas, V., Tarrío, R., & Rodríguez-Trelles, F. (2019). Long-read based assembly and synteny analysis of a reference *Drosophila subobscura* genome reveals signatures of structural evolution driven by inversions recombination-suppression effects. *BMC genomics*, 20(1), 223.
 23. Dobler, R., Dowling, D. K., Morrow, E. H., & Reinhardt, K. (2018). A systematic review and meta-analysis reveals pervasive effects of germline mitochondrial replacement on components of health. *Human Reproduction Update*, 24(5), 519-534.
 24. Toševski, I., Sing, S. E., De Clerck-Floate, R., McClay, A., Weaver, D. K., Schwarzländer, M., ... & Gassmann, A. (2018). Twenty-five years after: post-introduction association of *Mecinus janthinus* sl with invasive host toadflaxes *Linaria vulgaris* and *Linaria dalmatica* in North America. *Annals of Applied Biology*, 173(1), 16-34.
 25. Immonen, E., Hämäläinen, A., Schuett, W., & Tarka, M. (2018). Evolution of sex-specific pace-of-life syndromes: genetic architecture and physiological mechanisms. *Behavioral Ecology and Sociobiology*, 72(3), 60.
 26. Ortego, J., Nogueras, V., & Cordero, P. J. (2017). Geographical and ecological drivers of mitonuclear genetic divergence in a Mediterranean grasshopper. *Evolutionary Biology*, 44(4), 505-521.
 27. Yuan, X. L., Mao, X. X., Liu, X. M., Cheng, S., Zhang, P., & Zhang, Z. F. (2017). The complete mitochondrial genome of *Engyodontium album* and comparative analyses with Ascomycota mitogenomes. *Genetics and Molecular Biology*, 40(4), 844-854.
 28. Towarnicki, S. G., & Ballard, J. W. O. (2017). *Drosophila* mitotypes determine developmental time in a diet and temperature dependent manner. *Journal of Insect Physiology*, 100, 133-139.
 29. Stojković, B., Sayadi, A., Đorđević, M., Jović, J., Savković, U., & Arnqvist, G. (2017). Divergent evolution of life span associated with mitochondrial DNA evolution. *Evolution*, 71(1), 160-166.
 30. Pick, J. L., Ebner, C., Hutter, P., & Tschirren, B. (2016). Disentangling genetic and prenatal maternal effects on offspring size and survival. *The American Naturalist*, 188(6), 628-639.
 31. Tschirren, B., Ziegler, A. K., Pick, J. L., Okuliarová, M., Zeman, M., & Giraudeau, M. (2016). Matrilineal inheritance of a key mediator of prenatal maternal effects. *Proceedings of the Royal Society B*:

Biological Sciences, 283(1838), 20161676.

32. Porcelli, D., Westram, A. M., Pascual, M., Gaston, K. J., Butlin, R. K., & Snook, R. R. (2016). Gene expression clines reveal local adaptation and associated trade-offs at a continental scale. *Scientific reports*, 6(1), 32975.
33. Immonen, E., Collet, M., Goenaga, J., & Arnqvist, G. (2016). Direct and indirect genetic effects of sex-specific mitonuclear epistasis on reproductive ageing. *Heredity*, 116(3), 338-339.
34. Kosovac, A., Radonjić, S., Hrnčić, S., Krstić, O., Toševski, I., & Jović, J. (2016). Molecular tracing of the transmission routes of bois noir in Mediterranean vineyards of Montenegro and experimental evidence for the epidemiological role of *Vitex agnus-castus* (Lamiaceae) and associated *Hyalesthes obsoletus* (Cixiidae). *Plant Pathology*, 65(2), 285-298.
35. Hoffmann, A. A., Ross, P. A., & Rašić, G. (2015). Wolbachia strains for disease control: ecological and evolutionary considerations. *Evolutionary applications*, 8(8), 751-768.
36. Hill, G. E. (2015). Mitonuclear ecology. *Molecular biology and evolution*, 32(8), 1917-1927.

Wallace, M. A., Coffman, K. A., Gilbert, C., Ravindran, S., Albery, G. F., Abbott, J., ... & Obbard, D. J. (2021). The discovery, distribution, and diversity of DNA viruses associated with *Drosophila melanogaster* in Europe. *Virus evolution*, 7(1), veab031.

1. Pienaar, R. D., Herrero, S., de Araujo, A. C., Krupa, F., Abd-Alla, A. M., & Herniou, E. A. (2025). High-throughput screening reveals high diversity and widespread distribution of viruses in black soldier flies (*Hermetia illucens*). *Journal of Invertebrate Pathology*, 211, 108322.
2. Dudzic, J. P., Mcpherson, A. E., Taylor, K. E., Eben, A., Abram, P. K., & Perlman, S. J. (2025). Candidate DNA and RNA viruses of *Drosophila suzukii* from Canada and Germany, and their interactions with Wolbachia. *Journal of Invertebrate Pathology*, 209, 108274.
3. Miao, Q., Qu, L., Jiang, J., Liu, Q., Zhao, W., Tan, L., ... & Xia, X. (2025). Identification and Molecular Characterization of Two Novel Picorna-Like Viruses in *Armigeres subalbatus* Mosquitoes in Yunnan, China. *Vector-Borne and Zoonotic Diseases*.
4. Varsani, A., Abd-Alla, A. M., Arnberg, N., Bateman, K. S., Benkő, M., Bézier, A., ... & Zerbini, F. M. (2025). Summary of taxonomy changes ratified by the International Committee on Taxonomy of Viruses (ICTV) from the Animal DNA Viruses and Retroviruses Subcommittee, 2025. *Journal of General Virology*, 106(7), 002113.
5. Rong, Q., Xi, Z., Guo, D., Xu, W., Zhang, L., & Wu, Q. (2024). Regulation of ubiquitination and antiviral activity of Cactin by deubiquitinase Usp14 in *Drosophila*. *Journal of Virology*, 98(5), e00177-24.
6. Chen, D., Shi, C., Xu, W., Rong, Q., & Wu, Q. (2024). Regulation of phase separation and antiviral activity of Cactin by glycolytic enzyme PGK via phosphorylation in *Drosophila*. *Mbio*, 15(4), e01378-23.
7. Barth, Z. K., Hicklin, I., Thézé, J., Takatsuka, J., Nakai, M., Herniou, E. A., ... & Aylward, F. O. (2024). Genomic analysis of hyperparasitic viruses associated with entomopoxviruses. *Virus Evolution*, 10(1), veae051.
8. Guinet, B., Leobold, M., Herniou, E. A., Bloin, P., Burlet, N., Bredlau, J., ... & Bézier, A. (2024). A novel and diverse family of filamentous DNA viruses associated with parasitic wasps. *Virus Evolution*, 10(1), veae022.
9. Varaldi, J., Lepetit, D., Burlet, N., Faber, C., Baretje, B., & Allemand, R. (2024). Community structure of heritable viruses in a *Drosophila*-parasitoids complex. *Peer Community Journal*, 4.
10. Kawato, S., Nozaki, R., Kondo, H., & Hirono, I. (2024). Integrase-associated niche differentiation of endogenous large DNA viruses in crustaceans. *Microbiology Spectrum*, 12(1), e00559-23.
11. Kuyateh, O., & Obbard, D. J. (2023). Viruses in laboratory *Drosophila* and their impact on host gene expression. *Viruses*, 15(9), 1849.
12. Kane, Y., Chen, J., Li, L., Descorps-Declere, S., Wong, G., & Berthet, N. (2023). Diverse single-stranded DNA viruses from viral metagenomics on a cynopterus bat in China. *Heliyon*, 9(8).
13. Bruner-Montero, G., Luque, C. M., Cesar, C. S., Ding, S. D., Day, J. P., & Jiggins, F. M. (2023). Hunting *Drosophila* viruses from wild populations: A novel isolation approach and characterisation of viruses. *PLoS Pathogens*, 19(3), e1010883.
14. Roux, S., Fischer, M. G., Hackl, T., Katz, L. A., Schulz, F., & Yutin, N. (2023). *Updated Virophage Taxonomy and Distinction from Polinton-like Viruses*. *Biomolecules* 2023, 13, 204.
15. Nyirakanani, C., Tamisier, L., Bizimana, J. P., Rollin, J., Nduwumuremyi, A., Bigirimana, V. D. P., ... & Massart, S. (2023). Going beyond consensus genome sequences: An innovative SNP-based methodology reconstructs different Ugandan cassava brown streak virus haplotypes at a nationwide scale in Rwanda. *Virus Evolution*, 9(2), vead053.
16. Prakash, A., Monteith, K. M., & Vale, P. F. (2022). Mechanisms of damage prevention, signalling and repair impact disease tolerance. *Proceedings of the Royal Society B*, 289(1981), 20220837.
17. Pienaar, R. D., Gilbert, C., Belliardo, C., Herrero, S., & Herniou, E. A. (2022). First evidence of past and present interactions between viruses and the black soldier fly, *Hermetia illucens*. *Viruses*, 14(6), 1274.
18. Gilbert, C., & Belliardo, C. (2022). The diversity of endogenous viral elements in insects. *Current*

opinion in insect science, 49, 48-55.

19. Stenglein, M. D. (2022). The case for studying new viruses of new hosts. *Annual Review of Virology*, 9(1), 157-172.
20. Xu, Y., Jiang, J., Lin, X., Shi, W., & Cao, C. (2022). Identification of diverse viruses associated with grasshoppers unveils the parallel relationship between host phylogeny and virome composition. *Virus Evolution*, 8(2), veac057.
21. Albery, G. F., Sweeny, A. R., Becker, D. J., & Bansal, S. (2022). Fine-scale spatial patterns of wildlife disease are common and understudied. *Functional Ecology*, 36(1), 214-225.

Jelić, M., Patenković, A., Skorić, M., Mišić, D., Kurbalija Novičić, Z., Bordács, S., ... & Šiler, B. (2015). Indigenous forests of European black poplar along the Danube River: genetic structure and reliable detection of introgression. *Tree Genetics & Genomes*, 11(5), 89.

1. Żukowska, W. B., & Lewandowski, A. (2025). Genetic structure and divergence of marginal populations of black poplar (*Populus nigra* L.) in Poland. *Scientific Reports*, 15(1), 3014.
2. Robak, D., Lewandowski, A., & Żukowska, W. B. (2024). Genetic Divergence in the Natural Regeneration of Black Poplar Along the Vistula River in Poland. *Aquatic Conservation: Marine and Freshwater Ecosystems*, 34(12), e70028.
3. Żukowska, W. B., Purcel, A., & Lewandowski, A. (2024). Selection of locations to enrich the gene pool of a declining tree species in protected areas: The case of black poplar in the Wielkopolska National Park, Poland. *Acta Societatis Botanicorum Poloniae*, 93, 1-10.
4. Zunino, L., Cubry, P., Sarah, G., Mournet, P., El Bakkali, A., Aqbouch, L., ... & Khadari, B. (2024). Genomic evidence of genuine wild versus admixed olive populations evolving in the same natural environments in western Mediterranean Basin. *Plos one*, 19(1), e0295043.
5. Uluğ, A. (2022). Detection and confirmation of diagnostic microsatellite loci in *Populus nigra* and *Populus deltoides* to identify their hybrids ($P. \times canadensis$). *Turkish Journal of Botany*, 46(6), 603-613.
6. Mazal, L., Corenblit, D., Fumanal, B., & Till-Bottraud, I. (2022). Black poplar establishment on alluvial bars: seed rain homogeneity over a few kilometres. *Dendrobiology*, 87, 69-78.
7. Wójkiewicz, B., Lewandowski, A., Żukowska, W. B., Litkowiec, M., & Wachowiak, W. (2021). Low effective population size and high spatial genetic structure of black poplar populations from the Oder valley in Poland. *Annals of Forest Science*, 78(2), 37.
8. Mazal, L., Corenblit, D., Barsoum, N., Steiger, J., Skot, L., Fumanal, B., & Till-Bottraud, I. (2021). Fine-scale spatial genetic structure and intra-specific interactions of *Populus nigra* within a natural river corridor along the lower Allier River (France). *Flora*, 275, 151763.
9. Wójkiewicz, B., Żukowska, W. B., Wachowiak, W., & Lewandowski, A. (2019). The genetic assessment of the natural regeneration capacities of black poplar populations in the modern river valley landscapes. *Forest Ecology and Management*, 448, 150-159.
10. Ciftci, A., & Kaya, Z. (2019). Genetic diversity and structure of *Populus nigra* populations in two highly fragmented river ecosystems from Turkey. *Tree Genetics & Genomes*, 15(4), 66.
11. Degen, B., Blanc-Jolivet, C., Stierand, K., & Gillet, E. (2017). A nearest neighbour approach by genetic distance to the assignment of individual trees to geographic origin. *Forensic Science International: Genetics*, 27, 132-141.
12. Čortan, D., & Tubić, B. (2017). Viability and genetic diversity of *Populus nigra* population from riparian forest in SNR Gornje Podunavlje. *Dendrobiology*, (78), 157-167.
13. Lewandowski, A., & Litkowiec, M. (2017). Genetic structure of the old black poplar population along the bank of the Vistula River in Poland. *Acta Societatis Botanicorum Poloniae*, 86(1).
14. Čortan, D., Schroeder, H., Šijačić-Nikolić, M., Wehenkel, C., & Fladung, M. (2016). Genetic structure of remnant black poplar (*Populus nigra* L.) populations along biggest rivers in Serbia assessed by SSR markers. *Silvae Genetica*, 65(1), 12-19.
15. Otgonsuren, B., Rewald, B., Godbold, D. L., & Göransson, H. (2016). Ectomycorrhizal inoculation of *Populus nigra* modifies the response of absorptive root respiration and root surface enzyme activity to salinity stress. *Flora*, 224, 123-129.
16. Csencsics, D., & Holderegger, R. (2016). Origin of natural regeneration of black poplar (*Populus nigra* L.) and co-occurrence with hybrid poplar offspring. *Flora-Morphology, Distribution, Functional Ecology of Plants*, 222, 20-26.
17. Borsch, T., & Zippel, E. (2021). Genetische Grundlagen für den botanischen Artenschutz in Deutschland. *Natur und Landschaft*, 96(9+10), 450-460. *

*без ИФ

Jelić, M., Arnqvist, G., Kurbalija Novičić, Z., Kenig, B., Tanasković, M., Andelković, M., & Stamenković-Radak, M. (2015). Sex-specific effects of sympatric mitonuclear variation on fitness in *Drosophila subobscura*. *BMC evolutionary biology*, 15(1), 135.

1. Edmands, S., Denova, J. R., Flanagan, B. A., Jah, M., & Applebaum, S. L. (2024). Mitonuclear effects on sex ratio persist across generations in interpopulation hybrids. *Journal of Evolutionary Biology*, 37(11), 1386-1393.
2. Brand, J. A., Garcia-Gonzalez, F., Dowling, D. K., & Wong, B. B. (2024). Mitochondrial genetic variation as a potential mediator of intraspecific behavioural diversity. *Trends in ecology & evolution*, 39(2), 199-212.
3. Arnqvist, G., & Rowe, L. (2023). Ecology, the pace-of-life, epistatic selection and the maintenance of genetic variation in life-history genes. *Molecular Ecology*, 32(17), 4713-4724.
4. Healy, T. M., Hargadon, A. C., & Burton, R. S. (2023). Developmental rate displays effects of inheritance but not of sex in interpopulation hybrids of *Tigriopus californicus*. *Journal of Experimental Zoology Part A: Ecological and Integrative Physiology*, 339(7), 671-683.
5. Dowling, D. K., & Wolff, J. N. (2023). Evolutionary genetics of the mitochondrial genome: insights from *Drosophila*. *Genetics*, 224(3), iyad036.
6. Nguyen, T. H., Tinz-Burdick, A., Lenhardt, M., Geertz, M., Ramirez, F., Schwartz, M., ... & Fiumera, H. L. (2023). Mapping mitonuclear epistasis using a novel recombinant yeast population. *PLoS Genetics*, 19(3), e1010401.
7. Leeftang, H. L., Van Dongen, S., & Helsen, P. (2022). Mother's curse on conservation: assessing the role of mtDNA in sex-specific survival differences in ex-situ breeding programs. *Animal Conservation*, 25(3), 342-351.
8. Carnegie, L., Reuter, M., Fowler, K., Lane, N., & Camus, M. F. (2021). Mother's curse is pervasive across a large mitonuclear *Drosophila* panel. *Evolution letters*, 5(3), 230-239.
9. Vaught, R. C., Voigt, S., Dobler, R., Clancy, D. J., Reinhardt, K., & Dowling, D. K. (2020). Interactions between cytoplasmic and nuclear genomes confer sex-specific effects on lifespan in *Drosophila melanogaster*. *Journal of evolutionary biology*, 33(5), 694-713.
10. Camus, M. F., Moore, J., & Reuter, M. (2020). Nutritional geometry of mitochondrial genetic effects on male fertility. *Biology Letters*, 16(2), 20190891.
11. Dobler, R., Dowling, D. K., Morrow, E. H., & Reinhardt, K. (2018). A systematic review and meta-analysis reveals pervasive effects of germline mitochondrial replacement on components of health. *Human Reproduction Update*, 24(5), 519-534.
12. Runemark, A., Eroukmanoff, F., Nava-Bolaños, A., Hermansen, J. S., & Meier, J. I. (2018). Hybridization, sex-specific genomic architecture and local adaptation. *Philosophical Transactions of the Royal Society B: Biological Sciences*, 373(1757), 20170419.
13. Stojković, B., Sayadi, A., Đorđević, M., Jović, J., Savković, U., & Arnqvist, G. (2017). Divergent evolution of life span associated with mitochondrial DNA evolution. *Evolution*, 71(1), 160-166.

Davidović, S., Jelić, M., Marinković, S., Mihajlović, M., Tanasić, V., Hribšek, I., ... & Stamenković-Radak, M. (2020). Genetic diversity of the Griffon vulture population in Serbia and its importance for conservation efforts in the Balkans. *Scientific Reports*, 10(1), 20394.

1. Le Roux, R., Colmonero-Costeira, I., Deikumah, J. P., Thompson, L. J., Russo, I. R. M., Jansen van Vuuren, B., & Willows-Munro, S. (2024). High conservation importance of range-edge populations of Hooded Vultures (*Necrosyrtes monachus*). *Scientific Reports*, 14(1), 18040.
2. Le Roux, R., Thompson, L. J., van Vuuren, B. J., & Willows-Munro, S. (2024). Family Associations in a Breeding Colony of Critically Endangered Hooded Vulture (*Necrosyrtes monachus*) in the Lowveld of South Africa. *Ecology and Evolution*, 14(11), e70606.
3. Liu, G., Liu, Q., Zhang, W., & Shen, X. (2023). First reported Porrocaecum angusticolle infection in Griffon vulture (*Gyps fulvus*) in China. *Frontiers in Cellular and Infection Microbiology*, 13, 1181999.
4. Davidović, S., Marinković, S., Hribšek, I., Patenković, A., Stamenković-Radak, M., & Tanasković, M. (2022). Sex ratio and relatedness in the Griffon vulture (*Gyps fulvus*) population of Serbia. *PeerJ*, 10, e14477.
5. Cambrone, C., Motreuil, S., Reyes, F. O., Landestoy, M. A., Cézilly, F., Bezault, E. (2022). C., , Christopher, S., ébastien, F.O., rancis O., M.A.T., iguel A.T., F., rank, E., tienneObtaining DNA Samples from Sensitive and Endangered Bird Species: A Comparison of Saliva and Blood Samples Obtención de muestras de adn de especies de aves sensibles y en peligro: comparación de muestras de saliva y sangre. *IARDEOLA International Journal of Ornithology*, 69 (2), pp. 263 - 278
6. Dobrev, D., Tsiakiris, R., Skartsi, T., Dobrev, V., Arkumarev, V., Stara, K., ... & Demerdzhiev, D. (2022). Long-term size and range changes of the Griffon Vulture *Gyps fulvus* population in the Balkans: a review. *Bird Conservation International*, 32(2), 206-221.
7. Davidović, S., Marinković, S., Kukobat, M., Mihajlović, M., Tanasić, V., Hribšek, I., ... & Stamenković-Radak, M. (2022). Genetic diversity analysis of mitochondrial cytb gene, phylogeny and phylogeography of protected griffon vulture (*Gyps fulvus*) from serbia. *Life*, 12(2), 164.

8. Pirastru, M., Mereu, P., Manca, L., Bebbere, D., Naitana, S., & Leoni, G. G. (2021). Anthropogenic drivers leading to population decline and genetic preservation of the Eurasian Griffon Vulture (*Gyps fulvus*). *Life*, 11(10), 1038.
9. Blanco, G., & Morinha, F. (2021). Genetic signatures of population bottlenecks, relatedness, and inbreeding highlight recent and novel conservation concerns in the Egyptian vulture. *PeerJ*, 9, e11139.
10. Jha K.K. & Jha R.R. (2022). Success Stories of Vultures, in *Vultures of India: Ecological Developments, Problems, and Prospects* 241-292. *

*без ИФ

Kurbalija Novičić, Z., Sayadi, A., Jelić, M., & Arnqvist, G. (2020). Negative frequency dependent selection contributes to the maintenance of a global polymorphism in mitochondrial DNA. *BMC evolutionary biology*, 20(1), 20.

1. Cherrak, Y., Salazar, M. A., Näpflin, N., Malfertheiner, L., Herzog, M. K. M., Schubert, C., ... & Hardt, W. D. (2024). Non-canonical start codons confer context-dependent advantages in carbohydrate utilization for commensal *E. coli* in the murine gut. *Nature Microbiology*, 9(10), 2696-2709.
2. Duran-Nebreda, S., Vidiella, B., Spiridonov, A., Eldredge, N., O'Brien, M. J., Bentley, R. A., & Valverde, S. (2024). The many ways toward punctuated evolution. *Palaeontology*, 67(5), e12731.
3. Brand, J. A., Garcia-Gonzalez, F., Dowling, D. K., & Wong, B. B. (2024). Mitochondrial genetic variation as a potential mediator of intraspecific behavioural diversity. *Trends in ecology & evolution*, 39(2), 199-212.
4. Arnqvist, G., & Rowe, L. (2023). Ecology, the pace-of-life, epistatic selection and the maintenance of genetic variation in life-history genes. *Molecular Ecology*, 32(17), 4713-4724.
5. Dowling, D. K., & Wolff, J. N. (2023). Evolutionary genetics of the mitochondrial genome: insights from *Drosophila*. *Genetics*, 224(3), iyad036.
6. Camus, M. F., & Dhawanjewar, A. S. (2023). Multilevel selection on mitochondrial genomes. *Current Opinion in Genetics & Development*, 80, 102050.
7. Rodriguez-Silva, R., Spikes, M., Monsibay, M. I., & Schlupp, I. (2023). Color polymorphism in the Cuban endemic livebearing fish *Limia vittata* (Teloestei, Poeciliidae): Potential roles of sexual and natural selection. *Ecology and Evolution*, 13(1), e9768.
8. Wang, T., Li, T. C., Miao, Y. H., Wu, L. N., Chen, Y. Q., Huang, D. W., & Xiao, J. H. (2022). The gender-specific impact of starvation on mitotypes diversity in adults of *Drosophila melanogaster*. *Open Biology*, 12(9), 220108.
9. Ding, G., Hasselmann, M., Huang, J., Roberts, J., Oldroyd, B. P., & Gloag, R. (2021). Global allele polymorphism indicates a high rate of allele genesis at a locus under balancing selection. *Heredity*, 126(1), 163-177.
10. Immonen, E., Berger, D., Sayadi, A., Liljestrand-Rönn, J., & Arnqvist, G. (2020). An experimental test of temperature-dependent selection on mitochondrial haplotypes in *Callosobruchus maculatus* seed beetles. *Ecology and Evolution*, 10(20), 11387-11398.
11. Wurarah, M., Mokosuli, Y.S., Sumampouw, H.M. (2023). Biodiversity of *Drosophila* sp. from the Natural Environment based on the Cytochrome Oxidase subunit 1 Gene. *Jurnal Pendidikan IPA Indonesia*, 12(2):310-318. *

*без ИФ

Beribaka, M., Jelić, M., Tanasković, M., Lazić, C., & Stamenković-Radak, M. (2021). Life history traits in two *Drosophila* species differently affected by microbiota diversity under lead exposure. *Insects*, 12(12), 1122.

1. Rocabert, A., Martín-Pérez, J., Pareras, L., Egea, R., Alaraby, M., Cabrera-Gumbau, J. M., ... & Hernández, A. (2025). Nanoplastic exposure affects the intestinal microbiota of adult *Drosophila* flies. *Science of the Total Environment*, 980, 179545.
2. Zhang, H., Sun, H., Liu, L., Liao, Y., Lu, Y., & Xia, Q. (2025). Antioxidant response fail to rescue growth of *Hermetia illucens* L. larvae induced by copper accumulated during long-term exposure. *Comparative Biochemistry and Physiology Part C: Toxicology & Pharmacology*, 287, 110074.
3. Yue, F., Xu, J., Meng, L., Wang, Q., Tan, M., Zhang, A., ... & Jiang, D. (2024). A new insight into Cd exposure-induced hemocyte reduction in *Lymantria dispar* larvae: Involvement of the ROS-ATF6-ER stress-apoptosis pathway. *Journal of Hazardous Materials*, 469, 134061.
4. Brischetto, C., Rossi, V., & Fedele, G. (2024). The microbiome analysis of ripen grape berries supports the complex etiology of sour rot. *Frontiers in Microbiology*, 15, 1450443.
5. Özenirler, Ç., Schiesser, A., & Daşer-Özgişi, B. (2024). Insights into the gut microbiome of local steppe-vegetation inhabitant bees: microbial community analysis of *Bombus niveatus niveatus*, *Bombus niveatus vorticatus*, *Bombus terrestris*, and *Apis mellifera*. *Journal of Apicultural Research*, 63(1), 168-177.
6. Yin, Y., Wang, S., Zhang, K., Li, Y., Liu, W., Zhang, Q., ... & Zhang, Z. (2023). *Klebsiella pneumoniae* in the intestines of *Musca domestica* larvae can assist the host in antagonizing the poisoning of the

heavy metal copper. *BMC microbiology*, 23(1), 383.

7. Kavallieratos, N. G. (2022). Selected Papers from the 1st International Electronic Conference on Entomology. *Insects*, 13(10), 945.

Kenig, B., Jelić, M., Kurbalija, Z., Stamenković-Radak, M., & Anđelković, M. (2010). Inversion polymorphism in populations of *Drosophila subobscura* from urban and non-urban environments. *Arch. Biol. Sci. Belgrade*, 62(3), 565-574.

1. Erić, K., Patenković, A., Erić, P., Davidović, S., Veselinović, M. S., Stamenković-Radak, M., & Tanasković, M. (2022). Stress resistance traits under different thermal conditions in *Drosophila subobscura* from two altitudes. *Insects*, 13(2), 138.
2. Batista, M. R., Penha, R. E., Sofia, S. H., & Klaczko, L. B. (2018). Comparative analysis of adaptive and neutral markers of *Drosophila mediopunctata* populations dispersed among forest fragments. *Ecology and Evolution*, 8(24), 12681-12693.
3. Kenig, B., Kurbalija Novičić, Z., Patenković, A., Stamenković-Radak, M., & Anđelković, M. (2015). Adaptive role of inversion polymorphism of *Drosophila subobscura* in lead stressed environment. *PLoS one*, 10(6), e0131270.
4. Zivanovic, G., Arenas, C., & Mestres, F. (2014). Inbreeding and thermal adaptation in *Drosophila subobscura*. *Genome*, 57(9), 481-488.
5. Kenig, B., Patenković, A., Anđelković, M., & Stamenković-Rada, M. (2014). Life-history variation of *Drosophila subobscura* under lead pollution depends on population history. *Genetika*, 46(3), 693-703.
6. Dimitrijević, D., Petković, B., Anđelković, M., & Savić, T. (2013). Spontaneous locomotor activity of *Drosophila subobscura* under controlled laboratory conditions. *Archives of Biological Sciences*, 65(3), 977-987.
7. Novicic, Z. K., Kenig, B., Ludoski, J., Stamenkovic-Radak, M., & Andjelkovic, M. (2012). Lead-induced variation in wing size and shape in populations of *Drosophila subobscura*. *Environmental entomology*, 41(4), 979-988.

STAMENKOVIĆ-RADAK, M., Jelić, M., Kurbalija Novičić, Z., Kenig, B., Tanasković, M., & Andjelković, M. (2012). Balkan glacial history and modern *Drosophila subobscura* population genetics. *Evol. Ecol. Res*, 14, 839-858.

1. Batista, M. R., Penha, R. E., Sofia, S. H., & Klaczko, L. B. (2018). Comparative analysis of adaptive and neutral markers of *Drosophila mediopunctata* populations dispersed among forest fragments. *Ecology and Evolution*, 8(24), 12681-12693.
2. Tanasković, M., Kurbalija Novičić, Z., Kenig, B., Veselinović Savić, M., Stamenković-Radak, M., & Anđelković, M. (2016). Synergistic effect of environmental and genomic stress on wing size of *Drosophila subobscura*. *Genetika*, 48(3), 1039-1052.
3. Tanaskovic, M., Novicic, Z. K., Kenig, B., Stamenkovic-Radak, M., & Andjelkovic, M. (2015). Effect of lead pollution on fitness and its dependence on heterozygosity in *Drosophila subobscura*. *Journal of genetics*, 94(4), 643-649.
4. Kalajdzic, P., Kenig, B., & Andjelkovic, M. (2015). *Drosophila subobscura* flies adapted to low lead concentration carry no fitness cost. *Environmental Pollution*, 204, 90-98.
5. Patenković, A., Savić, T., Kenig, B., Kurbalija-Novičić, Z., & Anđelković, M. (2015). The impact of extremely low frequency electromagnetic field (50Hz, 0.25 mT) on fitness components and wing traits of *Drosophila subobscura*. *Genetika*, 47(3), 967-982.
6. Novičić, Z. K., Pertoldi, C., Randi, E., Kristensen, T. N., Santos, M., Milankov, V., ... & Andjelković, M. (2012). Conservation biology: the need for multidisciplinary approaches. *Evol. Ecol. Res*, 14 (7), 787 - 791

Erić, P., Patenković, A., Erić, K., Tanasković, M., Davidović, S., Rakić, M., ... & Jelić, M. (2022). Temperature-specific and sex-specific fitness effects of sympatric mitochondrial and mito-nuclear variation in *Drosophila obscura*. *Insects*, 13(2), 139.

1. Arnqvist, G., & Rowe, L. (2023). Ecology, the pace-of-life, epistatic selection and the maintenance of genetic variation in life-history genes. *Molecular Ecology*, 32(17), 4713-4724.
2. Healy, T. M., Hargadon, A. C., & Burton, R. S. (2023). Developmental rate displays effects of inheritance but not of sex in interpopulation hybrids of *Tigriopus californicus*. *Journal of Experimental Zoology Part A: Ecological and Integrative Physiology*, 339(7), 671-683.
3. Nguyen, T. H., Tinz-Burdick, A., Lenhardt, M., Geertz, M., Ramirez, F., Schwartz, M., ... & Fiumera, H. L. (2023). Mapping mitonuclear epistasis using a novel recombinant yeast population. *PLoS Genetics*, 19(3), e1010401.
4. Nagarajan-Radha, V., & Beekman, M. (2023). G×G×E effect on phenotype expression in a non-conventional model organism, the unicellular slime mould *Physarum polycephalum*. *Biology Letters*, 19(2),

20220494.

5. Kavallieratos, N. G. (2022). Selected Papers from the 1st International Electronic Conference on Entomology. *Insects*, 13(10), 945.

Rogić, B., Tomić, L., Važić, B., Jelić, M., Jovanović, S., & Savić, M. (2011). Assessment of genetic diversity of Buša cattle from Bosnia and Herzegovina using microsatellite DNA markers. *Archives of Biological Sciences*, 63(4), 1077-1085.

1. Djedovic, R., Radojkovic, D., Stanojevic, D., Savic, R., Vukasinovic, N., Popovac, M., ... & Mitrovic, I. (2024). Base Characteristics, Preservation Methods, and Assessment of the Genetic Diversity of Autochthonous Breeds of Cattle, Sheep and Pigs in Serbia: A Review. *Animals*, 14(13), 1894.
2. Rogić, B., Važić, B., Đan, M., & Stamenković-Radak, M. (2019). Genetic diversity and structure of autochthonous cattle breeds from Bosnia and Herzegovina based on microsatellites. *Genetika*, 51(1), 335-345.
3. Prodanović, R., Kirovski, D., Vujanac, I., Đurić, M., Korićanac, G., Vranješ-Đurić, S., ... & Samanc, H. (2013). Insulin responses to acute glucose infusions in Buša and Holstein-Friesian cattle breed during the peripartum period: comparative study. *Acta Veterinaria, Beograd*, 63(4), 373-384.
4. Joshi, P., Priyank, V., & Kashyap, S. K. (2018). Genetic diversity study of Rathi and Sahiwal breeds of cattle through microsatellite markers. *Veterinary Practitioner*, 19(1), 4-6.*
5. Puja, I. K., Sulabda, I. N., & Wandia, I. N. (2018). Microsatellite polymorphisms and its relationship with calving interval and gestation period in bali cattle. *Adv. Anim. Vet. Sci*, 6(5), 197-200.*

*без ИФ

Kurbalija Novicic, Z., Stamenkovic-Radak, M., Pertoldi, C., Jelic, M., Savic Veselinovic, M., & Andjelkovic, M. (2011). Heterozygosity maintains developmental stability of sternopleural bristles in *Drosophila subobscura* interpopulation hybrids. *Journal of Insect Science*, 11(1), 113.

1. Wu, M., Bai, Y., Huang, L., Dong, Z., Li, Y., Yan, G., & Xie, Y. (2024). SSR Marker-Based Genetic Diversity and Relationship Analyses of *Stephania tetrandra* S. Moore. *Plant Molecular Biology Reporter*, 42(4), 675-687.
2. Kaňuch, P., Cassel-Lundhagen, A., Preuss, S., Nordlander, G., & Berggren, Å. (2022). Parapatric genetic lineages persist in a multiply introduced non-native bush-cricket. *Frontiers in Ecology and Evolution*, 10, 812079.
3. Babushkina, E. A., Vaganov, E. A., Grachev, A. M., Oreshkova, N. V., Belokopytova, L. V., Kostyakova, T. V., & Krutovsky, K. V. (2016). The effect of individual genetic heterozygosity on general homeostasis, heterosis and resilience in Siberian larch (*Larix sibirica* Ledeb.) using dendrochronology and microsatellite loci genotyping. *Dendrochronologia*, 38, 26-37.
4. Banerjee, P., & Singh, B. N. (2015). Interspecific hybridization does not affect the level of fluctuating asymmetry (FA) in the *Drosophila bipectinata* species complex. *Genetica*, 143(4), 459-471.
5. Kurbalija-Novičić, Z., Stamenković-Radak, M., Rašić, G., & Anđelković, M. (2011). Does inbreeding affects developmental stability in *Drosophila subobscura* populations?. *Genetika*, 43(3), 639-654.

Banjanac, T., Đurović, S., Jelić, M., Dragičević, M., Mišić, D., Skorić, M., ... & Šiler, B. (2019). Phenotypic and genetic variation of an interspecific *Centaurium* hybrid (*Gentianaceae*) and its parental species. *Plants*, 8(7), 224.

1. Zhang, C., Wu, Z., Jiang, X., Li, W., Lu, Y., & Wang, K. (2021). De novo transcriptomic analysis and identification of EST-SSR markers in *Stephanandra incisa*. *Scientific reports*, 11(1), 1059.
2. Li, Y., Ye, T., Han, C., Ye, Z., Zhang, J., Xiao, S., & Yuan, D. (2021). Cytogenetic analysis of interspecific hybridization in oil-tea (*Camellia oleifera*). *Euphytica*, 217(2), 28.
3. Simonović, A. D., M. Trifunović-Momčilov, M., Filipović, B. K., Marković, M. P., Bogdanović, M. D., & Subotić, A. R. (2020). Somatic embryogenesis in *Centaurium erythraea* Rafn—Current status and perspectives: A review. *Plants*, 10(1), 70.
4. Saptadi, D., Asbani, N., Heliyanto, B., & Setiawan, A. (2020). Identification of interspecific hybrid between *Jatropha curcas* × *J. integerrima* using morphological and molecular markers. *Biodiversitas Journal of Biological Diversity*, 21(2). *

*Hема ИФ

Jelić, M., Kenig, B., Kurbalija, Z., Stamenković-Radak, M., & Anđelković, M. (2009). Intra-species differentiation among *Drosophila subobscura* from different habitats in Serbia. *Archives of Biological Sciences*, 61(3), 513-521.

1. Tanaskovic, M., Novicic, Z. K., Kenig, B., Stamenkovic-Radak, M., & Andjelkovic, M. (2015). Effect of lead pollution on fitness and its dependence on heterozygosity in *Drosophila subobscura*. *Journal of genetics*, 94(4), 643-649.
2. Patenković, A., Savić, T., Kenig, B., Kurbalija-Novičić, Z., & Anđelković, M. (2015). The impact of extremely low frequency electromagnetic field (50Hz, 0.25 mT) on fitness components and wing traits of

Drosophila subobscura. *Genetika*, 47(3), 967-982.

3. Dimitrijević, D., Petković, B., Anđelković, M., & Savić, T. (2013). Spontaneous locomotor activity of *Drosophila subobscura* under controlled laboratory conditions. *Archives of Biological Sciences*, 65(3), 977-987.

4. Kurbalija, Z., Stamenkovic-Radak, M., Pertoldi, C., & Andjelkovic, M. (2010). Outbreeding causes developmental instability in *Drosophila subobscura*. *Evolutionary Ecology*, 24(4), 839-864.

Novicic, Z. K., Jelic, M., Savić, T., Veselinovic, M. S., Dimitrijevic, D., Jovanovic, M., ... & Andjelkovic, M. (2013). Effective population size in *Drosophila subobscura*: ecological and molecular approaches. *Journal of Biological Research*, 19, 65.

1. Zivanovic, G., Arenas, C., & Mestres, F. (2019). Rate of change for the thermal adapted inversions in *Drosophila subobscura*. *Genetica*, 147(5), 401-409.

2. Tanaskovic, M., Novicic, Z. K., Kenig, B., Stamenkovic-Radak, M., & Andjelkovic, M. (2015). Effect of lead pollution on fitness and its dependence on heterozygosity in *Drosophila subobscura*. *Journal of genetics*, 94(4), 643-649.

3. Kalajdzic, P., Kenig, B., & Andjelkovic, M. (2015). *Drosophila subobscura* flies adapted to low lead concentration carry no fitness cost. *Environmental Pollution*, 204, 90-98.

Novicic, Z. K., Jelic, M., Jovanovic, M., Dimitrijevic, D., Veselinovic, M. S., Stamenkovic-Radak, M., & Andjelkovic, M. (2011). Microsatellite variability of *Drosophila subobscura* populations from the central Balkans. *Evolutionary Ecology Research*, 13(5), 479-494.

1. Kjeldsen, S. R., Zenger, K. R., Leigh, K., Ellis, W., Tobey, J., Phalen, D., ... & Raadsma, H. W. (2016). Genome-wide SNP loci reveal novel insights into koala (*Phascolarctos cinereus*) population variability across its range. *Conservation Genetics*, 17(2), 337-353.

2. Tanaskovic, M., Novicic, Z. K., Kenig, B., Stamenkovic-Radak, M., & Andjelkovic, M. (2015). Effect of lead pollution on fitness and its dependence on heterozygosity in *Drosophila subobscura*. *Journal of genetics*, 94(4), 643-649.

3. Singh, G., & Singh, A. K. (2024). Microsatellite polymorphism based genetic variation in two sympatric species of *Drosophila*: *D. bipectinata* and *D. malerkotliana*. *Ecological Genetics and Genomics*, 32, 100272. *

*Нема ИФ ???

Kurbalija Novičić, Z., Bodén, R., Kozarski, K., Jelić, M., Jovanović, V. M., & Cunningham, J. L. (2021). Lithium influences whole-organism metabolic rate in *Drosophila subobscura*. *Journal of Neuroscience Research*, 99(1), 407-418.

1. Ramírez, W. G., Sotella, T. G., Alvarado, C. L., Vargas, J. R., & de la Torre Acha, A. R. (2024). Análisis de la competitividad de Chile en el mercado mundial del litio. *Cuadernos de economía (Santafé de Bogotá)*, 43(92), 383-411. *

2. Wang, J. L., & Jin, Y. T. (2022). Studies on lithium in the environment and its effects on the central nervous system. *Zhonghua yu Fang yi xue za zhi [Chinese Journal of Preventive Medicine]*, 56(3), 233-239. *

*Нема ИФ

Stamenkovic-Radak, M., Kenig, B., Djurakic, M., Jelic, M., Eric, K., & Andjelkovic, M. (2019). Associations between environmental variability and inversion polymorphism of *Drosophila subobscura*: Meta-analysis of populations from the Central Balkans. *Climate Research*, 77(3), 205-217.

1. Erić, K., Veselinović, M. S., Patenković, A., Davidović, S., Erić, P., Stamenković-Radak, M., & Tanasković, M. (2023). Population history shapes responses to different temperature regimes in *Drosophila subobscura*. *Life*, 13(6), 1333.

2. Erić, K., Patenković, A., Erić, P., Davidović, S., Veselinović, M. S., Stamenković-Radak, M., & Tanasković, M. (2022). Stress resistance traits under different thermal conditions in *Drosophila subobscura* from two altitudes. *Insects*, 13(2), 138.

Savić Veselinovic, M., Pavkovic-Lucic, S., Kurbalija Novicic, Z., Jelic, M., Stamenkovic-Radak, M., & Andjelkovic, M. (2017). Mating behavior as an indicator of quality of *Drosophila subobscura* males?. *Insect Science*, 24(1), 122-132.

1. Pembury Smith, M. Q., Latkova, L., & Snook, R. R. (2025). Facultative polyandry under heat stress and the evolutionary potential for climate-driven shifts in mating systems. *Heredity*, 1-9.

2. Liu, Z. D., Wickham, J. D., & Sun, J. H. (2021). Fighting and aggressive sound determines larger male to win male-male competition in a bark beetle. *Insect Science*, 28(1), 203-214.

Savić-Veselinović, M., Pavković-Lučić, S., Kurbalija-Novičić, Z., Jelić, M., & Andelković, M. (2013). Sexual selection can reduce mutational load in *Drosophila subobscura*. *Genetika*, 45(2), 537-552.

1. Gibson Vega, A., Kennington, W. J., Tomkins, J. L., & Dugand, R. J. (2020). Experimental evidence for accelerated adaptation to desiccation through sexual selection on males. *Journal of Evolutionary Biology*, 33(8), 1060-1067.
2. Collet, J. M., Blows, M. W., & McGuigan, K. (2015). Transcriptome-wide effects of sexual selection on the fate of new mutations. *Evolution*, 69(11), 2905-2916.

Jelić, M., Castro, J. A., Kurbalija Novičić, Z., Kenig, B., Dimitrijević, D., Savić Veselinović, M., ... & Andjelković, M. (2012). Absence of linkage disequilibria between chromosomal arrangements and mtDNA haplotypes in natural populations of *Drosophila subobscura* from the Balkan Peninsula. *Genome*, 55(3), 214-221.

1. Zivanovic, G., Arenas, C., & Mestres, F. (2014). Inbreeding and thermal adaptation in *Drosophila subobscura*. *Genome*, 57(9), 481-488.
2. Kalajdžić, P., Oehler, S., Markaki, M., & Savakis, C. (2013). Toxicology and cytogenetic analysis of a *Drosophila melanogaster* mutant resistant to Imidacloprid and DDT. *Genetika*, 45(3), 929-938.

Nunez, J. C., Coronado-Zamora, M., Gautier, M., Kapun, M., Steindl, S., Ometto, L., ... & Gonzalez, J. (2025). Footprints of worldwide adaptation in structured populations of *Drosophila melanogaster* through the expanded DEST 2.0 genomic resource. *Molecular biology and evolution*, 42(8), msaf132.

1. Karageorgi, M., Lyulina, A. S., Bitter, M. C., Lappo, E., Greenblum, S. I., Mouza, Z. K., ... & Petrov, D. A. (2025). Beneficial reversal of dominance maintains a large-effect resistance polymorphism under fluctuating insecticide selection. *Nature Ecology & Evolution*, 1-16.

Beribaka, M. B., Dimkić, I. Z., Jelić, M. Đ., Stanković, S. M., Pržulj, N. M., Andelković, M. L., & Stamenković-Radak, M. M. (2021). Altered diversity of bacterial communities in two *Drosophila* species under laboratory conditions and lead exposure. *Archives of Biological Sciences*, 73(1), 17-29.

1. Yang, Q., Wu, K., Liu, Y., Guo, Y., Liang, J., Zhao, W., ... & Shu, Y. (2025). Ecotoxicological effects of maize-mediated cadmium stress on the fall armyworm (*Spodoptera frugiperda*): Gut cell ultrastructure, microbiome and transcriptome. *Environmental Chemistry and Ecotoxicology*, 7, 1289-1299.

Veselinovic, M. S., Novicic, Z. K., Kenig, B., Jelic, M., Patenković, A., Tanasković, M., ... & Andjelkovic, M. (2019). Local adaptation at fine spatial scale through chromosomal inversions and mito-nuclear epistasis: Findings in *Drosophila subobscura* (Diptera: Drosophilidae). *European Journal of Entomology*, 116, 492-503.

1. Erić, K., Patenković, A., Erić, P., Davidović, S., Veselinović, M. S., Stamenković-Radak, M., & Tanasković, M. (2022). Stress resistance traits under different thermal conditions in *Drosophila subobscura* from two altitudes. *Insects*, 13(2), 138.

Erić, P., Jelić, M., Savić-Veselinović, M., Kenig, B., Andelković, M., & Stamenković-Radak, M. (2019). Nucleotide diversity of Cyt b gene in *Drosophila subobscura* Collin. *Genetika*, 51(1), 213-226.

1. Ayaz, A., Zaman, W., Saqib, S., Ullah, F., & Mahmood, T. (2020). Phylogeny and diversity of Lamiaceae based on rps14 gene in Pakistan. *Genetika*, 52(2), 435-452.

Banjanac, T., Skorić, M., Belamarić, M., Nestorović Živković, J., Mišić, D., Jelić, M., ... & Šiler, B. (2018). Pursuit for EST microsatellites in a tetraploid model from de novo transcriptome sequencing. *Genetika*, 50(2), 687-703.

1. Chhapekar, S. S., Brahma, V., Rawoof, A., Kumar, N., Gaur, R., Jaiswal, V., ... & Ramchiary, N. (2020). Transcriptome profiling, simple sequence repeat markers development and genetic diversity analysis of potential industrial crops *Capsicum chinense* and *C. frutescens* of Northeast India. *Industrial Crops and Products*, 154, 112687.

Aleksić, J. M., Banović Đeri, B., Miljuš-Đukić, J., Jovanović, Ž., Mikić, A., Cupina, B., ... & Maksimović, V. R. (2015). A rapid and cost-effective procedure for delineation and utilization of genomic microsatellites for paralleled genotyping in *Vicia faba*. *Czech Journal of Genetics and Plant Breeding*, 51(1), 36-39.

1. Vasić, T., Živković, S., Marković, J., Stanojević, I., Filipović, S., & Terzić, D. (2019). Phytopathogenic fungi causes fungal diseases of the faba bean (*Vicia faba* L.) in Serbia. *Biologica Nyssana*, 10(1). *

*нема ИФ

Збирни преглед квантитативних показатеља научног рада

Назив групе резултата	Ознака	Врста резултата	Пре избора у звање ванредни професор	После избора у звање ванредни професор
(А) Основне научне активности				
Монографије, монографске студије, тематски зборници, лексикографске и картографске публикације међународног значаја	M14	Монографска студија/поглавље у књизи M12 или рад у тематском зборнику међународног значаја	1*4=4	/
Радови објављени у научним часописима међународног значаја	M21a+	Рад у врхунском међународном часопису		2*20=40
	M21a	Рад у врхунском међународном часопису	2*12=24	4*12=48
	M21	Рад у врхунском међународном часопису	5*8=40	2*8=16
	M22	Рад у истакнутом међународном часопису	7*5=35	1*5=5
	M23	Рад у међународном часопису	10*3=30	/
Зборници међународних научних скупова	M32	Предавање по позиву са међународног скупа штампано у изводу	1*1,5=1,5	1*1,5=1,5
	M33	Саопштење са међународног скупа штампано у целини	/	1*1=1
	M34	Саопштење са међународног скупа штампано у изводу	29*0,5=14,5	12*0,5=6
Националне монографије, тематски зборници, лексикографске и картографске публикације националног значаја; научни преводи и критичка издања грађе, библиографске публикације	M45	Поглавље у књизи M42 или рад у тематском зборнику националног значаја	1*1,5=1,5	/
Часописи националног значаја	M51	Рад у водећем часопису националног значаја	1*2=2	/
Зборници скупова националног значаја	M62	Предавање по позиву са скупа националног значаја штампано у изводу	/	1*1=1
	M64	Саопштење са скупа националног значаја штампано у изводу	8*0,2=1,6	/

Магистарске и докторске тезе	M71	Одбрађена докторска дисертација	1*6=6	/
Укупно (А)			160,1	118,5
			278,6	
(Б) Остале научне активности				
Учешће на међународном пројекту			1*2=2	/
Учешће у пројектима билатералне сарадње			/	1*1=1
Учешће у националном пројекту			4*1=4	1*1=1
Рецензија (уз доказ) публикације категорије M20/M50 или M60			5*1,5=7,5	7*1,5=10,5 1*1=1
Цитираност (без аутоцитата)			302-0,1=30,2	
Укупно (Б)			13,5	43,7
			57,2	
Укупно (А+Б)			173,6	162,2
			335,8	

Рекапитулација: Према Правилнику о критеријумима за покретање поступка за стицање наставничких звања на Универзитету у Београду - Биолошком факултету, за поновни избор у звање ванредног професора потребно је да у оквиру научних активности кандидат оствари најмање 24 бода. Др Михаило Јелић је у последњих 5 година остварио **162,2** бода, уз поштовање расподеле бодова по поткатегоријама:

- M10 + M20 + M30 + M40 + M50 + остале научне активности (члан 9) = најмање 20 бодова (остварено **161,2**), од тога из категорија M21a, M21, M22 и M23 најмање 3 публикована рада (публиковано **9**) као и саопштена три рада на међународним или домаћим научним скуповима (категорије M31-M34 и M61-M64) (саопштено **15**);
- M32, M34, M52, M61, M62, M63, M64, M66a= најмање 1.5 бодова (остварено **8,5**).

4. ИЗБОРНИ УСЛОВИ

Према Правилнику о критеријумима за покретање поступка за стицање наставничких звања на Универзитету у Београду-Биолошком факултету неопходно је да кандидат у најмање две категорије има бар по једну поткатегорију. Др Михаило Јелић испуњава овај услов. У првој категорији и другој категорији има резултате у 4 поткатегорије, у трећој у 3 категорије.

1. Стручно-професионални допринос

1.2. Рецензент у водећим међународним научним часописима, или рецензент међународних или националних научних пројеката.
<u>након избора у звање ванредног професора</u> Рецензент за међународне научне часописе из M20 категорије: Environmental Science an Pollution Research 2021, 2023, 2025; PlosOne 2021, 2022; Genetika 2023; Nucleus 2025; из M51 категорије: Contemporary Agriculture 2024
<u>пре избора у звање ванредног професора</u> Рецензент за међународне научне часописе из M20 категорије: Silvae Genetica 2019; Genetika 2017, 2020; Entomological Science, 2018; Plos One, 2019
Рецензија пројекта: The Rufford Small Grants Foundation

1.3. Председник или члан организационог или научног одбора на научним скуповима националног или међународног нивоа
<u>пре избора у звање ванредног професора</u> Члан организационог одбора међународног конгреса: V Congress of the Serbian Genetic Society (28/09/2014 – 02/10/2014) Kladovo, Serbia. 3 rd International Conference on Plant Biology (22nd SPPS Meeting), 2018, Belgrade, Serbia.

1.4. Председник или члан комисија за израду завршних радова на академским основним, мастер или докторским студијама.
након избора у звање ванредног професора - Члан комисије у 5 докторских дисертација (4х председник комисије) - Члан комисије (и ментор) у 1 специјалистичком и 5 мастер радова
пре избора у звање ванредног професора - члан комисије у 6 докторских дисертација (2 пута као ментор, 1 пут као председник Комисије) - члан комисије у 5 специјалистичких радова (1 пут као ментор) - члан комисије у 11 мастер радова (9 пута као ментор) - члан комисије у 43 дипломка рада (7 пута као ментор) * наведено у оквиру наставних активности
1.5. Руководилац или сарадник на домаћим или међународним научним пројектима
након избора у звање ванредног професора - сарадник на националном пројекту ресорног министарства Републике Српске - сарадник на билатералном пројекту са француским истраживачима (SUZINV)
пре избора у звање ванредног професора - сарадник на једном међународном пројекту: DROSEU - сарадник на четири национална пројекта - Два пројекта МНТРС (ОИ143014 и ОИ173012), два САНУ пројекта * детаљно дато у оквиру научних активности
2. Допринос академској и широј заједници
2.2. Председник или члан органа управљања, стручног органа или комисија на факултету или универзитету у земљи или иностранству
након избора у звање ванредног професора - шеф Катедре за генетику и еволуцију 2021- - заменик члана Дисциплинске комисије 2023-
пре избора у звање ванредног професора Члан Савета Биолошког факултета у периоду 01.10.2012.-30.09.2015.
2.4. Учешће у наставним активностима ван студијских програма високошколске установе (перманентно образовање, курсеви у организацији професионалних удружења и институција, програми едукације наставника) или у активностима популаризације науке
након избора у звање ванредног професора - Учешће на манифестацији <i>Дан науке</i> , 10.7.2024. Ботаничка башта „Јевремовац“, Београд. Поставка „Генетичар на дан“ испред Катедре за генетику и еволуцију. У организацији Центра за научно истраживачки рад студената Биологије (ЦНИРС)
пре избора у звање ванредног професора - Предавање у Задужбина Илије М. Коларца: Генетика – од воћне мушице до човека 21.03.2013 - Предавање у оквиру годишње прославе ИБИСС-а 31.05.2013. Адаптивни значај митонуклеусних интеракција код врсте <i>Drosophila subobscura</i> - Учешће у међународном пројекту популаризације науке SCIMFONICUM 2014-15 (EU projekat H2020-MSCA-NIGHT-633376) - Континуирано држао предавања у истраживачкој станици Петница од 2013. године
2.6. Социјалне вештине (поседовање комуникационих способности, способности за презентацију, способности за тимски рад и вођење тима).
пре избора у звање ванредног професора - Школске 2014/15. завршен програм сталног усавршавања наставног особља TRAIN-Training and Research for Academic Newcomers, на Универзитету у Београду у оквиру пројекта који се реализује уз подршку фондације краља Бодуена.
2.7. Способност писања пројектне документације и добијања домаћих и међународних научних и стручних пројеката
након избора у звање ванредног професора - Активно учешће у писању одобрених пројеката наведених под 1.5. (након избора у звање ванредни професор)

3. Сарадња са другим високошколским, научноистраживачким установама, односно установама културе или уметности у земљи и иностранству

3.2. Руковођење или учешће у међународним научним или стручним пројектима или студијама
након избора у звање ванредног професора - Сарадња са Институтутом за биолошка истраживања „Синиша Станковић“ - Сарадња са Универзитетом у Источном Сарајеву, Технолошким факултетом Зворник (наведено под 1.5) - Сарадња са ИНРА, Монпелје, Француска (наведено под 1.5)
пре избора у звање ванредног професора У оквиру међународног пројекта популационо генетичких истраживања <i>Drosophila</i> (DrosEU) од 2016. године сарађује на конкретним задацима радних група између више земаља учесница -Учесник је на пројектима САНУ.

3.3. Радно ангажовање у настави или комисијама на другим високошколским или научноистраживачким установама у земљи или иностранству, или звање гостујућег професора или истраживача
након избора у звање ванредног професора 7 чланства у Комисији за избор у научно звање колега са Института за биолошка истраживања „Синиша Станковић“ 1 чланство у Комисији за избор у научно звање колегинице са Универзитета у Новом Саду 2 чланства у Комисији за избор наставника Универзитета у Источном Сарајеву и Универзитета у Новом Саду 1 чланство у комисији за давање мишљења за избор сарадника на Стоматолошком факултету – Универзитета у Београду *излистано након табеле
Научни сарадник, др Тијана Бањанац , 2022. Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“. Комисија: др Бранислав Шилер, научни саветник, ИБИСС, Универзитет у Београду, др Данијела Мишић, научни саветник, ИБИСС, Универзитет у Београду, др Михаило Јелић , ванредни професор, Универзитет у Београду – Биолошки факултет.
Виши научни сарадник, др Тијана Бањанац , 2022. Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“. Комисија: др Бранислав Шилер, научни саветник, ИБИСС, Универзитет у Београду, др Данијела Мишић, научни саветник, ИБИСС, Универзитет у Београду, др Михаило Јелић , ванредни професор, Универзитет у Београду – Биолошки факултет.
Виши научни сарадник, др Тања Аднађевић , 2023. Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“. Комисија: др Јелена Благојевић, научни саветник, ИБИСС, Универзитет у Београду, др Ивана Будински, виши научни сарадник, ИБИСС, Универзитет у Београду, др Михаило Јелић , ванредни професор, Универзитет у Београду – Биолошки факултет.
Виши научни сарадник, др Марија Рајичић , 2024. Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“. Комисија: др Јелена Благојевић, научни саветник, ИБИСС, Универзитет у Београду, др Ивана Будински, виши научни сарадник, ИБИСС, Универзитет у Београду, др Михаило Јелић , ванредни професор, Универзитет у Београду – Биолошки факултет.
Научни сарадник, др Павле Ерић , 2024. Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“. Комисија: др Марија Танасковић, виши научни сарадник, ИБИСС, Универзитет у Београду, др Александра Патенковић, виши научни сарадник ИБИСС, Универзитет у Београду, др Михаило Јелић , ванредни професор, Универзитет у Београду – Биолошки факултет, др Миломир Стефановић, доцент, Природно-математички факултет, Универзитет у Новом Саду.
Виши научни сарадник, др Милан Миљевић , 2025. Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“. Комисија: др Ивана Будински, виши научни сарадник, ИБИСС, Универзитет у Београду, др Јелена Благојевић, научни саветник, ИБИСС, Универзитет у Београду, др Михаило Јелић , ванредни професор, Универзитет у Београду – Биолошки факултет
Виши научни сарадник, др Марија Танасковић , 2022. Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“, Универзитет у Београду. Комисија: др Марина Стаменковић-Радак, редовни професор, Универзитет у Београду - Биолошки факултет, др Бранислав Шилер, научни саветник ИБИСС, Универзитет у Београду, др Михаило Јелић , ванредни професор, Универзитет у Београду - Биолошки факултет.
Виши научни сарадник, 2023. др Љубинка Француски Марчетић , Универзитет у Новом Саду, Природно-математички факултет. Комисија: др Весна Миланков, редовни професор, Природно-математички факултет, Универзитет у Новом Саду, др Јасмина Лудошки, ванредни професор,

Природно-математички факултет, Универзитет у Новом Саду, др Михаило Јелић , ванредни професор, Универзитет у Београду – Биолошки факултет.
Доцент за ужу научну област Генетика и наслеђивање, др Мирјана Берибака , 2022. Универзитет у Источном Сарајеву, Технолошки факултет Зворник. Комисија: др Марина Стаменковић-Радак, редовни професор, Универзитет у Београду-Биолошки факултет, др Михаило Јелић , ванредни професор, Универзитет у Београду – Биолошки факултет, др Александра Новаковић, ванредни професор, Технолошки факултет Зворник, Универзитет у Источном Сарајеву.
Доцент за ужу научну област Генетика, др Миломир Стефановић , 2023. Департман за Биологију и екологију, Природно математичког факултета Универзитета у Новом Саду. Комисија: др Михајла Ђан, редовни професор, Природно-математички факултет, Универзитет у Новом Саду, др Михаило Јелић , ванредни професор, Универзитет у Београду - Биолошки факултет, др Биљана Јекић, редовни професор, Универзитет у Београду - Медицински факултет.
Давање мишљења за избор др Бојане Стевановић у звање асистент са докторатом за ужу научну област Базичне стоматолошке науке, наставни предмет Биологија са хуманом генетиком на Стоматолошком факултету Универзитета у Београду. Комисија: др Маихаило Јелић , ванредни професор, Универзитет у Београду – Биолошки факултет; др Катарина Зелјић, ванредни професор, Универзитет у Београду – Биолошки факултет; др Тања Јевђовић, доцент, Универзитет у Београду – Биолошки факултет.
Доцент а ужу научну област Генетика и еволуција, др Леа Влајнић , 2025. Универзитет у Београду – Биолошки факултет. Комисија: др Биљана Стојковић, редовни професор, др Михаило Јелић , ванредни професор, др Мирко Ђорђевић, виши научни сарадник.
пре избора у звање ванредног професора 5 чланства у Комисији за избор у истраживачко или научно звање колега са Института за биолошка истраживања „Синиша Станковић“ 2 чланства у Комисији за избор у истраживачко или научно звање колега са Универзитета у Новом Саду 1 чланство у Комисији за избор асистента колеге са Универзитета у Новом Саду. *излистано након табеле
Асистента за ужу научну област Генетика, Миломир Стефановић , 2020. Универзитет у Новом Саду, Природно-математички факултет. Комисија: проф. др Михајла Ђан (председник комисије), Универзитет у Новом Саду, Природно-математички факултет, доц. др Биљана Јекић, Универзитет у Београду – Медицински факултет, доц. др Михаило Јелић , Универзитет у Београду – Биолошки факултет.
Научни сарадник, др Миломир Стефановић , 2020. Универзитет у Новом Саду, Природно-математички факултет. Комисија: проф. др Михајла Ђан (председник комисије), Универзитет у Новом Саду, Природно-математички факултет, др Слободан Давидовић, Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“, Универзитет у Београду, доц. др Михаило Јелић , Универзитет у Београду – Биолошки факултет.
Истраживач сарадник, Немања Гојковић , 2020. Универзитет у Новом Саду, Природно-математички факултет. Комисија: проф. др Јасмина Лудошки (председник комисије), проф. др Весна Миланков, Универзитет у Новом Саду, Природно-математички факултет, др Љубинка Француски Марчетић, Универзитет у Новом Саду, Природно-математички факултет, доц. др Михаило Јелић , Универзитет у Београду – Биолошки факултет.
Научни сарадник, др Марија Рајичић , 2019. Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“, Универзитет у Београду. Комисија: др Тања Аднађевић (председник комисије), Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“, Универзитет у Београду, доц. др Михаило Јелић , Универзитет у Београду – Биолошки факултет, др Јелена Благојевић, Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“, Универзитет у Београду.
Истраживач приправник, Павле Ерић , 2017. Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“, Универзитет у Београду. Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“, Универзитет у Београду. Комисија: др Бојан Кениг (председник комисије), Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“, Универзитет у Београду, проф. др Марина Стаменковић-Радак, Универзитет у Београду – Биолошки факултет, доц. др Михаило Јелић , Универзитет у Београду – Биолошки факултет.
Истраживач сарадник, Павле Ерић , 2020. Институт за биолошка истраживања „Синиша

Станковић“, Универзитет у Београду. Комисија: проф. др Марина Стаменковић-Радак (председник комисије), Универзитет у Београду – Биолошки факултет, **доц. др Михаило Јелић** Универзитет у Београду – Биолошки факултет, др Марија Танасковић, Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“, Универзитет у Београду.

Научни сарадник, **др Тијана Бањанац**, 2017. Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“, Универзитет у Београду. Комисија: др Бранислав Шилер (председник комисије), Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“, Универзитет у Београду, **доц. др Михаило Јелић**, Универзитет у Београду – Биолошки факултет, др Маријана Скорић, Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“, Универзитет у Београду.

Истраживач сарадник, **др Марија Танасковић**, 2015. Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“, Универзитет у Београду. Комисија: проф. др Марина Стаменковић-Радак (председник комисије), Универзитет у Београду – Биолошки факултет, др Зорана Курбалија Новичић, Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“, Универзитет у Београду, **доц. др Михаило Јелић**, Универзитет у Београду – Биолошки факултет.

3.6. Учешће у изради и спровођењу заједничких студијских програма

након избора у звање ванредног професора

Мастер 4.0 Биоинформатика (Биолошки факултет, Математички факултет, Институт за генетику и генетичко инжењерство, Институт Винча, Институт за онкологију и радиологију Србије, Институт за Биолошка истраживања „Синиша Станковић“). Креирање наставног програма изборног предмета *Популациона генетика*.

ЗАКЉУЧАК И ПРЕДЛОГ КОМИСИЈЕ

На основу увида у приложену документацију и разматрања педагошких и научних резултата кандидата, свеобухватно, али посебно у оцењиваном изборном периоду, Комисија констатује да др Михаило Јелић испуњава услове прописане Правилником о критеријумима за покретање поступка за стицање наставничких звања на Универзитету у Београду – Биолошком факултету, за реизбор у звање ванредног професора.

У наставном раду кандидата истиче се његов допринос настави обавезног курса Генетика, основних академских студија, где је аутор уџбеника, настави на докторским студијама модула Генетика, као и успешно руковођење модулом Примењена генетика мастер академских студија. Оцењен је високим оценама на студентским анкетама на свим нивоима студија на којима држи наставу. Учествовао је у изради заједничког студијског програма из области Биоинформатике са другим институцијама у оквиру матичног универзитета. Рецензирао је уџбенике матичног, али и других универзитета.

До сада је објавио 91 библиографску јединицу. У научном раду у оцењиваном изборном периоду кандидат је остварио значајан напредак у области популационе и еволуционе генетике где је, својим експерименталним радовима, дао значајан допринос расветљавању улоге различитих селекционих механизма у одржавању симпатричке варијабилности митохондријске ДНК. Осам од девет научних радова, објављених од претходног избора, припадају категоријама M21a+, M21a и M21, а два рада су у часописима са $IF > 10$. На три рада др Јелић је последњи аутор. Један од радова M21 категорије добио је и награду часописа за годину у којој је објављен. Његови радови су, до сада, цитирани 302 пута без аутоцитата у часописима са SCI листе. Своје резултате је презентовао на међународним и националним скуповима кроз саопштења и предавања по позиву првенствено из области еволуционе биологије, генетике и ентомологије. У оцењиваном изборном периоду активно је учествовао у припреми једног националног и једног билатералног пројекта. Сарађује са другим институцијама у земљи и иностранству, кроз научне радове, и већи број комисија за избор у научна и наставна звања.

Комисија предлаже Изборном већу Универзитета у Београду – Биолошког факултета да прихвати овај Извештај и утврди предлог Већу научних области природних наука Универзитета у Београду да се др Михаило Јелић реизабере у звање ванредног професора за ужу научну област Генетика и еволуција на Институту за зоологију Биолошког факултета.

У Београду 26. 11. 2025. године

др Марија Савић Веселиновић, ванредни професор
Универзитет у Београду – Биолошки факултет

др Жељко Томановић, редовни професор
Универзитет у Београду – Биолошки факултет
Дописни члан САНУ

др Јелена Благојевић, научни саветник
Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“
Институт од националног значаја за Републику Србију
Универзитет у Београду

А) ГРУПАЦИЈА ПРИРОДНО-МАТЕМАТИЧКИХ НАУКА

С А Ж Е Т А К
РЕФЕРАТА КОМИСИЈЕ О ПРИЈАВЉЕНИМ КАНДИДАТИМА
ЗА ИЗБОР У ЗВАЊЕ

I - О КОНКУРСУ

Назив факултета: **Универзитет у Београду - Биолошки факултет**
 Ужа научна, односно уметничка област: **Генетика и еволуција**
 Број кандидата који се бирају: **1 (један)**
 Број пријављених кандидата: **1 (један)**
 Имена пријављених кандидата:
 1. **др Михаило Јелић**

II - О КАНДИДАТИМА**1) - Основни биографски подаци**

- Име, средње име и презиме: **Михаило (Борђе) Јелић**
 - Датум и место рођења: **5. 7. 1982., Београд**
 - Установа где је запослен: **Универзитет у Београду - Биолошки факултет**
 - Звање/радно место: **ванредни професор**
 - Научна, односно уметничка област **Биологија**

2) - Стручна биографија, дипломе и звањаОсновне студије:

- Назив установе: **Универзитет у Београду - Биолошки факултет**
 - Место и година завршетка: **Београд, 2006**

Докторат:

- Назив установе: **Универзитет у Београду - Биолошки факултет**
 - Место и година одбране: **Београд, 2012**
 - Наслов дисертације: **Хромозомска, микросателитска и митохондријална ДНК варијабилност популација *Drosophila subobscura* у клисурама и кањонима Србије**
 - Ужа научна, односно уметничка област: **Генетика и еволуција**

Досадашњи избори у наставна и научна звања:

- сарадник у настави **2007.**
 - асистент **2008. и 2011.**
 - доцент **2013. и 2018.**
 - ванредни професор **2021.**
 - научни сарадник **2016. и 2021.**

3) Испуњени услови за избор у звање ВАНРЕДНИ ПРОФЕСОР**ОБАВЕЗНИ УСЛОВИ:**

	<i>(заокружити испуњен услов за звање у које се бира)</i>	оцена / број година радног искуства
1	Приступно предавање из области за коју се бира, позитивно оцењено од стране високошколске установе	/
2	Позитивна оцена педагошког рада у студентским анкетама током целокупног претходног изборног периода	просек 4,76
3	Искуство у педагошком раду са студентима	19 година

	<i>(заокружити испуњен услов за звање у које се бира)</i>	Број менторства / учешћа у комисији и др.
4	Резултати у развоју научнонаставног подмлатка на факултету	Ментор 3 докторске дисертације 2 специјалистичка рада 14 мастер радова 7 дипломских радова

5	Учешће у комисији за одбрану три завршна рада на специјалистичким, односно мастер академским студијама	6 специјалистичких радова (2 пута као коментор) 16 мастер радова (14 пута као ментор или коментор)
---	--	---

	<i>(заокружити испуњен услов за звање у које се бира)</i>	Број радова, сапштења, цитата и др	Навести часописе, скупове, књиге и друго
6	Објављена два рада из категорије М21, М22 или М23 из научне области за коју се бира		/
7	Учешће на научном или стручном скупу (катеорије М31-М34 и М61-М64).		/
8	Објављена три рада из категорије М21, М22 или М23 од првог избора у звање доцента из научне области за коју се бира		/
<u>9</u>	Оригинално стручно остварење или руковођење или учешће у пројекту	Сарадник на 7 пројеката	Међународни пројекат: - „European Drosophila population genomics“, ESEB – Special Topics Network (STN); 2016-2022. Билатерални пројекат: - Genomic and cytogenetic characterization of chromosome inversions in the invasive pest <i>Drosophila suzukii</i> (SUZINV), Србија-Француска, 2025- Национални пројекти: -Промјене у микробиоти и адаптације терестричне модел врсте под климатским и антропогеним стресом, МНТРВО Република Српска, 2024-2025. -Динамика генофонда, генетичка и фенотипска варијабилност популација у промеливним условима средине, МПНТРРС 2010- -Еколошка и генетичка истраживања популација <i>Drosophila</i> централног Балкана, САНУ, 2016-2020. - Утицај повишене концентрације тешких метала у животној средини на генетичку структуру и адаптивне процесе природних популација организама (ТЕМЕГЕНС), САНУ, 2019-2022. - Адаптивни значај генетичког полиморфизма у популацијама <i>Drosophila</i> , МПНТРРС 2006-2010.
<u>10</u>	Одобрен и објављен уџбеник за ужу област за коју се бира, монографија, практикум или збирка задатака (са ISBN бројем)	уџбеник	Катарина Зељић, Марија Савић Веселиновић, Михаило Јелић (2021) Генетика. Биолошки факултет, Универзитета у Београду. ISBN-978-86-7078-163-4, COBISS.SR-ID, 43959305.
11	Саопштена три рада на међународним или домаћим научним скуповима (катеорије М31-М34 и М61-М64)		/

<u>12</u>	Објављена два рада из категорије M21, M22 или M23 у периоду од последњег избора из научне области за коју се бира. (за поновни избор ванр. проф)	9 радова M21a+ - 2 M21a - 4 M21 - 2 M22 - 1	M21a+: -Molecular Biology and Evolution (2025,2021) M21a: -Insects (2025, 2022) -Elife (2021) -Virus Evolution (2021) M21 -Evolution Letters (2025) -Insects (2021) M22 -European Journal of Entomology (2022)
<u>13</u>	Саопштена три рада на међународним или домаћим научним скуповима (катеорије M31-M34 и M61-M64) у периоду од последњег избора из научне области за коју се бира. (за поновни избор ванр. проф)	15 саопштења M32 – 1 M33 – 1 M34 – 12 M62 – 1	M32 -Congress of the Serbian Genetic Society, Zlatibor, Serbia, (2024) M33 -1st International Electronic Conference on Entomology (2021) M34 -EMBO/FEBS Lecture Course: The evolving role of mitochondria in metabolism, Belgrade, Serbia (2025) -Congress of the European Society for Evolutionary Biology, Barcelona, Spain (2025) -4x Congress of the Serbian Genetic Society, Zlatibor, Serbia, (2024) -5th International Conference on Plant Biology (24th SPPS Meeting), Srebrno jezero, Serbia (2024) -2x 1st International Electronic Conference on Entomology (2021) -2x Congress of the European Society for Evolutionary Biology, Prague, Czech Republic (2022) -4th International Conference on Plant Biology (23rd SPPS Meeting), Belgrade (2022) M62 - Treći kongres biologa Srbije, Zlatibor, Srbija (2022)
14	Објављена четири рада из категорије M21, M22 или M23 од првог избора у звање ванредног професора из научне области за коју се бира.		/
<u>15</u>	Цитираност од 10 хетеро цитата	319	Радови су цитирани 319 пута од тога 302 пута у часописима са СЦИ листе
16	Саопштено пет радова на међународним или домаћим скуповима од којих један мора да буде пленарно предавање или предавање по позиву на међународном или домаћем научном скупу (катеорије M31-M34 и M61-M64)		/
17	Књига из релевантне области, одобрен џбеник за ужу област за коју се бира, поглавље у одобреном <u>уџбенику за ужу област за коју се бира</u> или <u>превод иностраног уџбеника одобреног за ужу област за коју се бира</u> , објављени у периоду од избора у наставничко звање		/

18	Број радова као услов за менторство у вођењу докт. дисерт. – (стандард 9 Правилника о стандардима...)	19 радова у последњих 10 година M21a+ - 2 M21a – 5 M21 – 5 M22 – 4 M23 - 3	M21a: -Molecular Biology and Evolution (2025,2021) M21a: -Elife (2021) -Insects (2025, 2022) -Virus Evolution (2021) - Insect Science (2017) M21 -Evolution Letters (2025) -Insects (2021) - Scientific Reports (2020) - Journal of Neuroscience Research (2021) - Plants (2019) M22 -European Journal of Entomology (2022) -BMC evolutionary biology (2020) - Climate Research (2019) - European Journal of Entomology (2019) M23 - Arch Biol Sci (2021) - Genetika (2019, 2018)
-----------	---	---	--

ИЗБОРНИ УСЛОВИ:

<i>(изабрати 2 од 3 услова)</i>	<i>Заокружити ближе одреднице (најмање по једна из 2 изабрана услова)</i>
1. Стручно-професионални допринос	1. Председник или члан уређивачког одбора научних часописа или зборника радова у земљи или иностранству. 2. Рецензент у водећим међународним научним часописима, или рецензент међународних или националних научних пројеката. 3. Председник или члан организационог или научног одбора на научним скуповима националног или међународног нивоа. 4. Председник или члан комисија за израду завршних радова на академским основним, мастер или докторским студијама. 5. Руководилац или сарадник на домаћим или међународним научним пројектима. 6. Аутор/коаутор прихваћеног патента, техничког унапређења или иновације. 7. Писма препоруке.
2. Допринос академској и широј заједници	1. Чланство у страним или домаћим академијама наука, или чланство у стручним или научним асоцијацијама у које се члан бира. 2. Председник или члан органа управљања, стручног органа или комисија на факултету или универзитету у земљи или иностранству. 3. Члан националног савета, стручног, законодавног или другог органа и комисије министарстава. 4. Учешће у наставним активностима ван студијских програма високошколске установе (перманентно образовање, курсеви у организацији професионалних удружења и институција, програми едукације наставника) или у активностима популаризације науке 5. Домаће и или међународне награде и признања у развоју образовања и науке. 6. Социјалне вештине (поседовање комуникационих способности, способности за презентацију, способности за тимски рад и вођење тима). 7. Способност писања пројектне документације и добијања домаћих и међународних научних и стручних пројеката.

3. Сарадња са другим високошколским, научноистраживачким установама, односно установама културе или уметности у земљи и иностранству	1. Постдокторско усавршавања или студијски боравци у иностранству. 2. Руководјење или учешће у међународним научним или стручним пројекатима или студијама. 3. Радно ангажовање у настави или комисијама на другим високошколским или научноистраживачким установама у земљи или иностранству, или звање гостујућег професора, или истраживача. 4. Руководјење или чланство у органу професионалног удружења или организацији националног или међународног нивоа. 5. Учесће у програмима размене наставника и студената. 6. Учесће у изради и спровођењу заједничких студијских програма. 7. Предавања по позиву на универзитетима у земљи или иностранству.
--	---

***Напомена:** На крају табеле кратко описати заокружену одредницу

1. Стручно-професионални допринос

1.2. Рецензент у водећим међународним научним часописима, или рецензент међународних или националних научних пројеката.
Рецензент за међународне научне часописе из M20 и M51 категорије: Environmental Science and Pollution Research 2021(M22), 2023(M24+), 2025(M24+); PlosOne 2021(M22), 2022(M21); Contemporary Agriculture 2024 (M51); Genetika 2023(M24); Nucleus 2025(M23). Silvae Genetica 2019(M23); Genetika 2017(M23), 2020(M23); Entomological Science, 2018(M22); Plos One, 2019(M22) Рецензија пројекта: The Rufford Small Grants Foundation
1.3. Председник или члан организационог или научног одбора на научним скуповима националног или међународног нивоа
Члан организационог одбора међународног конгреса: V Congress of the Serbian Genetic Society (28/09/2014 – 02/10/2014) Kladovo, Serbia. 3 rd International Conference on Plant Biology (22nd SPPS Meeting), 2018, Belgrade, Serbia.
1.4. Председник или члан комисија за израду завршних радова на академским основним, мастер или докторским студијама.
- члан комисије у 11 докторских дисертација (5 пута као председник Комисије, 2 пута као ментор) - члан комисије у 6 специјалистичких радова (2 пута као ментор) - члан комисије у 16 мастер радова (14 пута као ментор) - члан комисије у 43 дипломска рада (7 пута као ментор)
1.5. Руководилац или сарадник на домаћим или међународним научним пројектима
Учесће у међународном пројекту
European Drosophila population genomics, Финансијер и трајање: ESEB – Special Topics Network (STN); 2016-2022. Руководилац пројекта: The European Drosophila Population Genomics Consortium (http://droseu.net/)
Учесће у пројектима билатералне сарадње
SUZINV: Genomic and cytogenetic characterization of chromosome inversions in the invasive pest Drosophila suzukii, Финансијер: Ministarstvo nauke, tehnološkog razvoja i inovacija, Bilateralni projekat Srbija-Francuska: ИНРА, Монпеље, Руководилац: проф. др Марија Савић Веселиновић
Учесће у националном пројекту
Промјене у микробиоти и адаптације терестричне модел врсте под климатским и антропогеним стресом Финансијер: Министарство за научнотехнолошки развој и високо образовање Републике Српске, Трајање: 2024-2025, Руководилац/координатор: доц. др Мирјана Шиповац
Динамика генофонда, генетичка и фенотипска варијабилност популација у промеливим условима средине, Финансијер и трајање: МПНТРС 2010-. Руководилац: академик Марко Анђелковић

Еколошка и генетичка истраживања популација <i>Drosophila</i> централног Балкана, Финансијер и трајање: Српска академија наука и уметности, 2016-2020. Руководилац: академик Марко Анђелковић
Утицај повишене концентрације тешких метала у животној средини на генетичку структуру и адаптивне процесе природних популација организама (ТЕМЕГЕНС), Финансијер и трајање: Српска академија наука и уметности, 2019-2022. Руководилац: академик Марко Анђелковић
Адаптивни значај генетичког полиморфизма у популацијама <i>Drosophila</i> . Финансијер и трајање: МПНТРС 2006-2010. Руководилац: академик Марко Анђелковић

2. Допринос академској и широј заједници

2.2. Председник или члан органа управљања, стручног органа или комисија на факултету или универзитету у земљи или иностранству
- шеф Катедре за генетику и еволуцију 2021- - заменик члана Дисциплинске комисије 2023- - Члан савета Биолошког факултета у периоду 01.10.2012.-30.09.2015.

2.4. Учешће у наставним активностима ван студијских програма високошколске установе (перманентно образовање, курсеви у организацији професионалних удружења и институција, програми едукације наставника) или у активностима популаризације науке
- Учешће на манифестацији Дан науке, 10.7.2024. Ботаничка башта „Јевремовац“, Београд. Поставка „Генетичар на дан“ испред Катедре за генетику и еволуцију. У организацији Центра за научно истраживачки рад студената Биологије (ЦНИРС) - Предавање у Задужбин Илије М. Коларца: Генетика – од воћне мушице до човека 21.03.2013 - Предавање у оквиру годишње прославе ИБИСС-а 31.05.2013. Адаптивни значај митонуклеусних интеракција код врсте <i>Drosophila subobscura</i> - Учешће у међународном пројекту популаризације науке SCIMFONICUM 2014-15 (EU projekat H2020-MSCA-NIGHT-633376) - Континуирано држао предавања у истраживачкој станици Петница од 2013. године (18 семинара два програма Биологија и Експериментална биологија и хемија)

2.6. Социјалне вештине (поседовање комуникационих способности, способности за презентацију, способности за тимски рад и вођење тима).
- Школске 2014/15. завршен програм сталног усавршавања наставног особља TRAIN-Training and Research for Academic Newcomers, на Универзитету у Београду у оквиру пројекта који се реализује уз подршку фондације краља Бодуена.

2.7. Способност писања пројектне документације и добијања домаћих и међународних научних и стручних пројеката
- Активно учешће у писању одобрених пројеката наведених под 1.5. (посебно билатералног пројекта SUZINV и националног пројекта Републике Српске)

3. Сарадња са другим високошколским, научноистраживачким установама, односно установама културе или уметности у земљи и иностранству

3.2. Руководјење или учешће у међународним научним или стручним пројектима или студијама
- Сарадња са Институтом за биолошка истраживања „Синиша Станковић“ - Сарадња са Универзитетом у Источном Сарајеву, Технолошким факултетом Зворник (наведено под 1.5) - Сарадња са ИНРА, Монпеље, Француска (наведено под 1.5) - У оквиру међународног пројекта популационо генетичких истраживања <i>Drosophila</i> (DrosEU) од 2016. године сарађује на конкретним задацима радних група између више земаља учесница - Учесник је на пројектима САНУ.

3.3. Радно ангажовање у настави или комисијама на другим високошколским или научноистраживачким установама у земљи или иностранству, или звање гостујућег професора или истраживача
12 чланства у Комисији за избор у истраживачко или научно звање колега са Института за биолошка истраживања „Синиша Станковић“
3 чланства у Комисији за избор у истраживачко или научно звање колега са Универзитета у Новом Саду
3 чланства у Комисији за избор наставника и сарадника Универзитета у Источном Сарајеву и Универзитета у Новом Саду
1 чланство у комисији за давање мишљења за избор сарадника на Стоматолошком факултету – Универзитета у Београду
Научни сарадник, др Тијана Бањанац , 2022. ИБИСС – Универзитет у Београду
Виши научни сарадник, др Тијана Бањанац , 2022. ИБИСС – Универзитет у Београду
Виши научни сарадник, др Тања Аднађевић , 2023. ИБИСС – Универзитет у Београду
Виши научни сарадник, др Марија Рајичић , 2024. ИБИСС – Универзитет у Београду
Научни сарадник, др Павле Ерић , 2024. ИБИСС – Универзитет у Београду
Виши научни сарадник, др Милан Миљевић , ИБИСС – Универзитет у Београду
Виши научни сарадник, др Марија Танасковић , ИБИСС – Универзитет у Београду
Виши научни сарадник, 2023. др Љубинка Француски Марчетић , ПМФ – Универзитет у Новом Саду
Доцент за ужу научну област Генетика и наслеђивање, др Мирјана Берибака , 2022. Универзитет у Источном Сарајеву, Технолошки факултет Зворник.
Доцент, 2023. др Миломир Стефановић , ПМФ – Универзитет у Новом Саду
Давање мишљења за избор др Бојане Стевановић у звање асистент са докторатом Стоматолошком факултету Универзитета у Београду.
Доцент а ужу научну област Генетика и еволуција, др Леа Влајнић , 2025. Универзитет у Београду – Биолошки факултет.
Асистента за ужу научну област Генетика, Миломир Стефановић , 2020. ПМФ - Универзитет у Новом Саду.
Научни сарадник, др Миломир Стефановић , 2020. ПМФ - Универзитет у Новом Саду.
Истраживач сарадник, Немања Гојковић , 2020. ПМФ - Универзитет у Новом Саду.
Научни сарадник, др Марија Рајичић , 2019. ИБИСС – Универзитет у Београду
Истраживач приправник, Павле Ерић , 2017. ИБИСС – Универзитет у Београду
Истраживач сарадник, Павле Ерић , 2020. ИБИСС – Универзитет у Београду
Научни сарадник, др Тијана Бањанац , 2017. ИБИСС – Универзитет у Београду
Истраживач сарадник, др Марија Танасковић , 2015. ИБИСС – Универзитет у Београду

III - ЗАКЉУЧНО МИШЉЕЊЕ И ПРЕДЛОГ КОМИСИЈЕ

На основу увида у приложену документацију и разматрања педагошких и научних резултата кандидата, свеобухватно, али посебно у оцењиваном изборном периоду, Комисија констатује да др Михаило Јелић испуњава услове прописане Правилником о критеријумима за покретање поступка за стицање наставничких звања на Универзитету у Београду – Биолошком факултету, за реизбор у звање ванредног професора.

У наставном раду кандидата истиче се његов допринос настави обавезног курса Генетика, основних академских студија, где је аутор уџбеника, настави на докторским студијама модула Генетика, као и успешно руковођење модулом Примењена генетика мастер академских студија. Оцењен је високим оценама на студентским анкетама на свим нивоима студија на којима држи наставу. Учествовао је у изради заједничког студијског програма из области Биоинформатике са другим институцијама у оквиру матичног универзитета. Рецензирао је уџбенике матичног, али и других универзитета.

До сада је објавио 91 библиографску јединицу. У научном раду у оцењиваном изборном периоду кандидат је остварио значајан напредак у области популационе и еволуционе генетике где је, својим експерименталним радовима, дао значајан допринос расветљавању улоге различитих селекционих механизма у одржавању симпатричке варијабилности митохондријске ДНК. Осам од девет научних радова, објављених од претходног избора, припадају категоријама M21a+, M21a и M21, а два рада су у часописима са IF>10. На три рада др Јелић је последњи аутор. Један од радова M21 категорије добио је и награду часописа за годину у којој је објављен. Његови радови су, до сада, цитирани 302 пута без аутоцитата у часописима са SCI листе. Своје резултате је презентовао на међународним и националним скуповима кроз саопштења и предавања по позиву првенствено из области еволуционе биологије, генетике и ентомологије. У оцењиваном изборном периоду активно је учествовао у припреми једног националног и једног билатералног пројекта. Сарађује са другим институцијама у земљи и иностранству, кроз научне радове, и већи број комисија за избор у научна и наставна звања.

Комисија предлаже Изборном већу Универзитета у Београду – Биолошког факултета да прихвати овај Извештај и утврди предлог Већу научних области природних наука Универзитета у Београду да се др Михаило Јелић реизабере у звање ванредног професора за ужу научну област Генетика и еволуција на Институту за зоологију Биолошког факултета.

Место и датум: Београд, 26. 11. 2025. године

ПОТПИСИ ЧЛАНОВА КОМИСИЈЕ

др Марија Савић Веселиновић, ванредни професор
Универзитет у Београду – Биолошки факултет
Председник комисије

др Жељко Томановић, редовни професор
Универзитет у Београду – Биолошки факултет
Дописни члан САНУ

Др Јелена Благојевић, научни саветник
Институт за биолошка истраживања „Синиша Станковић“
Институт од националног значаја за републику Србију
Универзитет у Београду