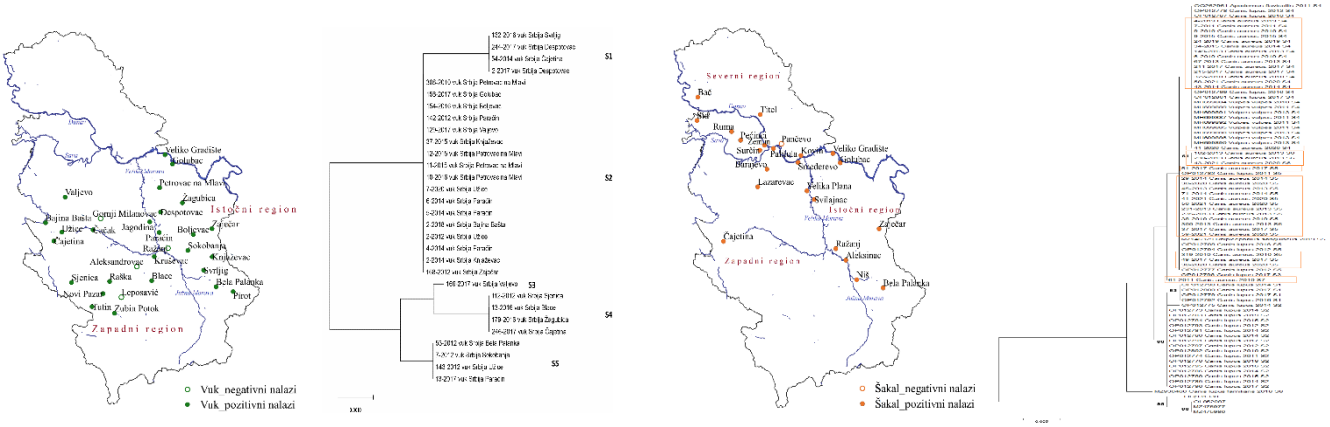
Одбрана докторске дисертације Милице К. Куручки

***Hepatozoon canis* у популацијама вука (*Canis lupus*) и шакала (*Canis aureus*) на територији Србије**

14.02.2025. у 10 часова
Велика сала Института за зоологију, Биолошки факултет, Студентски трг 3

МЕНТОРИ
- др Душко Ћировић, редовни професор, Универзитет у Београду – Биолошки факултет
- др Снежана Томановић, научни саветник, Универзитет у Београду – Институт за медицинска истраживања, Институт од националног значаја за Републику Србију

КОМИСИЈА
- др Ратко Сукара, научни сарадник, Универзитет у Београду – Институт за медицинска истраживања, Институт од националног значаја за Републику Србију
- др Александра Пенезић, доцент, Универзитет у Београду – Биолошки факултет
- др Анђељко Петровић, редовни професор, Универзитет у Београду – Биолошки факултет.



- По први пут у Србији је утврђена висока преваленција *H. canis* код вука (57,94%) и шакала (78,95%). Резултати указују на њихов значај као потенцијалних резервоара у циклусу кружења *H. canis* у природи. Регистрована преваленција код јувенилних шакала (40%) може указивати на трансплацентални вид преношења овог патогена. У географском погледу код вука већа преваленција је била у источном региону (72,7%) у односу на западни регион (47,6%). Код шакала највећа преваленција забележена је у западном региону (95,6%), затим у источном региону (84,8%), потом северном региону (68,9%).

- Филогенетске анализе 18S rRNK секвенци *H. canis* детектованих код вука и шакала показале су присуство пет (C1-C5), односно четири различита типа секвенци (C4-C7). Код вука у географском погледу сви типови секвенци (C1-C5) су заступљени у западном региону, док су четири типа (C1, C2, C4 и C5) заступљена у источном региону, код шакала највећи диверзитет је регистрован у северном региону (C4-C7), потом у источном региону (C4-C6), а најмања разноврсност је уочена у западном региону (C4-C5). Већи генетчки диверзитет у секвенцама пореклом из вука у поређењу са онима из шакала може се приписати факторима као што су специфичност и адаптација домаћина, динамика популације домаћина, динамика преноса и географске специфичности региона.